

OTU table	Relative abundance (%)	Mean				SEM				One-way ANOVA		Tukey post-tests (p-value)	
		KO DEF	KO DEF ITF	WT DEF	WT DEF ITF	KO DEF	KO DEF ITF	WT DEF	WT DEF ITF	p-value	q-value	KO DEF vs KO DEF ITF	WT DEF vs WT DEF ITF
OTU_10	Pseudoflavonifractor sp. (1)	7,5850	0,4526	4,2756	0,4754	0,8266	0,1813	0,6817	0,1280	<u>4,19E-15</u>	<u>1,72E-12</u>	<u>1,92E-12</u>	<u>8,72E-06</u>
OTU_21	Clostridium XIVb sp. (1)	2,7489	0,1817	0,8081	0,1581	0,4269	0,1118	0,1135	0,0567	<u>5,78E-13</u>	<u>7,91E-11</u>	<u>1,46E-11</u>	1,10E-01
OTU_61	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,7939	0,0092	0,0219	0,0002	0,1476	0,0076	0,0140	0,0002	<u>3,16E-13</u>	<u>5,19E-11</u>	<u>3,72E-11</u>	9,95E-01
OTU_129	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,1241	0,0019	0,0589	0,0026	0,0209	0,0011	0,0087	0,0013	<u>1,93E-12</u>	<u>2,27E-10</u>	<u>5,54E-11</u>	<u>9,13E-04</u>
OTU_884	unclassified_Ruminococcaceae (0.922)	1,6238	0,0958	0,2769	0,1077	0,2603	0,0363	0,1005	0,0643	<u>4,74E-12</u>	<u>4,86E-10</u>	<u>1,24E-10</u>	7,84E-01
OTU_104	unclassified_Ruminococcaceae (1)	0,1216	0,0057	0,1532	0,0100	0,0188	0,0027	0,0110	0,0041	<u>6,70E-18</u>	<u>5,50E-15</u>	<u>4,70E-10</u>	<u>1,54E-12</u>
OTU_843	unclassified_Ruminococcaceae (0.901)	1,3444	0,0758	0,1752	0,0267	0,2352	0,0288	0,0940	0,0221	<u>1,45E-11</u>	<u>1,32E-09</u>	<u>8,11E-10</u>	7,85E-01
OTU_910	Flavonifractor sp. (0.971)	0,1405	0,0128	0,0028	0,0026	0,0322	0,0059	0,0010	0,0015	<u>2,35E-09</u>	<u>1,38E-07</u>	<u>3,15E-07</u>	1,00E+00
OTU_25	unclassified_Firmicutes (0.992)	2,6790	0,4419	0,7054	0,2844	0,3941	0,1469	0,3362	0,1554	<u>9,33E-08</u>	<u>4,51E-06</u>	<u>1,69E-06</u>	6,72E-01
OTU_65	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,3021	0,0024	0,3093	0,0126	0,0717	0,0012	0,0406	0,0036	<u>1,32E-09</u>	<u>8,82E-08</u>	<u>4,31E-06</u>	<u>1,92E-06</u>
OTU_56	Anaerotruncus sp. (0.909)	0,8219	0,0408	0,0974	0,0053	0,2225	0,0113	0,0384	0,0046	<u>3,37E-07</u>	<u>1,32E-05</u>	<u>4,75E-06</u>	9,06E-01
OTU_283	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,0349	0,0010	0,0019	0,0019	0,0100	0,0008	0,0006	0,0011	<u>1,02E-06</u>	<u>3,66E-05</u>	<u>9,17E-06</u>	1,00E+00
OTU_57	unclassified_Lachnospiraceae (1)	1,2606	0,1047	0,0000	0,0000	0,3493	0,0495	0,0000	0,0000	<u>2,26E-07</u>	<u>9,79E-06</u>	<u>1,31E-05</u>	1,00E+00
OTU_273	Clostridium XIVa sp. (1)	0,0295	0,0011	0,0009	0,0000	0,0086	0,0009	0,0007	0,0000	<u>7,36E-07</u>	<u>2,75E-05</u>	<u>1,35E-05</u>	9,98E-01
OTU_3	unclassified_Desulfovibrionaceae (1)	10,1178	2,1349	9,8916	3,6010	1,9889	0,4932	1,1062	0,3947	<u>2,27E-07</u>	<u>9,79E-06</u>	<u>2,21E-05</u>	<u>5,12E-04</u>
OTU_114	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,1211	0,0087	0,1030	0,0306	0,0199	0,0074	0,0139	0,0188	<u>1,81E-06</u>	<u>5,93E-05</u>	<u>2,50E-05</u>	<u>6,36E-03</u>
OTU_348	Lachnospiraceae_incertae_sedis (1)	0,9599	0,0716	1,6091	0,1482	0,1648	0,0400	0,1853	0,0382	<u>8,10E-14</u>	<u>2,22E-11</u>	<u>3,29E-05</u>	<u>2,14E-11</u>
OTU_550	Akkermansia muciniphila (0.946)	0,0026	0,0177	0,0109	0,0080	0,0016	0,0024	0,0025	0,0017	<u>8,40E-05</u>	<u>1,60E-03</u>	<u>4,20E-05</u>	7,58E-01
OTU_40	unclassified_Lachnospiraceae (0.975)	1,0411	0,1818	0,5790	0,2730	0,2235	0,0844	0,0684	0,0978	<u>3,60E-05</u>	<u>7,99E-04</u>	<u>5,58E-05</u>	2,86E-01
OTU_81	unclassified_Lachnospiraceae (0.975)	0,3568	0,0026	0,0532	0,0002	0,1142	0,0015	0,0230	0,0002	<u>1,28E-05</u>	<u>3,63E-04</u>	<u>5,74E-05</u>	8,75E-01
OTU_121	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,2738	0,0000	0,0141	0,0005	0,0938	0,0000	0,0084	0,0003	<u>1,90E-05</u>	<u>4,59E-04</u>	<u>1,09E-04</u>	9,95E-01
OTU_686	Clostridium XIVa sp. (0.917)	0,1164	0,0035	0,0045	0,0009	0,0392	0,0017	0,0042	0,0005	<u>1,74E-05</u>	<u>4,34E-04</u>	<u>1,45E-04</u>	9,99E-01
OTU_38	unclassified_Lachnospiraceae (0.95)	0,5902	0,0046	0,6095	0,1079	0,1473	0,0019	0,1028	0,0606	<u>1,32E-06</u>	<u>4,52E-05</u>	<u>1,53E-04</u>	<u>7,54E-04</u>
OTU_778	unclassified_Lachnospiraceae (0.958)	0,3316	0,0160	0,0056	0,0000	0,1116	0,0075	0,0056	0,0000	<u>1,44E-05</u>	<u>3,95E-04</u>	<u>1,81E-04</u>	1,00E+00
OTU_1	Akkermansia muciniphila (1)	3,7457	16,0994	16,4920	16,7105	1,6037	1,4209	2,4591	1,8943	<u>1,68E-05</u>	<u>4,34E-04</u>	<u>2,01E-04</u>	1,00E+00
OTU_23	unclassified_Lachnospiraceae (0.941)	2,4982	0,1082	0,9774	0,3947	0,7618	0,0536	0,2675	0,2180	<u>2,48E-04</u>	<u>3,85E-03</u>	<u>2,64E-04</u>	6,80E-01
OTU_315	Clostridium XIVb sp. (0.693)	0,0093	0,0002	0,0024	0,0002	0,0031	0,0002	0,0010	0,0002	<u>1,03E-04</u>	<u>1,87E-03</u>	<u>2,75E-04</u>	7,01E-01
OTU_4	Allobaculum sp. (0.904)	0,7067	10,3794	0,7416	5,8125	0,4004	2,7292	0,3523	1,0514	<u>4,34E-05</u>	<u>9,37E-04</u>	<u>3,33E-04</u>	9,42E-02
OTU_28	Anaerotruncus sp. (1)	3,2539	0,1021	0,1723	0,0457	1,1587	0,0573	0,1088	0,0237	<u>5,62E-05</u>	<u>1,15E-03</u>	<u>3,44E-04</u>	9,98E-01
OTU_533	unclassified_Bacteria (1)	0,0035	0,0002	0,0007	0,0000	0,0012	0,0002	0,0004	0,0000	<u>1,37E-04</u>	<u>2,34E-03</u>	<u>6,39E-04</u>	7,69E-01
OTU_246	unclassified_Lachnospiraceae (0.967)	0,0325	0,0000	0,0250	0,0023	0,0094	0,0000	0,0068	0,0015	<u>7,09E-05</u>	<u>1,39E-03</u>	<u>6,93E-04</u>	<u>1,98E-02</u>
OTU_168	unclassified_Lachnospiraceae (0.913)	0,0544	0,0026	0,0387	0,0026	0,0154	0,0019	0,0105	0,0015	<u>6,28E-05</u>	<u>1,26E-03</u>	<u>6,95E-04</u>	<u>1,98E-02</u>
OTU_5	unclassified_Lachnospiraceae (1)	7,1128	0,0032	8,8837	2,3377	2,1901	0,0012	1,1914	0,7872	<u>2,62E-06</u>	<u>7,96E-05</u>	<u>7,60E-04</u>	<u>1,21E-03</u>
OTU_266	unclassified_Clostridiales (0.689)	0,0138	0,0002	0,0092	0,0002	0,0043	0,0002	0,0026	0,0002	<u>9,19E-05</u>	<u>1,72E-03</u>	<u>7,63E-04</u>	<u>3,15E-02</u>
OTU_162	Anaerotruncus sp. (1)	0,0283	0,0026	0,0581	0,0067	0,0043	0,0011	0,0073	0,0024	<u>2,53E-13</u>	<u>5,19E-11</u>	<u>1,00E-03</u>	<u>4,43E-11</u>
OTU_238	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,0276	0,0000	0,0000	0,0000	0,0111	0,0000	0,0000	0,0000	<u>2,09E-04</u>	<u>3,37E-03</u>	<u>1,02E-03</u>	1,00E+00
OTU_27	unclassified_Lachnospiraceae (0.926)	1,0364	0,0019	0,0476	0,0028	0,4120	0,0012	0,0434	0,0023	<u>2,70E-04</u>	<u>4,11E-03</u>	<u>1,05E-03</u>	9,98E-01
OTU_308	Clostridium XIVb sp. (0.971)	0,0106	0,0005	0,0052	0,0000	0,0035	0,0003	0,0018	0,0000	<u>3,30E-04</u>	<u>4,76E-03</u>	<u>1,37E-03</u>	1,63E-01
OTU_445	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,0044	0,0000	0,0000	0,0002	0,0018	0,0000	0,0000	0,0002	<u>4,72E-04</u>	<u>6,05E-03</u>	<u>1,63E-03</u>	9,97E-01
OTU_373	Ruminococcus sp. (1)	0,0047	0,0005	0,0017	0,0023	0,0013	0,0003	0,0006	0,0007	<u>3,39E-03</u>	<u>3,24E-02</u>	<u>1,70E-03</u>	9,39E-01

OTU_899	unclassified_Lachnospiraceae (0.924)	0,0018	0,0000	0,0000	0,0000	0,0007	0,0000	0,0000	0,0000	<u>4,19E-04</u>	<u>5,55E-03</u>	<u>1,80E-03</u>	1,00E+00
OTU_69	unclassified_Ruminococcaceae (1)	0,5870	0,0208	0,0005	0,0002	0,2401	0,0119	0,0005	0,0002	<u>3,56E-04</u>	<u>4,87E-03</u>	<u>2,12E-03</u>	1,00E+00
OTU_898	Allobaculum sp. (0.922)	0,0003	0,0026	0,0000	0,0000	0,0003	0,0008	0,0000	0,0000	<u>5,37E-05</u>	<u>1,13E-03</u>	<u>2,52E-03</u>	1,00E+00
OTU_24	Oscillibacter sp. (1)	1,4823	0,0185	1,1643	0,0528	0,5453	0,0087	0,2900	0,0236	<u>3,56E-04</u>	<u>4,87E-03</u>	<u>3,46E-03</u>	<u>2,84E-02</u>
OTU_20	Barnesiella sp. (1)	2,0308	0,8092	1,2184	0,9598	0,3307	0,2292	0,1246	0,2662	<u>5,12E-03</u>	<u>4,52E-02</u>	<u>4,85E-03</u>	8,66E-01
OTU_800	Clostridium XIVA sp. (0.95)	0,0029	0,0000	0,0000	0,0002	0,0013	0,0000	0,0000	0,0002	<u>2,08E-03</u>	<u>2,22E-02</u>	<u>5,17E-03</u>	9,91E-01
OTU_883	Coprococcus (0.971)	0,0105	0,0005	0,0053	0,0000	0,0042	0,0003	0,0016	0,0000	<u>1,66E-03</u>	<u>1,82E-02</u>	<u>5,33E-03</u>	2,32E-01
OTU_2	Bacteroides dorei (1)	3,8797	19,0906	3,0600	9,2944	1,1699	5,3702	0,4417	2,2460	<u>1,43E-03</u>	<u>1,63E-02</u>	<u>6,42E-03</u>	4,69E-01
OTU_19	Escherichia coli (1)	0,0033	2,1446	0,0017	1,4994	0,0013	0,6870	0,0007	0,4799	<u>9,82E-04</u>	<u>1,20E-02</u>	<u>6,82E-03</u>	7,41E-02
OTU_141	unclassified_Ruminococcaceae (1)	0,9209	0,0042	1,5611	0,0531	0,2602	0,0023	0,2878	0,0144	<u>5,02E-08</u>	<u>2,57E-06</u>	<u>7,03E-03</u>	<u>1,29E-06</u>
OTU_142	Oscillibacter sp. (1)	0,1970	0,0423	0,1706	0,0835	0,0333	0,0214	0,0439	0,0247	<u>3,32E-03</u>	<u>3,21E-02</u>	<u>7,69E-03</u>	2,11E-01
OTU_8	Bacteroides acidifaciens (1)	3,6139	1,0657	2,9539	0,6373	0,6046	0,8103	0,3032	0,1616	<u>2,96E-04</u>	<u>4,34E-03</u>	<u>7,94E-03</u>	<u>1,24E-02</u>
OTU_264	unclassified_Lachnospiraceae (0.929)	0,0095	0,0005	0,0089	0,0044	0,0029	0,0003	0,0022	0,0017	<u>4,12E-03</u>	<u>3,80E-02</u>	<u>9,82E-03</u>	3,31E-01
OTU_839	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,0038	0,0002	0,0000	0,0000	0,0017	0,0002	0,0000	0,0000	<u>2,28E-03</u>	<u>2,31E-02</u>	<u>1,08E-02</u>	1,00E+00
OTU_165	Barnesiella sp. (1)	0,0700	0,0173	0,0153	0,0056	0,0230	0,0095	0,0045	0,0035	<u>1,38E-03</u>	<u>1,63E-02</u>	<u>1,28E-02</u>	9,29E-01
OTU_26	unclassified_Ruminococcaceae (0.909)	1,3296	0,1247	1,2442	0,3859	0,5113	0,0581	0,2655	0,1395	<u>3,95E-03</u>	<u>3,73E-02</u>	<u>1,74E-02</u>	1,15E-01
OTU_561	unclassified_Clostridiales (1)	0,0003	0,0017	0,0002	0,0000	0,0003	0,0005	0,0002	0,0000	<u>1,43E-03</u>	<u>1,63E-02</u>	<u>2,10E-02</u>	9,46E-01
OTU_177	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,0451	0,0002	0,0516	0,0067	0,0172	0,0002	0,0153	0,0029	<u>1,59E-03</u>	<u>1,79E-02</u>	<u>3,29E-02</u>	<u>2,31E-02</u>
OTU_55	unclassified_Lachnospiraceae (0.912)	0,3560	0,1059	0,5460	0,2480	0,0561	0,0482	0,0726	0,0650	<u>3,06E-05</u>	<u>6,97E-04</u>	<u>3,42E-02</u>	<u>4,78E-03</u>
OTU_77	unclassified_Lachnospiraceae (0.963)	0,1577	0,0114	0,1336	0,1956	0,0320	0,0060	0,0265	0,0594	<u>4,26E-03</u>	<u>3,88E-02</u>	<u>3,90E-02</u>	6,19E-01
OTU_6	Shigella boydii (1)	0,0138	9,0662	0,0067	8,6465	0,0038	3,2828	0,0014	3,0475	<u>4,62E-03</u>	<u>4,12E-02</u>	<u>4,67E-02</u>	<u>4,64E-02</u>
OTU_80	unclassified_Ruminococcaceae (0.976)	0,3731	0,0038	0,6436	0,0045	0,1426	0,0032	0,1515	0,0019	<u>1,73E-05</u>	<u>4,34E-04</u>	6,40E-02	<u>1,16E-04</u>
OTU_803	Oscillibacter sp. (0.98)	0,2970	0,1097	0,3433	0,0488	0,0467	0,0606	0,0668	0,0133	<u>1,74E-04</u>	<u>2,92E-03</u>	7,02E-02	<u>6,33E-04</u>
OTU_14	Oscillibacter sp. (1)	1,6721	0,0064	2,5709	0,2562	0,7509	0,0030	0,6850	0,1149	<u>7,50E-04</u>	<u>9,47E-03</u>	9,63E-02	<u>5,63E-03</u>
OTU_110	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,0636	0,0026	0,1821	0,0024	0,0237	0,0018	0,0317	0,0008	<u>3,60E-09</u>	<u>1,97E-07</u>	1,49E-01	<u>4,28E-08</u>
OTU_249	unclassified_Lachnospiraceae (0.78)	0,0073	0,0014	0,0264	0,0040	0,0031	0,0010	0,0037	0,0015	<u>1,40E-09</u>	<u>8,82E-08</u>	3,94E-01	<u>1,18E-07</u>
OTU_115	Bacteroides eggerthii (1)	0,0675	0,0205	0,1252	0,0398	0,0353	0,0127	0,0219	0,0078	<u>3,09E-03</u>	<u>3,02E-02</u>	4,02E-01	<u>1,98E-02</u>
OTU_203	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,0069	0,0000	0,0143	0,0002	0,0031	0,0000	0,0052	0,0002	<u>2,75E-03</u>	<u>2,72E-02</u>	4,04E-01	<u>6,94E-03</u>
OTU_22	Pseudoflavonifractor sp. (1)	1,1171	0,0002	2,6400	0,0163	0,5560	0,0002	0,8527	0,0080	<u>7,98E-04</u>	<u>9,92E-03</u>	4,32E-01	<u>2,15E-03</u>
OTU_190	unclassified_Ruminococcaceae (1)	0,1706	0,0268	0,5560	0,0341	0,0647	0,0157	0,1291	0,0221	<u>3,42E-06</u>	<u>1,00E-04</u>	5,47E-01	<u>2,09E-05</u>
OTU_12	Alistipes finegoldii (1)	1,5673	0,8634	3,1714	1,5837	0,3895	0,1720	0,5477	0,2617	<u>2,92E-04</u>	<u>4,34E-03</u>	5,60E-01	<u>1,49E-02</u>
OTU_91	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,0231	0,0016	0,0799	0,0073	0,0141	0,0016	0,0233	0,0030	<u>3,41E-04</u>	<u>4,83E-03</u>	7,03E-01	<u>1,68E-03</u>
OTU_230	unclassified_Lachnospiraceae (0.942)	0,0069	0,0017	0,0182	0,0028	0,0043	0,0009	0,0055	0,0010	<u>4,32E-03</u>	<u>3,90E-02</u>	7,29E-01	<u>1,21E-02</u>
OTU_235	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,0066	0,0000	0,0475	0,0039	0,0038	0,0000	0,0078	0,0014	<u>4,29E-11</u>	<u>3,52E-09</u>	7,39E-01	<u>7,56E-09</u>
OTU_11	Barnesiella sp. (1)	1,1113	2,4785	0,4238	5,5727	0,4497	0,8333	0,1166	1,5881	<u>1,40E-03</u>	<u>1,63E-02</u>	7,60E-01	<u>1,38E-03</u>
OTU_281	Ruminococcus sp. (1)	0,0029	0,0012	0,0095	0,0009	0,0014	0,0006	0,0024	0,0005	<u>1,37E-04</u>	<u>2,34E-03</u>	8,50E-01	<u>3,82E-04</u>
OTU_199	Alistipes sp. (1)	0,0077	0,0016	0,0152	0,0362	0,0049	0,0009	0,0036	0,0087	<u>1,15E-04</u>	<u>2,06E-03</u>	8,63E-01	<u>3,14E-02</u>
OTU_139	unclassified_Ruminococcaceae (1)	0,0277	0,0026	0,1344	0,0107	0,0172	0,0009	0,0409	0,0076	<u>2,45E-04</u>	<u>3,85E-03</u>	8,75E-01	<u>1,34E-03</u>
OTU_241	Oxalobacter sp. (0.979)	0,0052	0,0030	0,0155	0,0058	0,0030	0,0012	0,0029	0,0022	<u>1,79E-03</u>	<u>1,93E-02</u>	9,22E-01	<u>2,37E-02</u>
OTU_812	unclassified_Ruminococcaceae (0.954)	0,0003	0,0000	0,0024	0,0000	0,0003	0,0000	0,0009	0,0000	<u>2,24E-03</u>	<u>2,31E-02</u>	9,79E-01	<u>6,04E-03</u>
OTU_126	Barnesiella sp. (1)	0,1442	0,1649	0,0007	0,0000	0,0410	0,0629	0,0007	0,0000	<u>1,42E-03</u>	<u>1,63E-02</u>	9,81E-01	1,00E+00
OTU_195	Romboutsia ilealis (1)	0,0029	0,0000	0,0338	0,0012	0,0014	0,0000	0,0100	0,0007	<u>2,03E-05</u>	<u>4,77E-04</u>	9,82E-01	<u>1,92E-04</u>
OTU_262	Clostridium XIVA sp. (1)	0,0003	0,0000	0,0031	0,0005	0,0003	0,0000	0,0011	0,0003	<u>1,64E-03</u>	<u>1,82E-02</u>	9,88E-01	<u>1,44E-02</u>

OTU_231	Enterorhabdus sp. (0.928)	0,0028	0,0040	0,0160	0,0088	0,0014	0,0024	0,0032	0,0030	<u>4,12E-03</u>	<u>3,80E-02</u>	9,89E-01	2,30E-01
OTU_155	unclassified_Ruminococcaceae (1)	0,0259	0,0163	0,1774	0,1117	0,0082	0,0119	0,0454	0,0301	<u>4,60E-04</u>	<u>6,00E-03</u>	9,96E-01	3,76E-01
OTU_615	unclassified_Ruminococcaceae (0.922)	0,0139	0,0024	0,4724	0,0925	0,0101	0,0015	0,1186	0,0300	<u>1,90E-06</u>	<u>6,00E-05</u>	9,99E-01	<u>3,54E-04</u>
OTU_90	Alistipes shahii (1)	0,0106	0,0014	0,0288	0,6103	0,0055	0,0007	0,0096	0,1243	<u>8,25E-10</u>	<u>6,16E-08</u>	1,00E+00	<u>9,75E-08</u>
OTU_305	unclassified_Erysipelotrichaceae (1)	0,0003	0,0000	0,0128	0,0000	0,0003	0,0000	0,0054	0,0000	<u>2,71E-03</u>	<u>2,71E-02</u>	1,00E+00	<u>8,92E-03</u>
OTU_175	unclassified_Lachnospiraceae (0.917)	0,0006	0,0000	0,0661	0,0005	0,0004	0,0000	0,0168	0,0003	<u>2,53E-07</u>	<u>1,04E-05</u>	1,00E+00	<u>5,75E-06</u>
OTU_70	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,0113	0,0072	0,1811	0,7528	0,0055	0,0050	0,0370	0,2448	<u>2,05E-04</u>	<u>3,36E-03</u>	1,00E+00	<u>1,14E-02</u>
OTU_422	Clostridium XIVb sp. (0.925)	0,0007	0,0000	0,1305	0,0052	0,0007	0,0000	0,0536	0,0033	<u>2,24E-03</u>	<u>2,31E-02</u>	1,00E+00	<u>1,04E-02</u>
OTU_151	unclassified_Lachnospiraceae (1)	0,0000	0,0000	0,0034	0,0000	0,0000	0,0000	0,0013	0,0000	<u>3,91E-04</u>	<u>5,26E-03</u>	1,00E+00	<u>2,04E-03</u>
OTU_401	Clostridium XIVa sp. (0.925)	0,0000	0,0000	0,0054	0,0007	0,0000	0,0000	0,0022	0,0004	<u>2,26E-03</u>	<u>2,31E-02</u>	1,00E+00	<u>1,98E-02</u>