

Gene Symbol	Chromosome	Start	End	Gene ID	FC 2X DMP vs L635	Log FC 2X DMP vs L635
Serpinb2	chr1	107511423	107535478	ENSMUSG0000062345	-14.454231	-3.85342
Pde4b	chr4	102087543	102607259	ENSMUSG0000028525	-8.322698	-3.0570512
Ear11	chr14	51255266	51256112	ENSMUSG0000047222	-7.8086977	-2.965082
1190002H23Rik=RGCC	chr14	79288756	79301645	ENSMUSG0000022018	-7.5721445	-2.920702
Pydc3	chr1	173673911	173698392	ENSMUSG0000066677	-7.3933654	-2.8862312
Pydc4	chr1	173566284	173599274	ENSMUSG0000073491	-7.0913982	-2.82607
9830107B12Rik+triggering receptor expressed in myeloid cells 5?	chr17	48125605	48146307	ENSMUSG0000073386	-7.008905	-2.809189
Il33	chr19	29925114	29960718	ENSMUSG0000024810	-6.7439237	-2.7535882
Prg2	chr2	84980461	84983632	ENSMUSG0000027073	-6.5518003	-2.7118914
Ccr3	chr9	124021971	124031689	ENSMUSG0000035448	-6.409836	-2.6802874
Bex4	chrX	136138996	136140443	ENSMUSG0000047844	-6.1098304	-2.6111324
Ear6	chr14	51853699	51854643	ENSMUSG0000062148	-6.033143	-2.5929098
Gm4955	chr1	173468509	173491041	ENSMUSG0000037849	-5.802624	-2.5367055
Mmp25	chr17	23629458	23645269	ENSMUSG0000023903	-5.7701364	-2.5286055
Ldhc	chr7	46861203	46878142	ENSMUSG0000030851	-5.7371483	-2.5203338
Sema7a	chr9	57940113	57962864	ENSMUSG0000038264	-5.3174715	-2.4107404
Fabp4	chr3	10204347	10208576	ENSMUSG0000062515	-5.2353644	-2.38829
Pyhin1	chr1	173630859	173647928	ENSMUSG0000043263	-5.22019	-2.3841023
Gcnt2	chr13	40859768	40960891	ENSMUSG0000021360	-5.175191	-2.371612
Genpe	chr3	135212563	135273540	ENSMUSG0000045328	-5.13514	-2.3604035
SYNE1	chr10	5336949	5550692	ENSMUSG0000096054	-4.9409914	-2.3048005
Cass4	chr2	172393794	172433757	ENSMUSG0000074570	-4.883419	-2.2878916
Ikzf3	chr11	98464902	98546031	ENSMUSG0000018168	-4.851289	-2.278368
Rwdd2a	chr9	86572053	86574896	ENSMUSG0000032417	-4.834833	-2.273466
Ifit2	chr19	34550694	34576419	ENSMUSG0000045932	-4.8237214	-2.2701466
Ptgs2	chr1	150100124	150108010	ENSMUSG0000032487	-4.8210645	-2.2693517
AC238811.3	chr13	120034759	120035331	ENSMUSG0000095609	-4.752349	-2.2486408
H2-T24	chr17	36005695	36020560	ENSMUSG0000053835	-4.7152843	-2.2373447

Cd300lf	chr11	115116214	115133992	ENSMUSG00 000047798	-4.676355	-2.2253845
Dach1	chr14	97786853	98169765	ENSMUSG00 000055639	-4.6195793	-2.2077615
Mmp9	chr2	164940780	164955850	ENSMUSG00 000017737	-4.582798	-2.1962287
C1rl	chr6	124493113	124510643	ENSMUSG00 000038527	-4.5800333	-2.195358
Gm1966	chr7	106601243	106604035	ENSMUSG00 000073902	-4.5290747	-2.1792164
Hist1h2ak	chr13	21753395	21753907	ENSMUSG00 000063021	-4.5262504	-2.1783164
Trem12	chr17	48300038	48312534	ENSMUSG00 000071068	-4.525294	-2.1780114
Slco4c1	chr1	96818784	96872171	ENSMUSG00 000040693	-4.4442058	-2.1519256
Riad1	chr3	94464985	94473591	ENSMUSG00 000028139	-4.419498	-2.1438825
Slfn8	chr11	83002158	83020810	ENSMUSG00 000035208	-4.38581	-2.1328433
Fosb	chr7	19302721	19310045	ENSMUSG00 000003545	-4.368961	-2.1272902
Pim1	chr17	29490812	29495445	ENSMUSG00 000024014	-4.2968698	-2.103286
D16Ertd472e	chr16	78544012	78576657	ENSMUSG00 000022864	-4.2915926	-2.1015131
Dusp5	chr19	53529109	53542431	ENSMUSG00 000034765	-4.2867904	-2.0998979
Ccrl2	chr9	111054835	111057270	ENSMUSG00 000043953	-4.2605824	-2.0910506
Cd101	chr3	100993530	101029556	ENSMUSG00 000086564	-4.2559285	-2.089474
Sell	chr1	164062076	164080785	ENSMUSG00 000026581	-4.1914783	-2.067459
Gbp9	chr5	105078394	105139539	ENSMUSG00 000029298	-4.1888385	-2.0665503
Smc2	chr4	52439243	52488260	ENSMUSG00 000028312	-4.170129	-2.060092
Adrb2	chr18	62177817	62179959	ENSMUSG00 000045730	-4.1695423	-2.059889
Gbp7	chr3	142530338	142550083	ENSMUSG00 000040253	-4.152627	-2.0540242
Chia	chr3	106113229	106132120	ENSMUSG00 000062778	-4.1135	-2.0403664
Wnt8a	chr18	34542313	34548273	ENSMUSG00 000012282	-4.066634	-2.0238352
Kif15	chr9	122951081	123018725	ENSMUSG00 000036768	-4.0527987	-2.0189185
Mtf2	chr5	108065674	108109004	ENSMUSG00 000029267	-4.0509834	-2.0182722
Cxcr2	chr1	74153989	74161238	ENSMUSG00 000026180	-4.049481	-2.017737
Rgs1	chr1	144243972	144249242	ENSMUSG00 000026358	-4.0418468	-2.0150146
Chst15	chr7	132235780	132317228	ENSMUSG00 000030930	-4.031761	-2.0114102
H60b	chr10	22158586	22288849	ENSMUSG00 000075297	-3.9817977	-1.9934199
Setmar	chr6	108065045	108077122	ENSMUSG00	-3.975228	-1.9910376

				000034639		
Ndc80	chr17	71496100	71526857	ENSMUSG00 000024056	-3.969827	-1.9890761
Gm14548	chr7	3884242	3898120	ENSMUSG00 000074417	-3.9544997	-1.9834952
Ogfrl1	chr1	23366424	23383175	ENSMUSG00 000026158	-3.9477577	-1.9810334
Lrrk2	chr15	91673175	91816120	ENSMUSG00 000036273	-3.9307494	-1.9748044
Abtb2	chr2	103566310	103718423	ENSMUSG00 000032724	-3.9255059	-1.9728786
Cd209f	chr8	4102787	4105835	ENSMUSG00 000051906	-3.9173098	-1.9698632
Ccl24	chr5	135569937	135573043	ENSMUSG00 000004814	-3.9129183	-1.968245
Phxr4	chr9	13431361	13432736	ENSMUSG00 000031802	-3.9105036	-1.9673544
Prkar2b	chr12	31958476	32061296	ENSMUSG00 000002997	-3.89563	-1.9618566
3-Mar	chr18	56761716	56925548	ENSMUSG00 000032656	-3.8955529	-1.9618281
G0s2	chr1	193272161	193273188	ENSMUSG00 000009633	-3.8930724	-1.9609091
Gm340	chr19	41582370	41586536	ENSMUSG00 000090673	-3.882908	-1.9571376
Sp140	chr1	85600378	85645037	ENSMUSG00 000070031	-3.872787	-1.9533721
Gfod1	chr13	43195519	43304172	ENSMUSG00 000051335	-3.864623	-1.9503278
Hist1h1a	chr13	23763668	23764414	ENSMUSG00 000049539	-3.841424	-1.9416412
Pygl	chr12	70190811	70231488	ENSMUSG00 000021069	-3.8308346	-1.9376588
Best1	chr19	9985174	10001633	ENSMUSG00 000037418	-3.8298225	-1.9372776
Ahr	chr12	35497974	35535038	ENSMUSG00 000019256	-3.7974129	-1.9250169
5330426P16Rik	chr16	50727966	50732743	ENSMUSG00 000022639	-3.7759187	-1.9168277
9930111J21Rik1	chr11	48946150	48979398	ENSMUSG00 000069893	-3.763802	-1.9121908
Il1r2	chr1	40084768	40125219	ENSMUSG00 000026073	-3.7515643	-1.9074923
Tgm1	chr14	55700009	55713492	ENSMUSG00 000022218	-3.7293532	-1.8989254
Meis1	chr11	18880430	19018958	ENSMUSG00 000020160	-3.725689	-1.8975072
AI504432	chr3	107039504	107051152	ENSMUSG00 000056145	-3.7184737	-1.8947105
Sfn5	chr11	82951349	82962941	ENSMUSG00 000054404	-3.6996522	-1.8873897
Abcd2	chr15	91145884	91191807	ENSMUSG00 000055782	-3.6744637	-1.8775337
Apobr	chr7	126584942	126589112	ENSMUSG00 000042759	-3.6454012	-1.8660777
Zfp709	chr8	71887264	71890912	ENSMUSG00 000056019	-3.640508	-1.8641398
Gm17511	chr7	127286041	127286385	ENSMUSG00 000090460	-3.6303952	-1.8601266

Sass6	chr3	116595008	116630984	ENSMUSG0000027959	-3.607395	-1.8509574
Psme2b-ps	chr11	48945354	48946190	ENSMUSG0000078153	-3.6051934	-1.8500767
Itgb3	chr11	104608000	104670476	ENSMUSG0000020689	-3.5553715	-1.8300003
Lyst	chr13	13590409	13777440	ENSMUSG0000019726	-3.5518105	-1.8285546
Pde7b	chr10	20398004	20725078	ENSMUSG0000019990	-3.5363626	-1.8222662
Chml	chr1	175686488	175688353	ENSMUSG0000078185	-3.5329373	-1.8208681
Orm2	chr4	63362449	63365878	ENSMUSG00000061540	-3.5325902	-1.8207264
Gapt	chr13	110352615	110357172	ENSMUSG0000046006	-3.527861	-1.8187938
Gpr44	chr19	10937160	10942511	ENSMUSG00000034117	-3.4813035	-1.7996275
Nme5	chr18	34562634	34579115	ENSMUSG00000035984	-3.4718695	-1.7957127
Gm20696	chr6	99257484	99666797	ENSMUSG00000030068	-3.471367	-1.7955039
Irg1	chr14	103046977	103056573	ENSMUSG00000022126	-3.4675782	-1.7939284
Ppil4	chr10	7792891	7823135	ENSMUSG00000015757	-3.4552448	-1.788788
Tmem14a	chr1	21218575	21230167	ENSMUSG00000025933	-3.3953795	-1.7635728
Casp8ap2	chr4	32615451	32653265	ENSMUSG00000028282	-3.3620074	-1.7493229
Adora3	chr3	105870858	105924036	ENSMUSG00000074344	-3.3581343	-1.7476599
Acpp	chr9	104288251	104337728	ENSMUSG00000032561	-3.3428407	-1.7410746
Mtrr	chr13	68560780	68582121	ENSMUSG00000034617	-3.3199492	-1.7311611
Gm10097	chr10	5069192	5071975	ENSMUSG00000096553	-3.3134077	-1.7283157
Card11	chr5	140872999	141000596	ENSMUSG00000036526	-3.307915	-1.7259221
Hgf	chr5	16553550	16619439	ENSMUSG00000028864	-3.2998927	-1.7224191
H2-Q6	chr17	35424850	35430055	ENSMUSG00000073409	-3.291504	-1.7187469
Nlrp1b	chr11	71153102	71230733	ENSMUSG00000070390	-3.2826695	-1.7148695
Itga4	chr2	79255426	79333123	ENSMUSG00000027009	-3.2764816	-1.7121475
Gpr55	chr1	85939537	85961055	ENSMUSG00000049608	-3.264204	-1.7067312
Haus3	chr5	34153921	34169445	ENSMUSG00000079555	-3.2615464	-1.7055562
Zfp120	chr2	150114406	150136708	ENSMUSG00000068134	-3.2506857	-1.700744
Mnda	chr1	173896355	173912922	ENSMUSG00000026536	-3.2452242	-1.6983181
Adamdec1	chr14	68563388	68582086	ENSMUSG00000022057	-3.2407703	-1.6963367
Runx2	chr17	44495987	44814797	ENSMUSG00	-3.2356567	-1.6940585

				000039153		
Cxcl2	chr5	90903899	90905909	ENSMUSG00 000058427	-3.2341254	-1.6933756
Dennd4a	chr9	64811340	64919667	ENSMUSG00 000053641	-3.23186	-1.6923647
Defb40	chr8	18974940	18978256	ENSMUSG00 000053678	-3.2299361	-1.6915057
Alox15	chr11	70344152	70352031	ENSMUSG00 000018924	-3.2278953	-1.6905937
Tnfsf14	chr17	57189492	57194189	ENSMUSG00 000005824	-3.2252483	-1.6894102
Tiam2	chr17	3326573	3519397	ENSMUSG00 000023800	-3.2205746	-1.6873181
AW011738	chr4	156203304	156205151	ENSMUSG00 000078349	-3.2201576	-1.6871313
Klf7	chr1	64029447	64122282	ENSMUSG00 000025959	-3.2199128	-1.6870216
Nlrp3	chr11	59541568	59566956	ENSMUSG00 000032691	-3.2197132	-1.6869322
Trim30b	chr7	104355382	104369884	ENSMUSG00 000052749	-3.2180586	-1.6861906
Atp10a	chr7	58658202	58829426	ENSMUSG00 000025324	-3.2172134	-1.6858116
Nuf2	chr1	169497934	169531464	ENSMUSG00 000026683	-3.2138526	-1.6843038
Csgalnact2	chr6	118107452	118139140	ENSMUSG00 000042042	-3.211556	-1.6832725
Hells	chr19	38930915	38971051	ENSMUSG00 000025001	-3.208337	-1.6818258
Trex2	chrX	73433705	73435344	ENSMUSG00 000031372	-3.1988525	-1.6775545
Cd274	chr19	29367455	29388095	ENSMUSG00 000016496	-3.198329	-1.6773183
Naip5	chr13	100211739	100246323	ENSMUSG00 000071203	-3.1979802	-1.677161
B9d2	chr7	25681158	25686558	ENSMUSG00 000063439	-3.1957707	-1.6761639
Dmxl2	chr9	54365158	54501760	ENSMUSG00 000041268	-3.1762614	-1.6673297
Tctex1d4	chr4	117126794	117128738	ENSMUSG00 000047671	-3.1674743	-1.6633329
Chd7	chr4	8690406	8867659	ENSMUSG00 000041235	-3.157003	-1.6585556
Zfp953	chr13	67317942	67360605	ENSMUSG00 000056552	-3.150806	-1.655721
Dek	chr13	47084775	47106201	ENSMUSG00 000021377	-3.1453004	-1.6531978
Lrr1	chr12	69168814	69179010	ENSMUSG00 000034883	-3.1380126	-1.6498512
Adpgk	chr9	59291572	59316199	ENSMUSG00 000025236	-3.1371665	-1.6494621
Ccdc88b	chr19	6844623	6858211	ENSMUSG00 000047810	-3.1367323	-1.6492624
Nod2	chr8	88647315	88688474	ENSMUSG00 000055994	-3.1300411	-1.6461816
Trim27	chr13	21179445	21194724	ENSMUSG00 000021326	-3.127616	-1.6450634
4933407L21Rik	chr1	85928483	85940624	ENSMUSG00 000026224	-3.123262	-1.6430535

Dlgap5	chr14	47387779	47418407	ENSMUSG00 000037544	-3.1208715	-1.6419489
Pnn	chr12	59066919	59074017	ENSMUSG00 000020994	-3.1207643	-1.6418993
Dnm1	chr2	32308471	32353329	ENSMUSG00 000026825	-3.1109376	-1.6373495
L3mbtl3	chr10	26274468	26375185	ENSMUSG00 000039089	-3.1067307	-1.6353972
Apba1	chr19	23758876	23949597	ENSMUSG00 000024897	-3.0960188	-1.6304142
Zfp119a	chr17	55865204	55878862	ENSMUSG00 000057835	-3.0944498	-1.6296829
Ipcef1	chr10	6885796	7052478	ENSMUSG00 000064065	-3.0742328	-1.6202264
Prkcq	chr2	11172113	11301226	ENSMUSG00 000026778	-3.0698493	-1.6181678
1190002N15Rik	chr9	94517864	94538081	ENSMUSG00 000045414	-3.0695302	-1.6180179
Syne1	chr10	5020203	5069063	ENSMUSG00 000019769	-3.0680456	-1.61732
Purg	chr8	33386325	33417468	ENSMUSG00 000049184	-3.0675526	-1.6170881
Acap1	chr11	69881567	69895539	ENSMUSG00 000001588	-3.0598273	-1.6134503
Arg1	chr10	24915208	24927470	ENSMUSG00 000019987	-3.0591261	-1.6131196
Dtwd1	chr2	126152141	126165279	ENSMUSG00 000023330	-3.050797	-1.6091862
Trim30c	chr7	104382065	104390586	ENSMUSG00 000078616	-3.0487895	-1.6082366
Chst13	chr6	90308351	90325185	ENSMUSG00 000056643	-3.0402834	-1.6042058
Nsmce1	chr7	125467640	125491596	ENSMUSG00 000030750	-3.0310776	-1.5998307
Tbc1d1	chr5	64159451	64351486	ENSMUSG00 000029174	-3.025193	-1.5970272
Rrm2	chr12	24708241	24714146	ENSMUSG00 000020649	-3.024116	-1.5965135
Rbm38	chr2	173020498	173034734	ENSMUSG00 000027510	-3.0214822	-1.5952564
Atad5	chr11	80089400	80135794	ENSMUSG00 000017550	-3.018262	-1.593718
Cd99l2	chrX	71420060	71492849	ENSMUSG00 000035776	-3.0110974	-1.5902894
Arid3a	chr10	79927043	79955018	ENSMUSG00 000019564	-2.9998672	-1.5848986
Pstpip2	chr18	77794545	77882007	ENSMUSG00 000025429	-2.9964638	-1.5832609
Cd80	chr16	38458933	38486933	ENSMUSG00 000075122	-2.9936452	-1.5819032
Slc9a7	chrX	20105755	20291807	ENSMUSG00 000037341	-2.987338	-1.5788605
Chaf1a	chr17	56040416	56068026	ENSMUSG00 000002835	-2.975897	-1.5733247
2410076l21Rik	chr9	58652856	58741559	ENSMUSG00 000074269	-2.9754064	-1.5730867
Phlda2	chr7	143501545	143502541	ENSMUSG00 000010760	-2.9686224	-1.5697936
Rhoh	chr5	65863569	65896700	ENSMUSG00	-2.958726	-1.5649761

				000029204		
Pde3b	chr7	114415281	114539251	ENSMUSG00 000030671	-2.9549525	-1.5631349
Rsad2	chr12	26442753	26456452	ENSMUSG00 000020641	-2.9522533	-1.5618166
Malt1	chr18	65430963	65478823	ENSMUSG00 000032688	-2.9500957	-1.5607617
F3	chr3	121723537	121735052	ENSMUSG00 000028128	-2.9429207	-1.5572487
Plk4	chr3	40800019	40816883	ENSMUSG00 000025758	-2.9428558	-1.5572169
Nin	chr12	70011435	70111925	ENSMUSG00 000021068	-2.941708	-1.5566541
P2ry14	chr3	59114626	59130624	ENSMUSG00 000036381	-2.9393828	-1.5555133
Hif1a	chr12	73901375	73947530	ENSMUSG00 000021109	-2.9369276	-1.5543077
Arid4a	chr12	71015990	71098592	ENSMUSG00 000048118	-2.9281	-1.5499649
Smc3	chr19	53600398	53645833	ENSMUSG00 000024974	-2.9259684	-1.5489142
Oit3	chr10	59422958	59441778	ENSMUSG00 000009654	-2.9249442	-1.5484091
Tbc1d12	chr19	38836579	38919923	ENSMUSG00 000048720	-2.9231734	-1.5475354
Mpp7	chr18	7347962	7626863	ENSMUSG00 000057440	-2.9200006	-1.5459687
Nup210	chr6	91013068	91116829	ENSMUSG00 000030091	-2.9194355	-1.5456895
Fam65b	chr13	24582189	24733816	ENSMUSG00 000036006	-2.9191916	-1.545569
Adamtsl4	chr3	95676201	95687917	ENSMUSG00 000015850	-2.913368	-1.5426879
Zeb2	chr2	44983634	45117395	ENSMUSG00 000026872	-2.9055104	-1.5387917
Ifih1	chr2	62595798	62646255	ENSMUSG00 000026896	-2.894852	-1.5334896
Terf1	chr1	15805658	15843428	ENSMUSG00 000025925	-2.8904097	-1.531274
8430408G22Rik	chr6	116650684	116652847	ENSMUSG00 000048489	-2.8901036	-1.5311213
Rock1	chr18	10064401	10181792	ENSMUSG00 000024290	-2.8880382	-1.5300899
Sgol2	chr1	57995971	58025899	ENSMUSG00 000026039	-2.8823936	-1.5272673
Thbs1	chr2	118111876	118127133	ENSMUSG00 000040152	-2.8823156	-1.5272284
Baz2b	chr2	59899363	60209839	ENSMUSG00 000026987	-2.8807142	-1.5264266
Aadac	chr3	60031763	60040160	ENSMUSG00 000027761	-2.880473	-1.5263057
Tg	chr15	66670753	66850721	ENSMUSG00 000053469	-2.8801324	-1.5261352
Fbxo5	chr10	5799160	5805600	ENSMUSG00 000019773	-2.8796694	-1.5259032
Tmed5	chr5	108106366	108132620	ENSMUSG00 000063406	-2.8690543	-1.5205753
Gata1	chrX	7959260	7978071	ENSMUSG00 000031162	-2.8681977	-1.5201445

Slfn4	chr11	83175186	83190221	ENSMUSG00 000000204	-2.8677645	-1.5199265
Gbp8	chr5	105014153	105139540	ENSMUSG00 000034438	-2.8657267	-1.518901
Cdk5r1	chr11	80477046	80481179	ENSMUSG00 000048895	-2.8647017	-1.5183849
Nudcd1	chr15	44375227	44428307	ENSMUSG00 000038736	-2.8591332	-1.5155779
Ing1	chr8	11556066	11563250	ENSMUSG00 000045969	-2.849907	-1.5109148
Rnf125	chr18	20944625	20983848	ENSMUSG00 000033107	-2.8433046	-1.5075687
Rcn2	chr9	56041845	56061882	ENSMUSG00 000032320	-2.841286	-1.506544
Fam78b	chr1	167001417	167091302	ENSMUSG00 000060568	-2.8330545	-1.5023584
Ppp1r15a	chr7	45522916	45526268	ENSMUSG00 000040435	-2.821368	-1.4963949
Mettl5	chr2	69871198	69885615	ENSMUSG00 000051730	-2.8183947	-1.4948736
Nfkbid	chr7	30421732	30428746	ENSMUSG00 000036931	-2.8178687	-1.4946043
Fbxo42	chr4	141147913	141204062	ENSMUSG00 000028920	-2.8166215	-1.4939657
Siglecg	chr7	43408204	43418358	ENSMUSG00 000030468	-2.8132222	-1.4922235
Pde7a	chr3	19223108	19311322	ENSMUSG00 000069094	-2.810607	-1.4908817
Tns4	chr11	99065678	99089306	ENSMUSG00 000017607	-2.8083115	-1.4897029
Gpr68	chr12	100876682	100908198	ENSMUSG00 000047415	-2.800796	-1.485837
Med12l	chr3	59006978	59318410	ENSMUSG00 000056476	-2.7964165	-1.4835793
Trbv21	chr6	41202755	41203044	ENSMUSG00 000076477	-2.7941484	-1.4824086
Ifi203	chr1	173920407	173942672	ENSMUSG00 000039997	-2.7941394	-1.482404
Arhgap15	chr2	43748824	44395953	ENSMUSG00 000049744	-2.7911947	-1.4808828
Plekhg1	chr10	3740364	3967303	ENSMUSG00 000040624	-2.7845612	-1.47745
1500011B03Rik	chr5	114812793	114813945	ENSMUSG00 000092279	-2.784556	-1.4774473
Hic1	chr11	75164565	75169519	ENSMUSG00 000043099	-2.7736695	-1.4717959
I830077J02Rik	chr3	105925891	105932664	ENSMUSG00 000074342	-2.7704415	-1.4701159
Ankle1	chr8	71406010	71409904	ENSMUSG00 000046295	-2.7698884	-1.4698279
Gcfc1	chr16	91014037	91044543	ENSMUSG00 000022974	-2.7690175	-1.4693742
Nme7	chr1	164312879	164348181	ENSMUSG00 000026575	-2.7682343	-1.468966
Kif20b	chr19	34922358	34975731	ENSMUSG00 000024795	-2.762871	-1.4661682
D730048J04Rik	chr17	43534174	43543639	ENSMUSG00 000096140	-2.7614033	-1.4654016
BC030867	chr11	102248882	102265187	ENSMUSG00	-2.750373	-1.4596273

				000034773		
Zfp605	chr5	110110092	110129794	ENSMUSG00 000023284	-2.7498915	-1.4593747
Mov10	chr3	104794836	104818563	ENSMUSG00 000002227	-2.74395	-1.4562541
Mki67	chr7	135689788	135716379	ENSMUSG00 000031004	-2.7434251	-1.4559782
Cbfa2t3	chr8	122628739	122699109	ENSMUSG00 000006362	-2.7345307	-1.4512932
Stil	chr4	115000159	115043196	ENSMUSG00 000028718	-2.7336185	-1.4508119
Bank1	chr3	136053363	136326046	ENSMUSG00 000037922	-2.7309744	-1.4494158
Il1f9	chr2	24186476	24193568	ENSMUSG00 000044103	-2.7292345	-1.4484963
Zmynd17	chr14	20482864	20496901	ENSMUSG00 000021815	-2.723371	-1.4453936
P2ry10	chrX	107088492	107104974	ENSMUSG00 000050921	-2.7184167	-1.4427667
Hhex	chr19	37432887	37440728	ENSMUSG00 000024986	-2.7157395	-1.4413451
Spon1	chr7	113765998	114043370	ENSMUSG00 000038156	-2.7148411	-1.4408678
Bod11	chr5	41787542	41844168	ENSMUSG00 000061755	-2.7140775	-1.4404619
Samsn1	chr16	75858793	76022270	ENSMUSG00 000022876	-2.7119412	-1.4393259
Slc16a3	chr11	120948480	120960868	ENSMUSG00 000025161	-2.707155	-1.4367775
Zfp772	chr7	7202122	7209998	ENSMUSG00 000066838	-2.7065508	-1.4364555
Frat2	chr19	41845978	41848132	ENSMUSG00 000047604	-2.7063136	-1.436329
Cytip	chr2	58129137	58195532	ENSMUSG00 000026832	-2.7058496	-1.4360816
Trim30a	chr7	104409025	104465193	ENSMUSG00 000030921	-2.7009246	-1.4334533
Siglec1	chr2	131069220	131086765	ENSMUSG00 000027322	-2.6988337	-1.4323361
2810474019Rik	chr6	149309414	149335658	ENSMUSG00 000032712	-2.6982014	-1.431998
AC238811.1	chr13	120026439	120027011	ENSMUSG00 000095029	-2.695484	-1.4305443
Ttc19	chr11	62281473	62328451	ENSMUSG00 000042298	-2.693799	-1.4296422
Hist1h2bj	chr13	22043214	22043676	ENSMUSG00 000069300	-2.6931243	-1.4292809
Srek1	chr13	103741615	103764504	ENSMUSG00 000032621	-2.6895013	-1.4273387
Polg2	chr11	106768253	106779537	ENSMUSG00 000020718	-2.688866	-1.4269978
Ccl8	chr11	82115185	82116799	ENSMUSG00 000009185	-2.6879518	-1.4265072
Ccdc55	chr11	77044292	77078435	ENSMUSG00 000037958	-2.6815536	-1.4230691
Ptprc	chr1	138062861	138175305	ENSMUSG00 000026395	-2.6807053	-1.4226127
Fnip1	chr11	54438199	54518235	ENSMUSG00 000035992	-2.6790376	-1.4217148

Atad2	chr15	58094047	58135082	ENSMUSG00 000022360	-2.6788192	-1.4215972
Rab39	chr9	53684110	53706232	ENSMUSG00 000055069	-2.673495	-1.418727
Mfsd7b	chr1	191005832	191026190	ENSMUSG00 000066595	-2.6725824	-1.4182345
Pycr2	chr1	180904274	180908087	ENSMUSG00 000026520	-2.6714952	-1.4176474
Gadd45a	chr6	67035096	67037457	ENSMUSG00 000036390	-2.6679072	-1.4157085
Cenph	chr13	100759674	100775899	ENSMUSG00 000045273	-2.6656148	-1.4144683
7-Mar	chr2	60209887	60250676	ENSMUSG00 000026977	-2.6625533	-1.4128104
Eml5	chr12	98786604	98901484	ENSMUSG00 000051166	-2.661429	-1.412201
Tgm2	chr2	158116402	158146436	ENSMUSG00 000037820	-2.6607876	-1.4118533
Mxd1	chr6	86647044	86669159	ENSMUSG00 000001156	-2.660205	-1.4115374
Rab37	chr11	115091431	115162236	ENSMUSG00 000020732	-2.6590502	-1.4109111
Ankrd33b	chr15	31291479	31367759	ENSMUSG00 000022237	-2.6582727	-1.4104891
Kmo	chr1	175620381	175662116	ENSMUSG00 000039783	-2.655987	-1.4092481
Arc	chr15	74669083	74672570	ENSMUSG00 000022602	-2.655753	-1.4091209
Fxyd4	chr6	117933729	117937335	ENSMUSG00 000004988	-2.6526072	-1.4074111
BC016423	chr13	3566036	3611108	ENSMUSG00 000033799	-2.651814	-1.4069796
Tmem71	chr15	66526212	66561046	ENSMUSG00 000036944	-2.6497562	-1.4058596
Lyar	chr5	38220470	38234306	ENSMUSG00 000067367	-2.6488583	-1.4053707
Fam196b	chr11	34314822	34422640	ENSMUSG00 000069911	-2.6485374	-1.4051958
Top2a	chr11	98992943	99024189	ENSMUSG00 000020914	-2.6483493	-1.4050934
Pbk	chr14	65805837	65817822	ENSMUSG00 000022033	-2.6452084	-1.4033813
Rab44	chr17	29135056	29148980	ENSMUSG00 000064147	-2.6449566	-1.403244
Cish	chr9	107296026	107302784	ENSMUSG00 000032578	-2.6384535	-1.3996925
Slc24a3	chr2	145167754	145642166	ENSMUSG00 000063873	-2.6301973	-1.395171
Slc7a11	chr3	50364936	50443613	ENSMUSG00 000027737	-2.628285	-1.3941216
Smc5	chr19	23206441	23273897	ENSMUSG00 000024943	-2.626037	-1.3928871
Tnfsf10	chr3	27317028	27342427	ENSMUSG00 000039304	-2.624484	-1.3920338
Ica11	chr1	59989070	60043087	ENSMUSG00 000026018	-2.6190307	-1.389033
Mfsd2a	chr4	122946850	122961188	ENSMUSG00 000028655	-2.6183174	-1.3886399
Siglec5	chr7	43351341	43359531	ENSMUSG00	-2.6171868	-1.3880169

				000039013		
Slamf6	chr1	171917537	171943868	ENSMUSG00 000015314	-2.6162674	-1.3875101
Rasal3	chr17	32390659	32403583	ENSMUSG00 000052142	-2.615341	-1.386999
Tnfaip3	chr10	19000910	19015657	ENSMUSG00 000019850	-2.6150372	-1.3868315
Tcf19	chr17	35512734	35516824	ENSMUSG00 000050410	-2.6149857	-1.386803
Uhrf1	chr17	56303321	56323486	ENSMUSG00 000001228	-2.6129801	-1.3856962
Fanca	chr8	123268300	123318576	ENSMUSG00 000032815	-2.6101494	-1.3841324
Fbxo24	chr5	137612503	137629002	ENSMUSG00 000089984	-2.6098404	-1.3839616
Donson	chr16	91677268	91688765	ENSMUSG00 000022960	-2.6088214	-1.3833982
Mtmr10	chr7	64287653	64340407	ENSMUSG00 000030522	-2.6079698	-1.3829272
Mx1	chr16	97447035	97462907	ENSMUSG00 000000386	-2.6041436	-1.3808091
BC055324	chr1	163945993	163994796	ENSMUSG00 000041406	-2.6040976	-1.3807836
Zfp101	chr17	33360507	33394641	ENSMUSG00 000055240	-2.6039152	-1.3806825
Parp14	chr16	35832874	35871544	ENSMUSG00 000034422	-2.602994	-1.380172
Suco	chr1	161816112	161876661	ENSMUSG00 000040297	-2.6026106	-1.3799595
A430078G23Rik	chr8	3353415	3390295	ENSMUSG00 000074497	-2.6014252	-1.3793021
Gm6377	chrX	109196756	109200439	ENSMUSG00 000048621	-2.599558	-1.3782665
Nek2	chr1	191821444	191833050	ENSMUSG00 000026622	-2.5985894	-1.3777287
Rbm12b2	chr4	12089439	12096243	ENSMUSG00 000052137	-2.5916524	-1.3738723
Amica1	chr9	45079183	45108530	ENSMUSG00 000048534	-2.5910037	-1.3735111
Mefv	chr16	3707215	3718124	ENSMUSG00 000022534	-2.5870204	-1.3712914
Izumo4	chr10	80702693	80705382	ENSMUSG00 000055862	-2.5788908	-1.3667507
Spata2l	chr8	123232255	123236209	ENSMUSG00 000033594	-2.5780864	-1.3663006
Alpi	chr1	87098002	87101606	ENSMUSG00 000079440	-2.574566	-1.3643292
Jazf1	chr6	52768797	53068631	ENSMUSG00 000063568	-2.5662332	-1.3596523
Zfp281	chr1	136624901	136630053	ENSMUSG00 000041483	-2.565682	-1.3593423
Tnfrsf26	chr7	143607685	143627845	ENSMUSG00 000045362	-2.564845	-1.3588717
Zfp146	chr7	30161274	30169727	ENSMUSG00 000037029	-2.5647655	-1.3588269
Polr3a	chr14	24448694	24487046	ENSMUSG00 000025280	-2.564669	-1.3587725
Ska3	chr14	57806561	57826163	ENSMUSG00 000021965	-2.5564692	-1.3541527

Klhl20	chr1	161088375	161131511	ENSMUSG00 000026705	-2.5510824	-1.3511095
Chic2	chr5	75001026	75044774	ENSMUSG00 000029229	-2.5501292	-1.3505703
Kif4	chrX	100625737	100727214	ENSMUSG00 000034311	-2.5499015	-1.3504416
Lrrtm2	chr18	35209011	35215024	ENSMUSG00 000071862	-2.5458705	-1.3481591
Slc16a6	chr11	109450855	109473598	ENSMUSG00 000041920	-2.5453	-1.3478357
Slc36a2	chr11	55158470	55185077	ENSMUSG00 000020264	-2.5448275	-1.3475678
Hist1h3c	chr13	23744973	23745602	ENSMUSG00 000069310	-2.5424957	-1.3462454
Tiparp	chr3	65528410	65555145	ENSMUSG00 000034640	-2.5411766	-1.3454967
Gm17359	chr3	79345376	79464129	ENSMUSG00 000091685	-2.5405767	-1.345156
A930039A15Rik	chr1	153905301	153916910	ENSMUSG00 000078493	-2.5396369	-1.3446223
Mettl25	chr10	105763189	105841380	ENSMUSG00 000036009	-2.5381992	-1.3438053
Abcg3	chr5	104935057	104982718	ENSMUSG00 000029299	-2.5370107	-1.3431296
Gna15	chr10	81502306	81524225	ENSMUSG00 000034792	-2.5366766	-1.3429396
F5	chr1	164151838	164220277	ENSMUSG00 000026579	-2.5300317	-1.3391554
Larp7	chr3	127536954	127553348	ENSMUSG00 000027968	-2.5297866	-1.3390157
Mylk	chr16	34745210	35002420	ENSMUSG00 000022836	-2.5295393	-1.3388747
Ubash3b	chr9	41011098	41161697	ENSMUSG00 000032020	-2.5294998	-1.3388522
Pga5	chr19	10668957	10678071	ENSMUSG00 000024738	-2.5291429	-1.3386486
Ccne2	chr4	11191351	11204779	ENSMUSG00 000028212	-2.5269122	-1.3373755
Mctp1	chr13	76384535	77031810	ENSMUSG00 000021596	-2.5259438	-1.3368225
Gm20662	chr9	107996349	108045270	ENSMUSG00 000093456	-2.5237772	-1.3355846
Ikzf2	chr1	69531214	69685960	ENSMUSG00 000025997	-2.5229397	-1.3351057
Lrp8	chr4	107802261	107876840	ENSMUSG00 000028613	-2.5141985	-1.3300986
Bach2	chr4	32238804	32586108	ENSMUSG00 000040270	-2.5112934	-1.3284307
Rps6kc1	chr1	190700202	190911770	ENSMUSG00 000089872	-2.508029	-1.3265541
Dennd1b	chr1	138963436	139176043	ENSMUSG00 000056268	-2.5074694	-1.3262321
EVI2B	chr11	79513385	79530589	ENSMUSG00 000093938	-2.5054333	-1.3250601
Gm15448	chr7	3816781	3825687	ENSMUSG00 000074419	-2.5037377	-1.3240834
Mfsd3	chr15	76701542	76704239	ENSMUSG00 000019080	-2.5022283	-1.3232133
Zfyve28	chr5	34194874	34288449	ENSMUSG00	-2.5022244	-1.3232112

				000037224		
Evi2b	chr11	79513385	79530559	ENSMUSG00 000070354	-2.5012906	-1.3226726
Cdc42ep3	chr17	79334025	79355091	ENSMUSG00 000036533	-2.4974809	-1.3204737
Aqp9	chr9	71110659	71168682	ENSMUSG00 000032204	-2.4948306	-1.3189418
Wdfy4	chr14	32959547	33185508	ENSMUSG00 000051506	-2.494171	-1.3185604
Osm	chr11	4236420	4241026	ENSMUSG00 000058755	-2.492849	-1.3177955
Herc6	chr6	57580992	57665136	ENSMUSG00 000029798	-2.492007	-1.3173082
Svil	chr18	4920540	5119299	ENSMUSG00 000024236	-2.4905818	-1.3164828
Nsun6	chr2	14995131	15054884	ENSMUSG00 000026707	-2.4858334	-1.3137296
Stat4	chr1	51987148	52107188	ENSMUSG00 000062939	-2.4826412	-1.3118758
2610524H06Rik	chr5	114821935	114823468	ENSMUSG00 000092486	-2.4813268	-1.3111118
Agl	chr3	116739999	116808166	ENSMUSG00 000033400	-2.4792001	-1.3098748
Antxr2	chr5	97882783	98030733	ENSMUSG00 000029338	-2.4787767	-1.3096282
Zfp367	chr13	64133022	64153202	ENSMUSG00 000044934	-2.4783263	-1.3093662
Dapk2	chr9	66158223	66272242	ENSMUSG00 000032380	-2.477351	-1.3087982
Smarca2	chr19	26605115	26778321	ENSMUSG00 000024921	-2.4744163	-1.3070883
Nhsl2	chrX	101849385	102092055	ENSMUSG00 000079481	-2.4741192	-1.306915
Myo5a	chr9	75071015	75223688	ENSMUSG00 000034593	-2.473825	-1.3067434
Mphosph10	chr7	64376576	64392268	ENSMUSG00 000030521	-2.4702406	-1.3046515
Zranb1	chr7	132931142	132986391	ENSMUSG00 000030967	-2.467636	-1.3031297
Specc1	chr11	61956779	62223013	ENSMUSG00 000042331	-2.4674594	-1.3030263
Nipbl	chr15	8291225	8444463	ENSMUSG00 000022141	-2.4624178	-1.3000755
Atxn7l1	chr12	33147693	33375659	ENSMUSG00 000020564	-2.4607053	-1.2990719
Kntc1	chr5	123749726	123821593	ENSMUSG00 000029414	-2.4568	-1.2967803
Tapbpl	chr6	125223933	125231860	ENSMUSG00 000038213	-2.454444	-1.2953962
Myo9a	chr9	59750896	59928866	ENSMUSG00 000039585	-2.452725	-1.2943854
St3gal4	chr9	35046579	35116810	ENSMUSG00 000032038	-2.4499447	-1.2927492
Ddx46	chr13	55635027	55681256	ENSMUSG00 000021500	-2.4488137	-1.292083
Chaf1b	chr16	93883901	93906115	ENSMUSG00 000022945	-2.4464347	-1.2906808
Tmem154	chr3	84666192	84704575	ENSMUSG00 000056498	-2.4443808	-1.289469

Rps6ka2	chr17	7170115	7303313	ENSMUSG0000023809	-2.4430933	-1.2887089
Clec4e	chr6	123281789	123289870	ENSMUSG0000030142	-2.4428995	-1.2885945
Ckap2l	chr2	129268210	129297212	ENSMUSG0000048327	-2.441718	-1.2878966
Esco2	chr14	65819038	65833994	ENSMUSG0000022034	-2.440632	-1.2872548
4933427D14Rik	chr11	72153929	72207459	ENSMUSG0000020807	-2.4403467	-1.2870861
Phip	chr9	82866159	82975489	ENSMUSG0000032253	-2.43712	-1.2851772
Hspa1b	chr17	34956436	34959238	ENSMUSG0000090877	-2.4357438	-1.2843624
Vrk1	chr12	106010263	106077410	ENSMUSG0000021115	-2.4346654	-1.2837236
Dhx34	chr7	16197147	16222037	ENSMUSG0000006019	-2.4305038	-1.2812555
Mgll	chr6	88724412	88828360	ENSMUSG0000033174	-2.4301782	-1.2810621
Fer	chr17	63896018	64139494	ENSMUSG0000000127	-2.429077	-1.2804081
Tarm1	chr7	3489079	3502465	ENSMUSG0000053338	-2.4282959	-1.2799442
Itpkb	chr1	180330485	180424802	ENSMUSG0000038855	-2.4272187	-1.279304
Chst11	chr10	82985498	83195900	ENSMUSG0000034612	-2.42546	-1.2782584
Hist2h2ac	chr3	96220361	96220880	ENSMUSG0000068855	-2.4242928	-1.2775639
Gpr141	chr13	19749682	19824257	ENSMUSG0000053101	-2.4158788	-1.2725481
P2rx1	chr11	72999103	73015200	ENSMUSG0000020787	-2.4155192	-1.2723334
Olr1	chr6	129485246	129507165	ENSMUSG0000030162	-2.4133291	-1.2710247
Tec	chr5	72755718	72868483	ENSMUSG0000029217	-2.4090686	-1.2684755
Areg	chr5	91139615	91148432	ENSMUSG0000029378	-2.4021156	-1.2643056
Dhrs7	chr12	72650356	72664828	ENSMUSG0000021094	-2.4011137	-1.2637037
Crtc3	chr7	80586627	80688877	ENSMUSG0000030527	-2.3962023	-1.2607497
Zfp292	chr4	34803113	34882960	ENSMUSG0000039967	-2.3941135	-1.2594916
Cir1	chr2	73283105	73312701	ENSMUSG0000041777	-2.3939593	-1.2593986
Acsl4	chrX	142317993	142390535	ENSMUSG0000031278	-2.3922825	-1.2583878
Rnpc3	chr3	113605067	113630149	ENSMUSG0000027981	-2.3921478	-1.2583065
Ppid	chr3	79591342	79603650	ENSMUSG0000027804	-2.3916154	-1.2579854
Lilra6	chr7	3908280	3915503	ENSMUSG0000030427	-2.3900595	-1.2570465
Fam132b	chr1	91366430	91374216	ENSMUSG0000047443	-2.3881783	-1.2559105
Prkd2	chr7	16842902	16870461	ENSMUSG00	-2.388102	-1.2558645

				000041187		
Cenpc1	chr5	86012043	86065583	ENSMUSG00 000029253	-2.3879516	-1.2557737
2700050L05Rik	chr7	133637543	133672971	ENSMUSG00 000039990	-2.3868032	-1.2550796
Akap8l	chr17	32321425	32350581	ENSMUSG00 000002625	-2.3845513	-1.2537178
Arap3	chr18	37972624	37997574	ENSMUSG00 000024451	-2.3836453	-1.2531695
Atp8b4	chr2	126320973	126500674	ENSMUSG00 000060131	-2.3818843	-1.2521033
Nfil3	chr13	52967209	52981073	ENSMUSG00 000056749	-2.3808434	-1.2514727
Tgds	chr14	118111911	118132765	ENSMUSG00 000022130	-2.3807857	-1.2514378
Smad6	chr9	63953076	64022059	ENSMUSG00 000036867	-2.3798523	-1.250872
Abca7	chr10	79996494	80015572	ENSMUSG00 000035722	-2.3785663	-1.2500923
Gm17567	chr10	33994989	33995054	ENSMUSG00 000090666	-2.3778365	-1.2496495
Rbak	chr5	143172186	143180775	ENSMUSG00 000061898	-2.3777556	-1.2496005
Cuedc1	chr11	88099146	88194140	ENSMUSG00 000018378	-2.3757682	-1.2483941
9130011E15Rik	chr19	45818144	45998488	ENSMUSG00 000039901	-2.3725374	-1.2464308
Cep250	chr2	155956458	155998900	ENSMUSG00 000038241	-2.3680928	-1.2437255
Lrrc8d	chr5	105699969	105832436	ENSMUSG00 000046079	-2.3677459	-1.2435142
Fam76b	chr9	13827716	13846541	ENSMUSG00 000037808	-2.36498	-1.241828
Sh2d3c	chr2	32721055	32755512	ENSMUSG00 000059013	-2.364161	-1.2413284
Cyp26a1	chr19	37697808	37701528	ENSMUSG00 000024987	-2.3641396	-1.2413152
Ptplad2	chr4	88396144	88438928	ENSMUSG00 000028497	-2.3626845	-1.240427
Top2b	chr14	16365179	16430787	ENSMUSG00 000017485	-2.3607423	-1.2392406
Arhgap30	chr1	171388954	171410298	ENSMUSG00 000048865	-2.3599749	-1.2387714
Arrdc3	chr13	80883384	80896035	ENSMUSG00 000074794	-2.3596463	-1.2385707
Zfp654	chr16	64780351	64786321	ENSMUSG00 000047141	-2.3593102	-1.238365
Plcl2	chr17	50509547	50688493	ENSMUSG00 000038910	-2.3514917	-1.2335763
Aim2	chr1	173350879	173466040	ENSMUSG00 000037860	-2.3506284	-1.2330465
2610021A01Rik	chr7	41599261	41628533	ENSMUSG00 000091474	-2.3497138	-1.232485
Prkcb	chr7	122288751	122634402	ENSMUSG00 000052889	-2.3483982	-1.231677
Ifit3	chr19	34583531	34588731	ENSMUSG00 000074896	-2.3483632	-1.2316556
Srpk2	chr5	23503356	23616571	ENSMUSG00 000062604	-2.3478963	-1.2313688

Fbxl3	chr14	103080239	103099566	ENSMUSG0000022124	-2.3475509	-1.2311563
Ddx10	chr9	53098454	53248112	ENSMUSG0000053289	-2.3472352	-1.2309624
Plxnc1	chr10	94790866	94944578	ENSMUSG0000074785	-2.3449125	-1.2295341
Tbc1d8b	chrX	139684996	139753405	ENSMUSG0000042473	-2.3440208	-1.2289854
Cln5	chrX	7153810	7319358	ENSMUSG0000004317	-2.3431902	-1.228474
A530054K11Rik	chr13	67617001	67637791	ENSMUSG0000021510	-2.3388238	-1.2257831
Stard9	chr2	120629126	120731897	ENSMUSG0000033705	-2.3353112	-1.2236148
Lmnbl1	chr18	56707813	56753424	ENSMUSG0000024590	-2.3348699	-1.2233422
Zbtb8a	chr4	129353628	129378116	ENSMUSG0000028807	-2.3338587	-1.2227173
Gramd1b	chr9	40293233	40531383	ENSMUSG0000040111	-2.3330603	-1.2222236
Nnat	chr2	157560078	157562522	ENSMUSG0000067786	-2.3324177	-1.2218262
Atp11c	chrX	60223290	60592698	ENSMUSG0000062949	-2.3311102	-1.2210172
Mmd	chr11	90187684	90278589	ENSMUSG0000003948	-2.3303175	-1.2205266
Ddx3y	chrY	1260715	1286613	ENSMUSG0000069045	-2.3301826	-1.220443
Il4	chr11	53602982	53618669	ENSMUSG0000000869	-2.3300102	-1.2203362
Far2	chr6	148047259	148182758	ENSMUSG0000030303	-2.3286526	-1.2194954
Eea1	chr10	95940663	96045518	ENSMUSG0000036499	-2.323637	-1.2163846
Al606181	chr19	41593363	41596158	ENSMUSG0000074873	-2.3218765	-1.2152913
Whsc1	chr5	33820725	33897975	ENSMUSG0000057406	-2.3218515	-1.2152758
Prr11	chr11	87089153	87108708	ENSMUSG0000020493	-2.3204422	-1.2143997
Rnf216	chr5	142990893	143113020	ENSMUSG0000045078	-2.319966	-1.2141037
Armcx3	chrX	134756595	134761455	ENSMUSG0000049047	-2.3189979	-1.2135015
Crnkl1	chr2	145917479	145935014	ENSMUSG0000001767	-2.3186526	-1.2132868
Hist1h4i	chr13	22040816	22041352	ENSMUSG0000060639	-2.3174753	-1.212554
1700026L06Rik	chr2	28692080	28699727	ENSMUSG0000026809	-2.3160186	-1.2116468
Rnf24	chr2	131298064	131352892	ENSMUSG0000048911	-2.311403	-1.2087688
Ndel1	chr11	68821434	68871858	ENSMUSG0000018736	-2.3105845	-1.2082579
Ntng2	chr2	29194541	29253005	ENSMUSG0000035513	-2.309863	-1.2078073
Kynu	chr2	43555329	43682715	ENSMUSG0000026866	-2.3053465	-1.2049836
Cluap1	chr16	3908801	3941147	ENSMUSG00	-2.3052733	-1.2049378

				000014232		
Mtmr3	chr11	4480868	4594863	ENSMUSG00 000034354	-2.3050268	-1.2047834
BC002059	chr17	16972910	16973770	ENSMUSG00 000060149	-2.3041043	-1.2042061
Fam117a	chr11	95337018	95381872	ENSMUSG00 000038893	-2.3015878	-1.2026294
Cdc14a	chr3	116272553	116424032	ENSMUSG00 000033502	-2.2988095	-1.200887
Dhx58	chr11	100694884	100704271	ENSMUSG00 000017830	-2.2982426	-1.200531
Ccdc23	chr4	119195306	119201298	ENSMUSG00 000028643	-2.2976565	-1.2001631
5-Sep	chr16	18621811	18629938	ENSMUSG00 000072214	-2.2972484	-1.1999068
Ccdc28b	chr4	129619274	129623947	ENSMUSG00 000028795	-2.296947	-1.1997176
10-Sep	chr10	59164113	59221847	ENSMUSG00 000019917	-2.2968533	-1.1996588
Sirpb1b	chr3	15495754	15575065	ENSMUSG00 000095028	-2.2967935	-1.1996211
Ppig	chr2	69722545	69754012	ENSMUSG00 000042133	-2.2959557	-1.1990948
Plcb2	chr2	118707517	118728438	ENSMUSG00 000040061	-2.295035	-1.1985161
Inpp5j	chr11	3494375	3504821	ENSMUSG00 000034570	-2.2948093	-1.1983743
Eml4	chr17	83350931	83480361	ENSMUSG00 000032624	-2.2942398	-1.1980162
I830012016Rik	chr19	34607970	34613401	ENSMUSG00 000062488	-2.2942173	-1.1980021
Gm16039	chr6	8259288	8597480	ENSMUSG00 000089862	-2.2930338	-1.1972576
Lmln	chr16	33062521	33127695	ENSMUSG00 000022802	-2.2884645	-1.1943799
2210404J11Rik	chr17	15041641	15064232	ENSMUSG00 000036552	-2.2883325	-1.1942966
Fam109b	chr15	82338942	82345743	ENSMUSG00 000049687	-2.286809	-1.1933359
Ogfr	chr2	180589245	180595836	ENSMUSG00 000049401	-2.2861216	-1.1929021
Smchd1	chr17	71344489	71475343	ENSMUSG00 000024054	-2.2836132	-1.1913183
Mphosph9	chr5	124250959	124327972	ENSMUSG00 000038126	-2.2835786	-1.1912965
Bptf	chr11	107033081	107132127	ENSMUSG00 000040481	-2.278101	-1.1878316
Nrn1	chr13	36725625	36734477	ENSMUSG00 000039114	-2.2751684	-1.1859734
Itrip1	chr19	47894598	47919299	ENSMUSG00 000079254	-2.274956	-1.1858387
Hist1h2bg	chr13	23571396	23572013	ENSMUSG00 000058385	-2.2725604	-1.1843187
Fcho2	chr13	98723407	98815449	ENSMUSG00 000041685	-2.2723815	-1.184205
4632434I11Rik	chr7	92857529	92874213	ENSMUSG00 000030641	-2.269749	-1.1825327
Kcna3	chr3	107036162	107038129	ENSMUSG00 000047959	-2.2696085	-1.1824435

Trim17	chr11	58954685	58973098	ENSMUSG00 000036964	-2.269065	-1.1820979
4933406M09Rik	chr1	134385940	134390981	ENSMUSG00 000050526	-2.267806	-1.1812973
Gm8225	chr17	26542760	26543715	ENSMUSG00 000068604	-2.267102	-1.1808493
Myst4	chr14	21499785	21672478	ENSMUSG00 000021767	-2.2660067	-1.180152
9930022D16Rik	chr11	109413917	109420405	ENSMUSG00 000045065	-2.265127	-1.1795919
1-Sep	chr7	127214447	127218498	ENSMUSG00 000000486	-2.2639198	-1.1788229
Maff	chr15	79347541	79359072	ENSMUSG00 000042622	-2.2638648	-1.1787878
Stxbp5	chr10	9755547	9901079	ENSMUSG00 000019790	-2.2630386	-1.1782612
E2f3	chr13	29906575	29985668	ENSMUSG00 000016477	-2.262303	-1.1777923
Ncapg2	chr12	116405402	116463531	ENSMUSG00 000042029	-2.2611346	-1.1770469
Zfp949	chr9	88548020	88571086	ENSMUSG00 000032425	-2.260969	-1.1769412
Mycbp2	chr14	103113411	103346814	ENSMUSG00 000033004	-2.2580776	-1.1750951
Cdk11b	chr4	155624854	155649938	ENSMUSG00 000029062	-2.2577395	-1.1748791
Mier1	chr4	103114390	103165754	ENSMUSG00 000028522	-2.2559776	-1.1737528
Hltf	chr3	20057811	20118490	ENSMUSG00 000002428	-2.2558393	-1.1736643
Adam8	chr7	139978932	139992562	ENSMUSG00 000025473	-2.2544768	-1.1727927
Rtn2	chr7	19282662	19296164	ENSMUSG00 000030401	-2.253361	-1.1720785
Ifitm5	chr7	140948963	140950239	ENSMUSG00 000025489	-2.2527792	-1.171706
Taf3	chr2	9914552	10048596	ENSMUSG00 000025782	-2.2525828	-1.1715801
Mill2	chr7	18839966	18858654	ENSMUSG00 000040987	-2.2500577	-1.1699619
Bbx	chr16	50191844	50432390	ENSMUSG00 000022641	-2.2480035	-1.1686443
Al607873	chr1	173723430	173741809	ENSMUSG00 000073490	-2.2465026	-1.1676807
Sfta2	chr17	35601549	35650571	ENSMUSG00 000090509	-2.24391	-1.1660148
Pbld1	chr10	63061582	63077962	ENSMUSG00 000020072	-2.2421794	-1.1649017
Chd2	chr7	73426691	73541746	ENSMUSG00 000078671	-2.2417026	-1.1645949
Zfp366	chr13	99184823	99247037	ENSMUSG00 000050919	-2.2384803	-1.1625197
Rhoq	chr17	86963082	87000069	ENSMUSG00 000024143	-2.2378101	-1.1620877
Clspn	chr4	126556935	126593903	ENSMUSG00 000042489	-2.2372658	-1.1617367
Tnfaip8	chr18	49979427	50107173	ENSMUSG00 000062210	-2.23612	-1.1609976
Zfp839	chr12	110850279	110869998	ENSMUSG00	-2.236047	-1.1609505

				000021271		
Dgkg	chr16	22468461	22657221	ENSMUSG00 000022861	-2.235708	-1.1607318
Kif21b	chr1	136131389	136177998	ENSMUSG00 000041642	-2.2357073	-1.1607313
Kif11	chr19	37376403	37421859	ENSMUSG00 000012443	-2.2329588	-1.1589566
Ier5	chr1	155096367	155099636	ENSMUSG00 000056708	-2.2327778	-1.1588397
Pcgf5	chr19	36379067	36456192	ENSMUSG00 000024805	-2.2296824	-1.1568382
Gls	chr1	52163448	52233232	ENSMUSG00 000026103	-2.2283795	-1.1559949
Tank	chr2	61578585	61654171	ENSMUSG00 000064289	-2.2273204	-1.1553092
Tubgcp5	chr7	55794148	55831447	ENSMUSG00 000033790	-2.2267873	-1.1549639
Axin2	chr11	108920349	108950783	ENSMUSG00 000000142	-2.226673	-1.1548897
Capns2	chr8	92901395	92902409	ENSMUSG00 000078144	-2.225779	-1.1543105
Map3k12	chr15	102497649	102517064	ENSMUSG00 000023050	-2.2253587	-1.154038
Wdr8	chr4	154142372	154167420	ENSMUSG00 000029029	-2.2237844	-1.1530169
Pik3cd	chr4	149649168	149702571	ENSMUSG00 000039936	-2.2229142	-1.1524522
Rpap3	chr15	97675105	97705822	ENSMUSG00 000022466	-2.2194955	-1.1502318
Ccr1	chr9	123962126	123968692	ENSMUSG00 000025804	-2.2187335	-1.1497364
Trim56	chr5	137105644	137116209	ENSMUSG00 000043279	-2.2166543	-1.1483837
Slc18a2	chr19	59260878	59296012	ENSMUSG00 000025094	-2.2146778	-1.1470969
Icam2	chr11	106377656	106388075	ENSMUSG00 000001029	-2.2146697	-1.1470916
Cxcl3	chr5	90786103	90788086	ENSMUSG00 000029379	-2.2142735	-1.1468334
Trim62	chr4	128883580	128911328	ENSMUSG00 000041000	-2.2131896	-1.146127
Maml2	chr9	13619990	13709533	ENSMUSG00 000031925	-2.2106614	-1.1444781
Herc1	chr9	66350450	66508775	ENSMUSG00 000038664	-2.2102702	-1.1442227
Serpina11	chr12	103980243	103989957	ENSMUSG00 000063232	-2.2102413	-1.1442039
Itpk1	chr12	102568582	102704929	ENSMUSG00 000057963	-2.2094572	-1.143692
Tpx2	chr2	152847964	152895321	ENSMUSG00 000027469	-2.2093575	-1.1436269
AC153525.1	chr10	52358767	52358853	ENSMUSG00 000097704	-2.2087483	-1.1432291
Hspa4l	chr3	40744495	40796103	ENSMUSG00 000025757	-2.2084706	-1.1430477
Mndal	chr1	173857221	173942491	ENSMUSG00 000090272	-2.207875	-1.1426585
Rsb1l1	chr5	20893028	20951822	ENSMUSG00 000039968	-2.2074487	-1.14238

Supt16h	chr14	52160419	52197239	ENSMUSG00 000035726	-2.204101	-1.1401904
Ankrd11	chr8	122883337	122974793	ENSMUSG00 000035569	-2.2040288	-1.1401432
Gart	chr16	91621186	91646952	ENSMUSG00 000022962	-2.203144	-1.1395638
Traf3	chr12	111166370	111267153	ENSMUSG00 000021277	-2.2030127	-1.1394778
Pou2f1	chr1	165865154	166002678	ENSMUSG00 000026565	-2.2023816	-1.1390644
Nxn	chr11	76257198	76399140	ENSMUSG00 000020844	-2.201344	-1.1383846
Pthr1	chr2	32775786	32777597	ENSMUSG00 000053746	-2.2004902	-1.1378249
4930595D18Rik	chr12	111159850	111184491	ENSMUSG00 000083193	-2.198452	-1.1364881
Smc1a	chrX	152016428	152062694	ENSMUSG00 000041133	-2.1977663	-1.1360381
Cars	chr7	143557230	143600090	ENSMUSG00 000010755	-2.1958787	-1.1347984
Sgcb	chr5	73632749	73647713	ENSMUSG00 000029156	-2.1952136	-1.1343613
Hirip3	chr7	126861972	126865377	ENSMUSG00 000042606	-2.1950903	-1.1342803
Ppbp	chr5	90768518	90770060	ENSMUSG00 000029372	-2.1947858	-1.1340802
Tbc1d10c	chr19	4184358	4191047	ENSMUSG00 000040247	-2.1928709	-1.1328208
Cdadc1	chr14	59560896	59597836	ENSMUSG00 000021982	-2.1919005	-1.1321824
Taf7	chr18	37640902	37644204	ENSMUSG00 000051316	-2.1917555	-1.1320869
AW146020	chr6	81923669	81959915	ENSMUSG00 000035125	-2.1915298	-1.1319383
Smc6	chr12	11265886	11319785	ENSMUSG00 000020608	-2.1894097	-1.130542
Lrrrip1	chr1	90998727	91128944	ENSMUSG00 000026305	-2.189378	-1.130521
Gm17571	chr9	13444034	13446753	ENSMUSG00 000090592	-2.1872213	-1.1290992
Eif2ak4	chr2	118388618	118475234	ENSMUSG00 000005102	-2.186124	-1.1283753
Hist1h2ac	chr13	23681467	23683948	ENSMUSG00 000069270	-2.18612	-1.1283726
Nmrk1	chr19	18631950	18652194	ENSMUSG00 000037847	-2.1859097	-1.1282339
Fbxw17	chr13	50417864	50433780	ENSMUSG00 000037816	-2.1843927	-1.1272322
Hist1h3e	chr13	23561534	23562369	ENSMUSG00 000069273	-2.1837537	-1.1268102
Zfp622	chr15	25984366	25998482	ENSMUSG00 000052253	-2.1825173	-1.125993
Dok2	chr14	70766036	70778495	ENSMUSG00 000022102	-2.181469	-1.1252999
Btc	chr5	91357261	91402994	ENSMUSG00 000082361	-2.181236	-1.1251459
1700030J22Rik	chr8	116969599	116978943	ENSMUSG00 000031847	-2.180441	-1.1246198
Nedd9	chr13	41309916	41487320	ENSMUSG00	-2.1792307	-1.1238189

				000021365		
Rbm48	chr5	3583978	3596585	ENSMUSG00 000040302	-2.178708	-1.1234729
Il1rl2	chr1	40324627	40365471	ENSMUSG00 000070942	-2.1772747	-1.1225234
Cd244	chr1	171559193	171585318	ENSMUSG00 000004709	-2.1768734	-1.1222575
Nrm	chr17	35861318	35865402	ENSMUSG00 000059791	-2.176233	-1.1218331
Ffar2	chr7	30818357	30823775	ENSMUSG00 000051314	-2.1745014	-1.1206846
Ptpn7	chr1	135132725	135145320	ENSMUSG00 000031506	-2.1731439	-1.1197836
Sirt4	chr5	115478010	115484725	ENSMUSG00 000029524	-2.173032	-1.1197095
C030046E11Rik	chr19	29522282	29606829	ENSMUSG00 000038658	-2.1721404	-1.1191173
Fes	chr7	80377758	80387946	ENSMUSG00 000053158	-2.172071	-1.1190712
Plcd1	chr9	119071527	119093496	ENSMUSG00 000010660	-2.1714191	-1.1186383
Gm10521	chr1	171895664	171898237	ENSMUSG00 000073492	-2.165103	-1.1144357
Ear1	chr14	43818765	43875517	ENSMUSG00 000072601	-2.1650088	-1.1143728
Ccdc125	chr13	100669481	100697240	ENSMUSG00 000048924	-2.1632478	-1.1131989
Cd248	chr19	5068078	5070637	ENSMUSG00 000056481	-2.1628509	-1.1129341
Gm20481	chr17	34969912	34972136	ENSMUSG00 000092609	-2.1621861	-1.1124908
Gtdc1	chr2	44564412	44927657	ENSMUSG00 000036890	-2.1617086	-1.1121721
Mia2	chr12	59095799	59109130	ENSMUSG00 000035349	-2.161402	-1.1119674
Fam178a	chr19	44931119	44983787	ENSMUSG00 000036097	-2.1592884	-1.1105559
Mbtd1	chr11	93885852	93946985	ENSMUSG00 000059474	-2.1568294	-1.1089121
Sfrs18	chr4	21847583	21876475	ENSMUSG00 000028248	-2.1566331	-1.1087809
Zdhhc17	chr10	110941782	111010066	ENSMUSG00 000035798	-2.1553915	-1.1079499
Fen1	chr19	10199132	10204169	ENSMUSG00 000024742	-2.1546073	-1.107425
Ptk2b	chr14	66153257	66281052	ENSMUSG00 000059456	-2.153717	-1.1068287
Tbxas1	chr6	38875404	39084585	ENSMUSG00 000029925	-2.1535718	-1.1067314
Birc2	chr9	7818236	7835255	ENSMUSG00 000057367	-2.1532135	-1.1064913
Zfp760	chr17	21707741	21725636	ENSMUSG00 000067928	-2.1526418	-1.1061082
Slc7a2	chr8	40862396	40922308	ENSMUSG00 000031596	-2.152085	-1.1057352
Dkc1	chrX	75095854	75109777	ENSMUSG00 000031403	-2.1515071	-1.1053476
Zmym4	chr4	126861939	126968135	ENSMUSG00 000042446	-2.1514664	-1.1053203

Dcp2	chr18	44380500	44424969	ENSMUSG00 000024472	-2.1514447	-1.1053057
Mpnd	chr17	56005711	56016790	ENSMUSG00 000003199	-2.1503413	-1.1045656
Tspan5	chr3	138742195	138904433	ENSMUSG00 000028152	-2.150077	-1.1043884
A630007B06Rik	chr19	56787481	56822190	ENSMUSG00 000035173	-2.1493192	-1.1038798
2010002N04Rik	chr18	60474193	60501983	ENSMUSG00 000038059	-2.1470115	-1.10233
Tiam1	chr16	89787111	89980080	ENSMUSG00 000002489	-2.1468778	-1.1022401
Kcnd1	chrX	7822289	7838280	ENSMUSG00 000009731	-2.1462207	-1.1017984
Hspbap1	chr16	35770386	35828446	ENSMUSG00 000022849	-2.1449137	-1.1009196
Zfp362	chr4	128773088	128806045	ENSMUSG00 000028799	-2.144858	-1.100882
A130050007Rik	chr1	137928170	137930273	ENSMUSG00 000051480	-2.1446633	-1.1007512
Hspa1a	chr17	34969199	34972154	ENSMUSG00 000091971	-2.1441314	-1.1003933
BC068281	chr12	4843303	4856925	ENSMUSG00 000051721	-2.1439977	-1.1003034
Tram2	chr1	20996296	21079229	ENSMUSG00 000041779	-2.143946	-1.1002685
Fos	chr12	85473890	85477273	ENSMUSG00 000021250	-2.1436212	-1.10005
Gon4l	chr3	88835231	88910103	ENSMUSG00 000054199	-2.1434326	-1.099923
Slc15a2	chr16	36750178	36784962	ENSMUSG00 000022899	-2.1433206	-1.0998477
Morc3	chr16	93832121	93876072	ENSMUSG00 000039456	-2.1431332	-1.0997214
Lta4h	chr10	93453396	93484896	ENSMUSG00 000015889	-2.1416273	-1.0987074
Def6	chr17	28207778	28228608	ENSMUSG00 000002257	-2.1410663	-1.0983295
Prg4	chr1	150449412	150466165	ENSMUSG00 000006014	-2.1396163	-1.097352
Tsr2	chrX	151087094	151096543	ENSMUSG00 000025264	-2.1388257	-1.0968189
Prkd3	chr17	78949405	79020816	ENSMUSG00 000024070	-2.1383297	-1.0964844
Pvrl4	chr1	171370099	171388598	ENSMUSG00 000006411	-2.1380186	-1.0962744
Pim2	chrX	7878262	7883432	ENSMUSG00 000031155	-2.1356812	-1.0946963
Zbtb45	chr7	13004936	13009822	ENSMUSG00 000049600	-2.1349242	-1.0941849
Smyd3	chr1	178951960	179518041	ENSMUSG00 000055067	-2.1341047	-1.093631
Dennd3	chr15	73512560	73572242	ENSMUSG00 000036661	-2.1331248	-1.0929685
Pola1	chrX	93304767	93632155	ENSMUSG00 000006678	-2.1329465	-1.0928478
Batf	chr12	85686669	85709087	ENSMUSG00 000034266	-2.1324096	-1.0924846
Orm3	chr4	63356162	63359511	ENSMUSG00	-2.1321971	-1.0923408

				000028359		
Hist1h2bh	chr13	23542924	23543359	ENSMUSG00 000064168	-2.131986	-1.0921979
Trim12c	chr7	104338754	104353362	ENSMUSG00 000057143	-2.1316488	-1.0919697
Kbtbd8	chr6	95117240	95129718	ENSMUSG00 000030031	-2.1313982	-1.0918001
Apbb1ip	chr2	22774094	22875653	ENSMUSG00 000026786	-2.1303697	-1.0911038
Casc5	chr2	119047119	119105501	ENSMUSG00 000027326	-2.1277094	-1.0893011
Notch1	chr2	26457903	26516663	ENSMUSG00 000026923	-2.1276095	-1.0892334
Tspan32	chr7	143005046	143019644	ENSMUSG00 000000244	-2.1268349	-1.088708
Nr4a3	chr4	48045153	48086447	ENSMUSG00 000028341	-2.126178	-1.0882624
Emid1	chr11	5106265	5152257	ENSMUSG00 000034164	-2.1256793	-1.0879239
Sp4	chr12	118234933	118301440	ENSMUSG00 000025323	-2.1240096	-1.0867903
Pnpla7	chr2	24976033	25054057	ENSMUSG00 000036833	-2.1235461	-1.0864754
Tspan17	chr13	54789377	54796776	ENSMUSG00 000025875	-2.1224475	-1.0857289
Ccdc99	chr11	34809190	34833641	ENSMUSG00 000069910	-2.1220267	-1.0854428
Rabepk	chr2	34777556	34799912	ENSMUSG00 000070953	-2.1193676	-1.0836338
Car4	chr11	84957786	84966044	ENSMUSG00 000000805	-2.1187932	-1.0832428
Usp1	chr4	98923810	98935543	ENSMUSG00 000028560	-2.11708	-1.0820758
Ifnk	chr4	35152056	35154005	ENSMUSG00 000042993	-2.11564	-1.081094
Rcn1	chr2	105386291	105399319	ENSMUSG00 000005973	-2.1142895	-1.080173
Fam175b	chr7	132859225	132885114	ENSMUSG00 000030965	-2.1111314	-1.0780164
Adam19	chr11	46055992	46147343	ENSMUSG00 000011256	-2.1102989	-1.0774474
Traf5	chr1	191997430	192092559	ENSMUSG00 000026637	-2.109952	-1.0772102
Susd1	chr4	59314683	59438633	ENSMUSG00 000038578	-2.1079972	-1.0758729
Vps13a	chr19	16616763	16780822	ENSMUSG00 000046230	-2.1076298	-1.0756215
Crem	chr18	3266048	3337748	ENSMUSG00 000063889	-2.104361	-1.0733823
Arl5c	chr11	97989578	97996181	ENSMUSG00 000038352	-2.1042573	-1.0733112
Pdcd1lg2	chr19	29410919	29471157	ENSMUSG00 000016498	-2.1041021	-1.0732048
Adam4	chr12	81419443	81421946	ENSMUSG00 000072972	-2.104045	-1.0731655
Eif5a2	chr3	28781311	28798846	ENSMUSG00 000050192	-2.104021	-1.0731491
Gm8369	chr19	11492038	11512577	ENSMUSG00 000058470	-2.103509	-1.072798

Whamm	chr7	81571292	81596836	ENSMUSG00 000045795	-2.1027052	-1.0722467
Prpf40a	chr2	53134704	53191284	ENSMUSG00 000061136	-2.102277	-1.0719528
Zbtb5	chr4	44991242	45012412	ENSMUSG00 000049657	-2.1021264	-1.0718493
Uhrf1bp1	chr17	27856490	27900040	ENSMUSG00 000039512	-2.1007438	-1.0709002
Usp35	chr7	97309380	97332020	ENSMUSG00 000035713	-2.0992043	-1.0698426
Parp1	chr1	180568955	180601253	ENSMUSG00 000026496	-2.098591	-1.069421
Gfi1b	chr2	28609450	28621982	ENSMUSG00 000026815	-2.0985765	-1.0694112
Dtwd2	chr18	49696145	49755601	ENSMUSG00 000024505	-2.0981495	-1.0691174
Sh3kbp1	chrX	159627272	159978069	ENSMUSG00 000040990	-2.0962431	-1.067806
Ccne1	chr7	38097984	38107534	ENSMUSG00 000002068	-2.095104	-1.0670218
Cst7	chr2	150570415	150578944	ENSMUSG00 000068129	-2.0950973	-1.0670173
Ubn1	chr16	5050068	5086285	ENSMUSG00 000039473	-2.0949748	-1.0669329
Cenpf	chr1	189640599	189688086	ENSMUSG00 000026605	-2.0936134	-1.065995
Nol8	chr13	49653350	49679015	ENSMUSG00 000021392	-2.0924928	-1.0652227
Rif1	chr2	52072837	52122383	ENSMUSG00 000036202	-2.0917177	-1.0646882
B430306N03Rik	chr17	48316141	48327024	ENSMUSG00 000043740	-2.0908668	-1.0641012
Oip5	chr2	119609512	119618469	ENSMUSG00 000072980	-2.090687	-1.0639771
Pigg	chr5	108312609	108349355	ENSMUSG00 000029263	-2.0906003	-1.0639173
Pcnx	chr12	81860030	82000924	ENSMUSG00 000021140	-2.0894418	-1.0631175
Neb	chr2	52136647	52338798	ENSMUSG00 000026950	-2.0886693	-1.062584
Scaf11	chr15	96411698	96460843	ENSMUSG00 000033228	-2.0886638	-1.0625803
Arl11	chr14	61309753	61311936	ENSMUSG00 000043157	-2.0881262	-1.0622089
Iqsec2	chrX	152144268	152225236	ENSMUSG00 000041115	-2.0878406	-1.0620115
H2-Q7	chr17	35439155	35443773	ENSMUSG00 000060550	-2.087455	-1.0617452
Iffo1	chr6	125145241	125161782	ENSMUSG00 000038271	-2.0868258	-1.0613102
E2f8	chr7	48866429	48881596	ENSMUSG00 000046179	-2.0857546	-1.0605694
Atrx	chrX	105797615	105929397	ENSMUSG00 000031229	-2.0852377	-1.0602119
Sltm	chr9	70542920	70592237	ENSMUSG00 000032212	-2.0832577	-1.0588412
Nr1h3	chr2	91184061	91202834	ENSMUSG00 000002108	-2.0831761	-1.0587848
Rcn3	chr7	45082913	45092221	ENSMUSG00	-2.0830305	-1.0586839

				000019539		
Gm4767	chr10	81661998	81664231	ENSMUSG00 000096856	-2.082917	-1.0586053
AC154271.1	chr13	85126999	85127514	ENSMUSG00 000096449	-2.0825899	-1.0583788
Mtrf1l	chr10	5811887	5823910	ENSMUSG00 000019774	-2.0812657	-1.0574611
Thap3	chr4	151982639	151988997	ENSMUSG00 000039759	-2.0806794	-1.0570548
Reps2	chrX	162411954	162643649	ENSMUSG00 000040855	-2.0791576	-1.055999
Atf7ip	chr6	136608859	136610870	ENSMUSG00 000053935	-2.078103	-1.0552672
Samd5	chr10	9627259	9675208	ENSMUSG00 000060487	-2.0767536	-1.0543301
C330027C09Rik	chr16	48994185	49019709	ENSMUSG00 000033031	-2.0763125	-1.0540236
Pi4kb	chr3	94974731	95006843	ENSMUSG00 000038861	-2.0758116	-1.0536755
Cnr2	chr4	135895394	135920207	ENSMUSG00 000062585	-2.0750055	-1.0531152
Fam111a	chr19	12545740	12589768	ENSMUSG00 000024691	-2.074983	-1.0530994
Hbegf	chr18	36504929	36515805	ENSMUSG00 000024486	-2.0747154	-1.0529134
Atr	chr9	95857597	95951644	ENSMUSG00 000032409	-2.074441	-1.0527226
Fgd3	chr13	49261554	49320311	ENSMUSG00 000037946	-2.0742362	-1.0525801
Jak2	chr19	29251828	29313080	ENSMUSG00 000024789	-2.072319	-1.0512462
4930570N19Rik	chr14	26628407	26638183	ENSMUSG00 000090861	-2.0723128	-1.0512419
Brca2	chr5	150522630	150569746	ENSMUSG00 000041147	-2.071922	-1.0509697
Syk	chr13	52583173	52648792	ENSMUSG00 000021457	-2.0717068	-1.0508199
Pdzd2	chr15	12357054	12592556	ENSMUSG00 000022197	-2.07149	-1.050669
Rapgef2	chr3	79062516	79181340	ENSMUSG00 000062232	-2.071453	-1.0506431
Ing5	chr1	93803965	93822101	ENSMUSG00 000026283	-2.0707245	-1.0501356
Rsf1	chr7	97579896	97692782	ENSMUSG00 000035623	-2.0686405	-1.0486829
4632415L05Rik	chr3	19894886	19895962	ENSMUSG00 000048106	-2.0676994	-1.0480264
Pggt1b	chr18	46239949	46280850	ENSMUSG00 000024477	-2.067353	-1.0477847
A930002H24Rik	chr17	63863300	63863791	ENSMUSG00 000045506	-2.0660274	-1.0468594
Prrc2c	chr1	162673402	162740495	ENSMUSG00 000040225	-2.0649621	-1.0461154
Noc3l	chr19	38788128	38819237	ENSMUSG00 000024999	-2.0646353	-1.045887
St8sia4	chr1	95587684	95667594	ENSMUSG00 000040710	-2.0640407	-1.0454714
Ddhd1	chr14	45593174	45658143	ENSMUSG00 000037697	-2.0622098	-1.0441911

Phf21a	chr2	92093117	92364666	ENSMUSG00 000058318	-2.0615587	-1.0437355
Aph1c	chr9	66814994	66834726	ENSMUSG00 000053040	-2.0606704	-1.0431138
Spink2	chr5	77205107	77211471	ENSMUSG00 000053030	-2.0592809	-1.0421406
Xpc	chr6	91489305	91515884	ENSMUSG00 000030094	-2.0577333	-1.041056
F930017D23Rik	chr10	43593427	43630916	ENSMUSG00 000075184	-2.0570076	-1.040547
Hist1h2bn	chr13	21754123	21754503	ENSMUSG00 000095217	-2.0556624	-1.0396034
Matr3	chr18	35562158	35592045	ENSMUSG00 000037236	-2.0520306	-1.0370522
Shcbp1	chr8	4735980	4779534	ENSMUSG00 000022322	-2.0513659	-1.0365849
Rnf144b	chr13	47122720	47247991	ENSMUSG00 000038068	-2.0506132	-1.0360553
4922501C03Rik	chr9	87189573	87255536	ENSMUSG00 000056919	-2.0499513	-1.0355897
Lrrc4	chr6	28661831	28831747	ENSMUSG00 000049939	-2.0496845	-1.0354019
Btk	chrX	134542336	134583570	ENSMUSG00 000031264	-2.049563	-1.0353162
Vamp4	chr1	162570515	162599084	ENSMUSG00 000026696	-2.04915	-1.0350256
Hiatl1	chr13	65064663	65112982	ENSMUSG00 000038212	-2.0483873	-1.0344884
Prmt10	chr8	77549397	77581338	ENSMUSG00 000037134	-2.047826	-1.0340931
Vegfa	chr17	46016993	46032377	ENSMUSG00 000023951	-2.047303	-1.0337245
Cep55	chr19	38055025	38074425	ENSMUSG00 000024989	-2.046408	-1.0330937
Ubac1	chr2	25998543	26021747	ENSMUSG00 000036352	-2.046326	-1.0330359
Diras2	chr13	52504375	52530836	ENSMUSG00 000047842	-2.0459461	-1.0327681
Cwc22	chr2	77881159	77946375	ENSMUSG00 000027014	-2.0456884	-1.0325865
Nuak2	chr1	132316126	132333488	ENSMUSG00 000009772	-2.0452623	-1.0322859
Pde6d	chr1	86542994	86582629	ENSMUSG00 000026239	-2.0428965	-1.0306162
Stk19	chr17	34823993	34836945	ENSMUSG00 000061207	-2.042291	-1.0301883
Rel	chr11	23741514	23770970	ENSMUSG00 000020275	-2.0416565	-1.0297401
Cyp4f13	chr17	32924688	32947402	ENSMUSG00 000024055	-2.0415304	-1.029651
Tcf7l2	chr19	55741810	55933654	ENSMUSG00 000024985	-2.0393343	-1.0280983
Vmn2r26	chr6	124024758	124062035	ENSMUSG00 000096630	-2.038479	-1.0274932
Dnmbp	chr19	43847967	43912392	ENSMUSG00 000025195	-2.0384405	-1.0274658
Ksr1	chr11	79013440	79146407	ENSMUSG00 000018334	-2.036764	-1.0262787
Lgalsl	chr11	20823576	20831056	ENSMUSG00	-2.0367463	-1.0262662

				000042363		
Bcl2l12	chr7	44991222	44998712	ENSMUSG00 000003190	-2.0364003	-1.0260212
Rttn	chr18	88971790	89131013	ENSMUSG00 000023066	-2.0361423	-1.0258384
Pth2r	chr1	65282056	65389244	ENSMUSG00 000025946	-2.0359168	-1.0256786
Arhgap24	chr5	102481391	102897936	ENSMUSG00 000057315	-2.034551	-1.0247103
1810011H11Rik	chr14	32785963	32817968	ENSMUSG00 000041707	-2.0343063	-1.0245368
Ccdc141	chr2	77009902	77170636	ENSMUSG00 000044033	-2.03403	-1.0243409
Bdp1	chr13	100017994	100104070	ENSMUSG00 000049658	-2.033989	-1.0243118
Atp2b1	chr10	98915152	99026143	ENSMUSG00 000019943	-2.033333	-1.0238466
Qk	chr17	10206471	10319361	ENSMUSG00 000062078	-2.032925	-1.023557
Incenp	chr19	9872297	9899533	ENSMUSG00 000024660	-2.0324593	-1.0232265
Dip2c	chr13	9276528	9668928	ENSMUSG00 000048264	-2.0321345	-1.022996
Ing2	chr8	47667178	47675556	ENSMUSG00 000063049	-2.0318732	-1.0228105
Ncapg	chr5	45669922	45700544	ENSMUSG00 000015880	-2.031689	-1.0226796
Bap1	chr14	31251489	31259929	ENSMUSG00 000021901	-2.0316665	-1.0226636
P2ry12	chr3	59216271	59262831	ENSMUSG00 000036353	-2.0305822	-1.0218935
Slc9a3	chr13	74121515	74166064	ENSMUSG00 000036123	-2.0301027	-1.0215527
Unc13d	chr11	116062095	116077961	ENSMUSG00 000057948	-2.029697	-1.0212643
Tmem156	chr5	65063208	65091555	ENSMUSG00 000037913	-2.0294557	-1.0210929
Rgs2	chr1	143999338	144004161	ENSMUSG00 000026360	-2.028238	-1.020227
Megf9	chr4	70427065	70534995	ENSMUSG00 000039270	-2.027926	-1.020005
Fbxo34	chr14	47472561	47531962	ENSMUSG00 000037536	-2.0269277	-1.0192946
Rasgrp4	chr7	29134854	29153961	ENSMUSG00 000030589	-2.0250292	-1.0179427
Lrrfip2	chr9	111118111	111225668	ENSMUSG00 000032497	-2.0245547	-1.0176046
Zc3h12c	chr9	52111985	52168111	ENSMUSG00 000035164	-2.0243697	-1.0174729
Zcchc11	chr4	108459426	108559421	ENSMUSG00 000034610	-2.0234098	-1.0167886
Nudt4	chr10	95547007	95564167	ENSMUSG00 000020029	-2.0228515	-1.0163903
Camk1d	chr2	5293457	5714515	ENSMUSG00 000039145	-2.0220382	-1.0158103
Klf2	chr8	72319033	72321656	ENSMUSG00 000055148	-2.0220177	-1.0157957
CT009575.1	chr17	11838602	11867561	ENSMUSG00 000095795	-2.021659	-1.0155396

Serpind1	chr16	17331371	17343575	ENSMUSG00 000022766	-2.020968	-1.0150465
Rgs18	chr1	144752683	144775435	ENSMUSG00 000026357	-2.0206094	-1.0147904
Tet2	chr3	133463679	133544390	ENSMUSG00 000040943	-2.019819	-1.014226
Zbtb4	chr11	69765912	69784023	ENSMUSG00 000018750	-2.01966	-1.0141125
Tnfsf13	chr11	69682846	69685784	ENSMUSG00 000089669	-2.0192413	-1.0138134
Ppwd1	chr13	104205121	104228844	ENSMUSG00 000021713	-2.0185506	-1.0133197
Top1	chr2	160645888	160722764	ENSMUSG00 000070544	-2.0183747	-1.013194
Itga1	chr13	114958079	115101964	ENSMUSG00 000042284	-2.0174258	-1.0125157
Trim39	chr17	36258873	36272247	ENSMUSG00 000045409	-2.0164778	-1.0118376
Rhd	chr4	134864536	134896172	ENSMUSG00 000028825	-2.0164275	-1.0118015
Bclaf1	chr10	20312469	20342501	ENSMUSG00 000037608	-2.0159457	-1.0114567
Dgkh	chr14	78569609	78725089	ENSMUSG00 000034731	-2.01504	-1.0108085
Terf2ip	chr8	112011359	112020528	ENSMUSG00 000033430	-2.01483	-1.0106583
A330017A19Rik	chr17	46889216	46890405	ENSMUSG00 000073388	-2.0144885	-1.0104135
St7	chr6	17692933	17943025	ENSMUSG00 000029534	-2.0142505	-1.010243
Usp33	chr3	152346478	152393612	ENSMUSG00 000025437	-2.0139682	-1.010041
1600002K03Rik	chr10	80172944	80175146	ENSMUSG00 000035595	-2.0136487	-1.0098121
Cntln	chr4	84884309	85131921	ENSMUSG00 000038070	-2.0120928	-1.0086968
Kcng	chr14	61607482	61611916	ENSMUSG00 000046168	-2.0118535	-1.0085253
Tspyl2	chrX	152336852	152342425	ENSMUSG00 000041096	-2.0117517	-1.0084522
Tpr	chr1	150392838	150449935	ENSMUSG00 000006005	-2.011366	-1.0081756
Tmx4	chr2	134594185	134644145	ENSMUSG00 000034723	-2.0110176	-1.0079257
Tmem229a	chr6	24951141	24956125	ENSMUSG00 000048022	-2.0099196	-1.0071378
Bag2	chr1	33745484	33757794	ENSMUSG00 000042215	-2.009714	-1.0069902
Rab11fip2	chr19	59902884	59943654	ENSMUSG00 000040022	-2.0088632	-1.0063794
AY074887	chr9	54950266	54950954	ENSMUSG00 000044820	-2.0084772	-1.0061021
Csf1	chr3	107741048	107760469	ENSMUSG00 000014599	-2.0080254	-1.0057776
Spatc1	chr15	76268089	76292572	ENSMUSG00 000049653	-2.0069206	-1.0049835
Casp4	chr9	5308828	5336783	ENSMUSG00 000033538	-2.0049856	-1.0035919
Prkch	chr12	73584797	73778185	ENSMUSG00	-2.0045698	-1.0032926

				000021108		
Dis3	chr14	99076634	99099770	ENSMUSG00 000033166	-2.0033774	-1.0024343
Arid5a	chr1	36307733	36324029	ENSMUSG00 000037447	-2.0032508	-1.002343
B130006D01Rik	chr11	95723587	95726710	ENSMUSG00 000075596	-2.0030065	-1.0021671
Tm4sf19	chr16	32400506	32408227	ENSMUSG00 000079625	-2.0015752	-1.0011358
Gm13157	chr4	147753974	147809788	ENSMUSG00 000078495	-2.0012002	-1.0008655
Slc26a9	chr1	131744022	131771504	ENSMUSG00 000042268	2.0033305	1.0024004
Prr15l	chr11	96928104	96937830	ENSMUSG00 000047040	2.0034976	1.0025208
Ttc32	chr12	9029997	9036394	ENSMUSG00 000066637	2.0035195	1.0025367
Rab5b	chr10	128677193	128696268	ENSMUSG00 000000711	2.003849	1.0027738
Ndufb4	chr16	37647170	37654453	ENSMUSG00 000022820	2.0045412	1.003272
Il17d	chr14	57524829	57543165	ENSMUSG00 000050222	2.0056283	1.0040543
Vsig2	chr9	37539255	37544205	ENSMUSG00 000001943	2.0058694	1.0042276
Car5b	chrX	163976822	164027997	ENSMUSG00 000031373	2.006197	1.0044632
Med30	chr15	52712445	52730431	ENSMUSG00 000038622	2.0066803	1.0048108
Mfsd6l	chr11	68556186	68558244	ENSMUSG00 000048329	2.0067923	1.0048913
Foxq1	chr13	31558170	31560970	ENSMUSG00 000038415	2.0081227	1.0058475
Car6	chr4	150187015	150201332	ENSMUSG00 000028972	2.0082858	1.0059646
Batf2	chr19	6140983	6172476	ENSMUSG00 000039699	2.0091875	1.0066122
Slc39a3	chr10	81028538	81037426	ENSMUSG00 000046822	2.0094051	1.0067685
Pgcp	chr15	33083129	33594552	ENSMUSG00 000039007	2.010199	1.0073384
Mrps36	chr13	100735955	100744659	ENSMUSG00 000061474	2.0107467	1.0077314
Mina	chr16	59471775	59492461	ENSMUSG00 000022724	2.0114548	1.0082393
Astn2	chr4	65380803	66404611	ENSMUSG00 000028373	2.0116014	1.0083445
Best3	chr10	116986314	117025040	ENSMUSG00 000020169	2.0119894	1.0086226
Higd2a	chr13	54590207	54591158	ENSMUSG00 000025868	2.0120745	1.0086837
Arhgef19	chr4	141239575	141257564	ENSMUSG00 000028919	2.0131807	1.0094768
Grwd1	chr7	45825227	45830944	ENSMUSG00 000053801	2.0135837	1.0097654
Gabarapl2	chr8	111940703	111953612	ENSMUSG00 000031950	2.0143023	1.0102801
Gm8186	chr17	26098872	26099257	ENSMUSG00 000049124	2.0156846	1.0112699

1110001A16Rik	chr17	78916499	78921037	ENSMUSG00 000062691	2.0160017	1.0114968
Cecr5	chr6	120509494	120531319	ENSMUSG00 000058979	2.016293	1.0117054
Ndrp2	chr14	51905271	51913488	ENSMUSG00 000004558	2.0163357	1.0117359
Ptch1	chr13	63511533	63565520	ENSMUSG00 000021466	2.016942	1.0121696
Lass3	chr7	66743504	66823693	ENSMUSG00 000030510	2.017075	1.0122648
Uqcrq	chr11	53427922	53430831	ENSMUSG00 000044894	2.0171983	1.012353
Zc4h2	chrX	95639193	95658509	ENSMUSG00 000035062	2.0174072	1.0125023
Grip1	chr10	119454034	120087261	ENSMUSG00 000034813	2.0187335	1.0134505
1810027010Rik	chr11	69838514	69839618	ENSMUSG00 000070394	2.0193236	1.0138721
Rab30	chr7	92741603	92837117	ENSMUSG00 000030643	2.0193667	1.0139029
Dnajb5	chr4	42949814	42959425	ENSMUSG00 000036052	2.0201652	1.0144732
Fam110c	chr12	31073968	31079937	ENSMUSG00 000036136	2.020571	1.0147631
Apol7c	chr15	77524867	77533315	ENSMUSG00 000044309	2.021722	1.0155847
Mlxipl	chr5	135106891	135138382	ENSMUSG00 000005373	2.022896	1.0164222
Trmt5	chr12	73280410	73286711	ENSMUSG00 000034442	2.0232325	1.0166621
Gm9790	chr3	85915722	85916163	ENSMUSG00 000044330	2.0234535	1.0168197
Mmp15	chr8	95352268	95374293	ENSMUSG00 000031790	2.0244217	1.0175098
Setd4	chr16	93583457	93604063	ENSMUSG00 000022948	2.0253649	1.0181818
Trappc4	chr9	44403761	44407548	ENSMUSG00 000032112	2.0255497	1.0183134
Rfk	chr19	17394043	17401349	ENSMUSG00 000024712	2.0261776	1.0187607
Ccdc107	chr4	43492900	43495921	ENSMUSG00 000028461	2.0265155	1.0190012
Echs1	chr7	140105710	140116476	ENSMUSG00 000025465	2.026679	1.0191176
Uqcr10	chr11	4701973	4704342	ENSMUSG00 000059534	2.027882	1.0199738
9830001H06Rik	chr2	157015799	157079254	ENSMUSG00 000055485	2.02902	1.0207832
Capn8	chr1	182565007	182632352	ENSMUSG00 000038599	2.0297925	1.0213323
Brdt	chr5	107331159	107387058	ENSMUSG00 000029279	2.0303779	1.0217482
Bri3	chr5	144244437	144446757	ENSMUSG00 000047843	2.031052	1.0222273
Hist1h4h	chr13	23531044	23531519	ENSMUSG00 000060981	2.0334432	1.0239247
Mpc2	chr1	165461037	165481214	ENSMUSG00 000026568	2.0339727	1.0243003
Coro2b	chr9	62419492	62537044	ENSMUSG00	2.0340784	1.0243752

				000041729		
Cxcl17	chr7	25400053	25412886	ENSMUSG00 000060188	2.0363812	1.0260077
A4galt	chr15	83226726	83251774	ENSMUSG00 000047878	2.0373461	1.0266911
Tex12	chr9	50557148	50561268	ENSMUSG00 000032065	2.038733	1.0276729
St5	chr7	109523911	109617147	ENSMUSG00 000031024	2.0406806	1.0290504
Ttc38	chr15	85832306	85858822	ENSMUSG00 000035944	2.0412061	1.0294218
Tacc2	chr7	130577484	130764784	ENSMUSG00 000030852	2.0418198	1.0298555
Abca8a	chr11	110025634	110095978	ENSMUSG00 000041828	2.043198	1.0308291
Cdc42ep1	chr15	78842647	78850902	ENSMUSG00 000049521	2.0443807	1.0316639
Commd6	chr14	101633766	101640686	ENSMUSG00 000075486	2.0449188	1.0320435
Spint2	chr7	29256331	29281977	ENSMUSG00 000074227	2.04735	1.0337577
Nmnat1	chr4	149467572	149485202	ENSMUSG00 000028992	2.0474539	1.033831
Immp1l	chr2	105904638	105965558	ENSMUSG00 000042670	2.0478663	1.0341215
Ppif	chr14	25694154	25700468	ENSMUSG00 000021868	2.0480206	1.0342302
A4gnt	chr9	99612502	99622367	ENSMUSG00 000037953	2.0488534	1.0348167
Abcb1b	chr5	8798147	8866314	ENSMUSG00 000028970	2.049092	1.0349848
Gstm5	chr3	107895821	107898686	ENSMUSG00 000004032	2.0493395	1.0351591
Mrpl39	chr16	84717576	84735742	ENSMUSG00 000022889	2.0501025	1.035696
Vsig8	chr1	172555938	172563717	ENSMUSG00 000049598	2.0509741	1.0363094
Jagn1	chr6	113442569	113448229	ENSMUSG00 000051256	2.0520787	1.037086
Fam129c	chr8	71597648	71607936	ENSMUSG00 000043243	2.0522442	1.0372024
Marveld1	chr19	42147400	42151695	ENSMUSG00 000044345	2.0523412	1.0372705
4833439L19Rik	chr13	54551218	54565435	ENSMUSG00 000025871	2.0524523	1.0373487
Plxna4	chr6	32145926	32588192	ENSMUSG00 000029765	2.0534115	1.0380228
1110032A03Rik	chr9	50762828	50775520	ENSMUSG00 000037971	2.0540416	1.0384655
Cited4	chr4	120666563	120667820	ENSMUSG00 000070803	2.05461	1.0388646
Esrrb	chr12	86361117	86521628	ENSMUSG00 000021255	2.0556273	1.0395787
Ndufb7	chr8	83566671	83571626	ENSMUSG00 000033938	2.055916	1.0397813
Ndnf	chr6	65671590	65706930	ENSMUSG00 000049001	2.056216	1.0399919
Phldb3	chr7	24611328	24629288	ENSMUSG00 000074277	2.0565023	1.0401927

Ppap2c	chr10	79526430	79533787	ENSMUSG00 000052151	2.056878	1.0404563
Aebp1	chr11	5861947	5872088	ENSMUSG00 000020473	2.057482	1.0408798
Mamdc4	chr2	25563115	25574845	ENSMUSG00 000026941	2.0575533	1.0409298
2610528J11Rik	chr4	118526999	118530228	ENSMUSG00 000028536	2.0590506	1.0419793
Pfdn4	chr2	170496428	170519123	ENSMUSG00 000052033	2.060266	1.0428307
5730528L13Rik	chr4	48539935	48561919	ENSMUSG00 000039693	2.061034	1.0433682
1110001J03Rik	chr6	38533502	38539449	ENSMUSG00 000019689	2.0627456	1.0445659
Smcr7	chr11	60728398	60732951	ENSMUSG00 000018599	2.062788	1.0445956
Adhfe1	chr1	9547948	9577970	ENSMUSG00 000025911	2.063255	1.0449222
Sptssb	chr3	69819538	69859896	ENSMUSG00 000043461	2.0637553	1.0452719
Srek1ip1	chr13	104792484	104839274	ENSMUSG00 000021716	2.0639722	1.0454235
Nenf	chr1	191306789	191318194	ENSMUSG00 000037499	2.065138	1.0462382
Pcbd2	chr13	55727368	55776830	ENSMUSG00 000021496	2.0656059	1.046565
Scn1b	chr7	31116525	31126945	ENSMUSG00 000019194	2.06565	1.0465958
Trip10	chr17	57249451	57263697	ENSMUSG00 000019487	2.066039	1.0468676
Slc5a5	chr8	70882889	70892757	ENSMUSG00 000000792	2.067087	1.0475991
Tmem60	chr5	20882191	20886870	ENSMUSG00 000045435	2.0676148	1.0479674
Wdr72	chr9	74110356	74283308	ENSMUSG00 000044976	2.0676427	1.0479869
Decr2	chr17	26081211	26090329	ENSMUSG00 000036775	2.0699465	1.0495934
Phgr1	chr2	118772769	118778165	ENSMUSG00 000046804	2.070405	1.049913
Muc4	chr16	32735886	32782391	ENSMUSG00 000079620	2.0704846	1.0499685
Zfp329	chr7	12804977	12818858	ENSMUSG00 000057894	2.0711157	1.0504081
Zfp791	chr8	85109647	85119637	ENSMUSG00 000074194	2.0726645	1.0514866
Tomm5	chr4	45105208	45108114	ENSMUSG00 000078713	2.0730898	1.0517826
Uqcrfs1	chr13	30540308	30545362	ENSMUSG00 000038462	2.0730953	1.0517864
Mien1	chr11	98437708	98438991	ENSMUSG00 000002580	2.0733879	1.05199
Gm10135	chr5	72965808	72974702	ENSMUSG00 000063656	2.073881	1.0523331
Pskh1	chr8	105900441	105931778	ENSMUSG00 000048310	2.0738816	1.0523336
Cbr1	chr16	93607837	93610505	ENSMUSG00 000051483	2.0740795	1.0524712
Mblac1	chr5	138194314	138195621	ENSMUSG00	2.0741112	1.0524932

				000049285		
Ndufa11	chr17	56717762	56724248	ENSMUSG00 000002379	2.0742881	1.0526164
Abhd14b	chr9	106448640	106452915	ENSMUSG00 000042073	2.0743532	1.0526617
Ldhb	chr6	142490249	142507957	ENSMUSG00 000030246	2.074458	1.0527344
Cox6b1	chr7	30616974	30626151	ENSMUSG00 000036751	2.0745258	1.0527816
Ces2g	chr8	104961718	104969537	ENSMUSG00 000031877	2.0753822	1.0533772
Trmu	chr15	85879312	85897394	ENSMUSG00 000022386	2.0756438	1.053559
Cdkn2c	chr4	109660876	109667189	ENSMUSG00 000028551	2.0767925	1.054357
Magi2	chr5	19227046	20704798	ENSMUSG00 000040003	2.0769536	1.054469
Phb	chr11	95666957	95680773	ENSMUSG00 000038845	2.0773554	1.054748
Usp20	chr2	30982279	31023586	ENSMUSG00 000026854	2.0773652	1.0547549
Cd300e	chr11	115051917	115062177	ENSMUSG00 000048498	2.078167	1.0553116
Acy3	chr19	3986661	3990007	ENSMUSG00 000024866	2.0783422	1.0554333
S1pr5	chr9	21242912	21248443	ENSMUSG00 000045087	2.080222	1.0567374
Gna11	chr10	81528724	81545190	ENSMUSG00 000034781	2.0803006	1.056792
Adm	chr7	110627669	110629819	ENSMUSG00 000030790	2.080871	1.0571876
2300009A05Rik	chr9	63394447	63399244	ENSMUSG00 000032403	2.0809693	1.0572557
Tmem63b	chr17	45660171	45686905	ENSMUSG00 000036026	2.081056	1.0573158
Lgals12	chr19	7596660	7607193	ENSMUSG00 000024972	2.0824924	1.0583112
Smarcd3	chr5	24590818	24602012	ENSMUSG00 000028949	2.083278	1.0588553
Ccdc122	chr14	77036772	77112257	ENSMUSG00 000034795	2.0843816	1.0596194
Cnn3	chr3	121426541	121458205	ENSMUSG00 000053931	2.0853705	1.0603037
Wdr73	chr7	80890723	80901269	ENSMUSG00 000025722	2.0861223	1.0608237
Cd27	chr6	125232622	125237010	ENSMUSG00 000030336	2.087267	1.0616151
Pdzd7	chr19	45026906	45046614	ENSMUSG00 000074818	2.0878267	1.0620021
Capn13	chr17	73306464	73399296	ENSMUSG00 000043705	2.0890088	1.0628185
Fuk	chr8	110882463	110902459	ENSMUSG00 000033703	2.090814	1.0640647
2510002D24Rik	chr16	18836578	18840158	ENSMUSG00 000071632	2.0918765	1.0647976
Unc119b	chr5	115122550	115134975	ENSMUSG00 000046562	2.0934174	1.06586
Ift172	chr5	31253280	31291114	ENSMUSG00 000038564	2.0958524	1.0675371

Fabp2	chr3	122895072	122899506	ENSMUSG00 000023057	2.096065	1.0676835
Tysnd1	chr10	61695514	61702773	ENSMUSG00 000020087	2.0974898	1.0686638
Mki67ip	chr1	118321839	118333822	ENSMUSG00 000026377	2.097557	1.0687101
Ms4a7	chr19	11321039	11336146	ENSMUSG00 000024672	2.0986733	1.0694776
Dnaaf1	chr8	119575235	119598454	ENSMUSG00 000031831	2.1003854	1.0706542
Mpg	chr11	32226505	32232700	ENSMUSG00 000020287	2.1011586	1.0711851
Bnip1	chr17	26781079	26792565	ENSMUSG00 000024191	2.1023278	1.0719876
Creb3	chr4	43562332	43567060	ENSMUSG00 000028466	2.1023588	1.0720088
Aldob	chr4	49535995	49549546	ENSMUSG00 000028307	2.1035032	1.072794
Hcfc1r1	chr17	23673596	23675227	ENSMUSG00 000023904	2.1035943	1.0728564
Gm10197	chr19	53371566	53371766	ENSMUSG00 000067085	2.1039245	1.0730829
Mrpl51	chr6	125191801	125195583	ENSMUSG00 000030335	2.1040936	1.0731988
Timp3	chr10	86300372	86349506	ENSMUSG00 000020044	2.1048517	1.0737187
Aldh6a1	chr12	84430723	84450950	ENSMUSG00 000021238	2.1054165	1.0741057
Gm16253	chr3	96576984	96580663	ENSMUSG00 000087610	2.1071	1.0752589
Mbl1	chr14	41151456	41158959	ENSMUSG00 000037780	2.1088915	1.0764849
Hist2h2be	chr3	96221121	96223738	ENSMUSG00 000068854	2.1107569	1.0777605
Lrrc29	chr8	105312341	105326276	ENSMUSG00 000041679	2.1121142	1.0786879
Zfp939	chr7	39449518	39474335	ENSMUSG00 000030424	2.1121254	1.0786954
Aldh4a1	chr4	139622866	139649690	ENSMUSG00 000028737	2.1148763	1.0805733
1110007C09Rik	chr13	49202951	49216026	ENSMUSG00 000037960	2.1151514	1.080761
Sparc	chr11	55394500	55420080	ENSMUSG00 000018593	2.1152122	1.0808024
Lnx1	chr5	74592446	74702911	ENSMUSG00 000029228	2.116567	1.0817261
Nop10	chr2	112261926	112263269	ENSMUSG00 000027133	2.116776	1.0818686
P4ha2	chr11	54100095	54131665	ENSMUSG00 000018906	2.1181393	1.0827974
Rxrb	chr17	34031812	34038393	ENSMUSG00 000039656	2.1182334	1.0828617
Noxa1	chr2	25085667	25095149	ENSMUSG00 000036805	2.118619	1.0831242
Apoa1bp	chr3	88056523	88058495	ENSMUSG00 000028070	2.1195323	1.083746
Gkn2	chr6	87373365	87379494	ENSMUSG00 000030049	2.1211653	1.084857
Mansc1	chr6	134609210	134632488	ENSMUSG00	2.1213202	1.0849624

				000032718		
Acot13	chr13	24817948	24831517	ENSMUSG00 000006717	2.1219878	1.0854163
Ccdc24	chr4	117866524	117872557	ENSMUSG00 000078588	2.1223311	1.0856497
Frem2	chr3	53513939	53657355	ENSMUSG00 000037016	2.1228132	1.0859774
Nt5c	chr11	115490420	115491862	ENSMUSG00 000020736	2.1247368	1.0872841
Tmem170	chr8	111864898	111876675	ENSMUSG00 000031953	2.1258368	1.0880308
Gng13	chr17	25717171	25719406	ENSMUSG00 000025739	2.1265287	1.0885004
Gkn1	chr6	87345653	87350915	ENSMUSG00 000030050	2.1279962	1.0894957
Wnt4	chr4	137277489	137299726	ENSMUSG00 000036856	2.1283615	1.0897433
Gstt3	chr10	75774115	75781414	ENSMUSG00 000001665	2.1297421	1.0906787
Fam96b	chr8	104639839	104641965	ENSMUSG00 000031879	2.1303496	1.0910902
Ptpla	chr2	13975563	14056135	ENSMUSG00 000063275	2.133688	1.0933492
Cxcl14	chr13	56288647	56296551	ENSMUSG00 000021508	2.1345916	1.09396
Zfp708	chr13	67069400	67097976	ENSMUSG00 000058883	2.1346986	1.0940324
Uqcr11	chr10	80402997	80406830	ENSMUSG00 000020163	2.1348255	1.0941181
Tsku	chr7	98350668	98361328	ENSMUSG00 000049580	2.135456	1.0945442
Dnajb2	chr1	75236465	75244804	ENSMUSG00 000026203	2.1382117	1.0964048
Tbcc	chr17	46890621	46892463	ENSMUSG00 000036430	2.1391256	1.0970212
Duox2	chr2	122279247	122298165	ENSMUSG00 000068452	2.139948	1.0975757
Gm4953	chr1	159168157	159168642	ENSMUSG00 000061992	2.1431022	1.0997006
Aplp1	chr7	30434981	30445582	ENSMUSG00 000006651	2.1451814	1.1010997
1700030K09Rik	chr8	72443880	72461001	ENSMUSG00 000052794	2.146299	1.101851
2310039H08Rik	chr17	46772635	46773407	ENSMUSG00 000062619	2.146634	1.1020763
Mamld1	chrX	71050256	71156056	ENSMUSG00 000059401	2.1474028	1.1025928
Tst	chr15	78399556	78405859	ENSMUSG00 000044986	2.147533	1.1026802
Wtip	chr7	34109543	34133268	ENSMUSG00 000036459	2.1479204	1.1029404
Bin1	chr18	32377217	32435736	ENSMUSG00 000024381	2.1481452	1.1030915
Slc2a12	chr10	22645011	22704285	ENSMUSG00 000037490	2.1496506	1.1041021
Nipal1	chr5	72647796	72671078	ENSMUSG00 000067219	2.1498005	1.1042029
Krt78	chr15	101946004	101954287	ENSMUSG00 000050463	2.1510386	1.1050335

Ngfrap1	chrX	136270253	136271978	ENSMUSG00 000046432	2.152266	1.1058564
Rpusd3	chr6	113415319	113419348	ENSMUSG00 000051169	2.1525145	1.106023
Stxbp1	chr2	32787602	32847239	ENSMUSG00 000026797	2.1540673	1.1070633
Hint3	chr10	30608141	30618479	ENSMUSG00 000019791	2.1558657	1.1082673
Esrrg	chr1	187608791	188214885	ENSMUSG00 000026610	2.157046	1.109057
Gpx2	chr12	76792335	76795554	ENSMUSG00 000042808	2.1576743	1.109477
Kdelc1	chr1	44091463	44118808	ENSMUSG00 000026047	2.1580722	1.1097431
Hrsp12	chr15	34484021	34495255	ENSMUSG00 000022323	2.1580937	1.1097575
Ndufa6	chr15	82350139	82354291	ENSMUSG00 000022450	2.1583526	1.1099305
Hadh	chr3	131233419	131272101	ENSMUSG00 000027984	2.1595473	1.110729
Mogat1	chr1	78510991	78538173	ENSMUSG00 000012187	2.1603851	1.1112885
St6gal2	chr17	55445382	55514581	ENSMUSG00 000024172	2.161429	1.1119854
Hsd17b13	chr5	103955440	103977410	ENSMUSG00 000034528	2.1627119	1.1128415
Snap47	chr11	59407134	59451186	ENSMUSG00 000009894	2.1634536	1.1133361
Serpinh1	chr7	99345375	99353230	ENSMUSG00 000070436	2.163972	1.1136818
AC242409.1	chr14	19415857	19418930	ENSMUSG00 000095280	2.1670392	1.1157253
Asb1	chr1	91540565	91559590	ENSMUSG00 000026311	2.167182	1.1158203
Tm4sf5	chr11	70505244	70511178	ENSMUSG00 000018919	2.170844	1.1182561
Mrpl34	chr8	71464926	71465752	ENSMUSG00 000034880	2.1714675	1.1186705
Ctns	chr11	73183596	73199042	ENSMUSG00 000005949	2.1734107	1.1199608
Ptprr	chr10	116018213	116274932	ENSMUSG00 000020151	2.1750176	1.1210271
Ly6g6c	chr17	35065388	35070050	ENSMUSG00 000092586	2.1771984	1.1224729
Pard6a	chr8	105701154	105703493	ENSMUSG00 000005699	2.177349	1.1225727
Triap1	chr5	115341225	115343569	ENSMUSG00 000029535	2.1781638	1.1231124
Cyb561	chr11	105933702	105953336	ENSMUSG00 000019590	2.178586	1.1233921
COX17	chr16	38347040	38362297	ENSMUSG00 000095464	2.1786423	1.1234293
Dus2l	chr8	105991337	106053840	ENSMUSG00 000031901	2.1823857	1.1259061
Fam195b	chr11	120542888	120549727	ENSMUSG00 000061111	2.1837046	1.1267776
Omp	chr7	98143360	98145502	ENSMUSG00 000074006	2.1840534	1.1270081
Zfhx2	chr14	55060262	55092324	ENSMUSG00	2.1841116	1.1270466

				000040721		
Neurl1b	chr17	26414965	26446338	ENSMUSG00 000034413	2.185387	1.1278887
2410015M20Rik	chr17	56607452	56609771	ENSMUSG00 000049760	2.1871479	1.1290507
Chga	chr12	102554969	102565027	ENSMUSG00 000021194	2.1932092	1.1330434
Pla2g4f	chr2	120299957	120314165	ENSMUSG00 000046971	2.1932154	1.1330475
H2-Ob	chr17	34238903	34245907	ENSMUSG00 000041538	2.194581	1.1339455
Neurl2	chr2	164830732	164833456	ENSMUSG00 000039873	2.1951401	1.134313
Gdpd1	chr11	87033867	87074062	ENSMUSG00 000061666	2.1954257	1.1345007
Prkar1b	chr5	139017306	139150001	ENSMUSG00 000025855	2.195668	1.1346599
Gm498	chr7	143866871	143897506	ENSMUSG00 000031085	2.1966214	1.1352862
Tph1	chr7	46647130	46672537	ENSMUSG00 000040046	2.1971328	1.1356221
Amotl1	chr9	14541966	14615483	ENSMUSG00 000013076	2.2009194	1.1381063
Grcc10	chr6	124739183	124741374	ENSMUSG00 000072772	2.202917	1.1394153
4930503L19Rik	chr18	70453140	70472480	ENSMUSG00 000044906	2.2030115	1.139477
Snrpd3	chr10	75518042	75535440	ENSMUSG00 000020180	2.2030199	1.1394825
Ankra2	chr13	98263158	98274750	ENSMUSG00 000021661	2.204172	1.1402367
Acacb	chr5	114146535	114250761	ENSMUSG00 000042010	2.2042413	1.1402822
BC001981	chr13	100108035	100108337	ENSMUSG00 000097022	2.2049627	1.1407542
Epn2	chr11	61517249	61579687	ENSMUSG00 000001036	2.2057586	1.1412749
Pex7	chr10	19859929	19907689	ENSMUSG00 000020003	2.207414	1.1423571
Nicn1	chr9	108290448	108296498	ENSMUSG00 000032606	2.208492	1.1430616
Kazn	chr4	142102390	142239401	ENSMUSG00 000040606	2.2090724	1.1434406
Epor	chr9	21958899	21963576	ENSMUSG00 000006235	2.2114186	1.1449721
Gpr31b	chr17	13051321	13052280	ENSMUSG00 000071311	2.2143164	1.1468613
Mex3d	chr10	80380355	80387659	ENSMUSG00 000048696	2.2148724	1.1472236
Sox12	chr2	152393611	152398046	ENSMUSG00 000051817	2.2187138	1.1497235
Matn2	chr15	34306680	34436242	ENSMUSG00 000022324	2.2191236	1.14999
Lime1	chr2	181380078	181383628	ENSMUSG00 000090077	2.2195494	1.1502669
Nrbp2	chr15	76085595	76090013	ENSMUSG00 000075590	2.219953	1.1505291
Slc46a1	chr11	78465697	78472059	ENSMUSG00 000020829	2.2203658	1.1507974

Tpmt	chr13	47025170	47044737	ENSMUSG00 000021376	2.222377	1.1521037
Tmem246	chr4	49584506	49597876	ENSMUSG00 000039611	2.2265012	1.1547785
Pigh	chr12	79080673	79089670	ENSMUSG00 000021120	2.2302284	1.1571915
Tuft1	chr3	94612757	94658872	ENSMUSG00 000005968	2.230925	1.1576421
Rfxank	chr8	70130812	70139197	ENSMUSG00 000036120	2.2315586	1.1580517
Isg15	chr4	156199424	156200818	ENSMUSG00 000035692	2.2320015	1.1583381
Rabl2	chr15	89582533	89591923	ENSMUSG00 000022621	2.2334595	1.1592801
Fcrl1	chr3	87376387	87392133	ENSMUSG00 000059994	2.233503	1.1593083
Cd209d	chr8	3871827	3878555	ENSMUSG00 000031495	2.2340243	1.1596448
Hnf4g	chr3	3508030	3659775	ENSMUSG00 000017688	2.2355556	1.1606334
Dbn1	chr13	55473429	55488111	ENSMUSG00 000034675	2.2365148	1.1612524
B3galnt1	chr3	69574186	69598861	ENSMUSG00 000043300	2.2374487	1.1618546
Gata2	chr6	88193891	88207030	ENSMUSG00 000015053	2.2374866	1.1618791
Psca	chr15	74714839	74717063	ENSMUSG00 000022598	2.2384548	1.1625032
B930041F14Rik	chr4	155694342	155696481	ENSMUSG00 000074738	2.2391598	1.1629575
Akr1e1	chr13	4590757	4609174	ENSMUSG00 000045410	2.246202	1.1674876
Abi3bp	chr16	56477846	56690128	ENSMUSG00 000035258	2.2480223	1.1686563
Trim47	chr11	116105752	116127210	ENSMUSG00 000020773	2.2499075	1.1698657
5830454E08Rik	chr9	120577346	120578072	ENSMUSG00 000052658	2.2523038	1.1714015
Gstm2	chr3	107981702	107986453	ENSMUSG00 000040562	2.2547596	1.1729736
Nat6	chr9	107578887	107584048	ENSMUSG00 000079334	2.2570188	1.1744184
Wrb	chr16	96145407	96157852	ENSMUSG00 000023147	2.2591813	1.1758001
Actr6	chr10	89711973	89732295	ENSMUSG00 000019948	2.2593353	1.1758983
Rgs6	chr12	82616925	83133744	ENSMUSG00 000021219	2.2596211	1.176081
Bmp2	chr2	133552159	133562885	ENSMUSG00 000027358	2.2603106	1.1765211
Rpl36-ps3	chr12	12911986	12912369	ENSMUSG00 000066629	2.2622569	1.1777627
Fahd2a	chr2	127436215	127444565	ENSMUSG00 000027371	2.262316	1.1778004
Gdpd5	chr7	99381549	99460983	ENSMUSG00 000035314	2.263746	1.1787121
Fstl1	chr16	37776873	37836514	ENSMUSG00 000022816	2.2638214	1.17876
Hpn	chr7	31098725	31115290	ENSMUSG00	2.265005	1.1795143

				000001249		
Bmp6	chr13	38345716	38499728	ENSMUSG00 000039004	2.2660344	1.1801697
Rftn2	chr1	55170159	55226782	ENSMUSG00 000025978	2.2664137	1.1804112
Cd320	chr17	33843091	33849774	ENSMUSG00 000002308	2.2669766	1.1807696
1810063B05Rik	chr8	126422501	126425434	ENSMUSG00 000051671	2.267431	1.1810586
Zfp827	chr8	79028437	79193766	ENSMUSG00 000071064	2.2692347	1.1822058
Slc26a10	chr10	127172426	127180645	ENSMUSG00 000040441	2.26963	1.1824571
Fads2	chr19	10064164	10101503	ENSMUSG00 000024665	2.2713988	1.183581
Asb13	chr13	3634032	3651774	ENSMUSG00 000033781	2.2733052	1.1847913
Kcnj2	chr11	111066164	111076821	ENSMUSG00 000041695	2.2733457	1.1848171
Klhl13	chrX	23219271	23365082	ENSMUSG00 000036782	2.274062	1.1852715
Akap12	chr10	4266329	4359468	ENSMUSG00 000038587	2.2748387	1.1857643
Gm17546	chr15	95824459	95830072	ENSMUSG00 000078648	2.275173	1.1859761
Ndufaf3	chr9	108565866	108567342	ENSMUSG00 000070283	2.277828	1.1876588
Tmem39b	chr4	129676355	129696838	ENSMUSG00 000053730	2.2804203	1.1892998
2810006K23Rik	chr5	124328089	124341844	ENSMUSG00 000047635	2.2819269	1.1902525
CR555305.1	chr19	61296902	61297069	ENSMUSG00 000095993	2.282639	1.1907028
Tmem223	chr19	8770996	8772475	ENSMUSG00 000075043	2.2837744	1.1914201
BC022687	chr12	112808975	112816245	ENSMUSG00 000037594	2.284746	1.1920338
Gm10767	chr13	66904914	66909236	ENSMUSG00 000074826	2.284898	1.1921297
Rsad1	chr11	94539798	94549255	ENSMUSG00 000039096	2.284918	1.1921425
CT033750.1	chr17	15566161	15566421	ENSMUSG00 000095920	2.2850106	1.1922008
Clip3	chr7	30291672	30308367	ENSMUSG00 000013921	2.2855518	1.1925424
0610009B22Rik	chr11	51685386	51688874	ENSMUSG00 000007777	2.2856371	1.1925964
Slc10a5	chr3	10331734	10335656	ENSMUSG00 000058921	2.2861974	1.19295
Wdr6	chr9	108572313	108578670	ENSMUSG00 000066357	2.287337	1.193669
2410066E13Rik	chr6	54681772	54700406	ENSMUSG00 000038065	2.2888734	1.1946377
Cyp2s1	chr7	25802475	25816913	ENSMUSG00 000040703	2.290493	1.1956582
Slc3a1	chr17	85028347	85064243	ENSMUSG00 000024131	2.2905636	1.1957026
Itgb1bp1	chr12	21240825	21286237	ENSMUSG00 000062352	2.2909243	1.1959298

Chchd10	chr10	75935573	75937725	ENSMUSG00 000049422	2.2913797	1.1962166
Fam83e	chr7	45721212	45729492	ENSMUSG00 000054161	2.293703	1.1976787
Wnk4	chr11	101260567	101277409	ENSMUSG00 000035112	2.2941802	1.1979787
Pdgfb	chr15	79995900	80014808	ENSMUSG00 000000489	2.2945268	1.1981966
Rpusd2	chr2	119034790	119039769	ENSMUSG00 000027324	2.297884	1.2003059
Cntnap5b	chr1	99772765	100485942	ENSMUSG00 000067028	2.2994142	1.2012664
1810013D10Rik	chr5	53267106	53283510	ENSMUSG00 000061461	2.2995794	1.20137
Pnkd	chr1	74284930	74353694	ENSMUSG00 000026179	2.303162	1.2036159
Cyb5d1	chr11	69391925	69395631	ENSMUSG00 000044795	2.3033419	1.2037286
C1qa	chr4	136895917	136898803	ENSMUSG00 000036887	2.3047624	1.204618
Akap2	chr4	57717657	57896984	ENSMUSG00 000038729	2.3059216	1.2053434
Trappc6a	chr7	19508670	19516145	ENSMUSG00 000002043	2.3064046	1.2056456
Fdx1l	chr9	21067520	21073514	ENSMUSG00 000079677	2.3065007	1.2057056
Stbd1	chr5	92603051	92606579	ENSMUSG00 000047963	2.3065386	1.2057294
Gpt	chr15	76696764	76699674	ENSMUSG00 000022546	2.308147	1.2067351
Irf2bp1	chr7	19004065	19006761	ENSMUSG00 000044030	2.3098671	1.2078098
Alkbh2	chr5	114123926	114128218	ENSMUSG00 000044339	2.310003	1.2078948
Copz2	chr11	96849870	96861203	ENSMUSG00 000018672	2.3112113	1.2086492
Pdk4	chr6	5483351	5496309	ENSMUSG00 000019577	2.311538	1.2088531
Clmn	chr12	104763114	104865076	ENSMUSG00 000021097	2.311857	1.2090522
Ddx28	chr8	106009616	106011486	ENSMUSG00 000045538	2.3123906	1.2093852
Foxa3	chr7	19013282	19023538	ENSMUSG00 000040891	2.3128119	1.2096479
Ift43	chr12	86082561	86162458	ENSMUSG00 000007867	2.3157325	1.2114686
Ttll10	chr4	156034840	156059344	ENSMUSG00 000029074	2.3172615	1.2124208
Slc25a23	chr17	57043711	57059863	ENSMUSG00 000046329	2.3177412	1.2127194
Hist1h3d	chr13	23575763	23577011	ENSMUSG00 000062808	2.3179543	1.2128521
Pcbp3	chr10	76761857	76961887	ENSMUSG00 000001120	2.3199635	1.2141021
Lamtor2	chr3	88549819	88553074	ENSMUSG00 000028062	2.3260877	1.2179055
Camk2n1	chr4	138454314	138460123	ENSMUSG00 000046447	2.3286738	1.2195086
Espl1	chr15	102296293	102324356	ENSMUSG00	2.3304317	1.2205973

				000058290		
1110012L19Rik	chrX	70385877	70389417	ENSMUSG00 000045237	2.3340957	1.2228637
Gm7866	chr9	72174579	72174959	ENSMUSG00 000061390	2.3344676	1.2230936
Slc25a42	chr8	70184340	70212305	ENSMUSG00 000002346	2.3351617	1.2235224
Tmem147	chr7	30727701	30729534	ENSMUSG00 000006315	2.3360984	1.2241011
Zfp553	chr7	127233061	127238179	ENSMUSG00 000045598	2.336729	1.2244905
2900010M23Rik	chr17	27122663	27133916	ENSMUSG00 000024208	2.3391187	1.225965
Prickle3	chrX	7657260	7668186	ENSMUSG00 000031145	2.3394678	1.2261803
Enox1	chr14	77156763	77721760	ENSMUSG00 000022012	2.3411162	1.2271966
Gm20459	chr4	57568179	57896982	ENSMUSG00 000089945	2.341396	1.227369
Gm14322	chr2	177759288	177770472	ENSMUSG00 000078864	2.341825	1.2276332
Slc25a35	chr11	68968131	68974365	ENSMUSG00 000018740	2.345087	1.2296414
Pacsin3	chr2	91255954	91264679	ENSMUSG00 000027257	2.345696	1.230016
Phyhd1	chr2	30266203	30301080	ENSMUSG00 000079484	2.3461642	1.230304
Fa2h	chr8	111345135	111393824	ENSMUSG00 000033579	2.3501399	1.2327466
Nme3	chr17	24896500	24897522	ENSMUSG00 000073435	2.3507104	1.2330968
Bgn	chrX	73483602	73495933	ENSMUSG00 000031375	2.3517008	1.2337046
Syt7	chr19	10389090	10453181	ENSMUSG00 000024743	2.3520927	1.233945
2610203C22Rik	chr1	9560832	9631175	ENSMUSG00 000079671	2.352425	1.2341487
Psd	chr19	46312087	46327156	ENSMUSG00 000037126	2.3525252	1.2342101
Lgals4	chr7	28833975	28841703	ENSMUSG00 000053964	2.353375	1.2347312
Eya4	chr10	23104168	23349895	ENSMUSG00 000010461	2.3557742	1.2362013
Tepp	chr8	95310566	95326323	ENSMUSG00 000090206	2.357026	1.2369677
Abcc8	chr7	46104523	46180033	ENSMUSG00 000040136	2.3576453	1.2373466
Wfdc2	chr2	164562413	164568510	ENSMUSG00 000017723	2.357666	1.2373594
Aldh5a1	chr13	24907579	24937661	ENSMUSG00 000035936	2.3602548	1.2389426
Slc52a2	chr15	76538943	76542130	ENSMUSG00 000022560	2.3620758	1.2400553
B3gnt9-ps	chr8	105252638	105255153	ENSMUSG00 000069920	2.3638868	1.241161
Mrp63	chr14	57826239	57828745	ENSMUSG00 000021967	2.3666883	1.2428696
Plp	chr8	94674895	94696242	ENSMUSG00 000031775	2.3686159	1.2440443

Romo1	chr2	156144039	156145797	ENSMUSG00 000067847	2.3696723	1.2446876
Dohh	chr10	81384428	81391560	ENSMUSG00 000078440	2.370618	1.2452632
Dvl1	chr4	155847402	155859303	ENSMUSG00 000029071	2.3707445	1.2453401
Tmem198b	chr10	128800036	128804370	ENSMUSG00 000047090	2.3712196	1.2456293
Pou2af1	chr9	51213690	51240079	ENSMUSG00 000032053	2.3717608	1.2459586
Hsd17b14	chr7	45554893	45567752	ENSMUSG00 000030825	2.3736336	1.2470973
1810022K09Rik	chr3	14606320	14611221	ENSMUSG00 000078784	2.3739023	1.2472606
Pccb	chr9	100982032	101034898	ENSMUSG00 000032527	2.375372	1.2481534
Vldlr	chr19	27216484	27254231	ENSMUSG00 000024924	2.37574	1.248377
Bcl2l14	chr6	134396318	134438736	ENSMUSG00 000030200	2.3769937	1.2491381
Tff1	chr17	31161396	31165053	ENSMUSG00 000024032	2.377267	1.2493038
Bdh1	chr16	31422280	31458901	ENSMUSG00 000046598	2.3806412	1.2513502
Efemp1	chr11	28853204	28926743	ENSMUSG00 000020467	2.3810074	1.2515721
Pdpx	chr15	78913919	78919517	ENSMUSG00 000068221	2.3819394	1.2521367
AI316807	chr8	22462615	22476879	ENSMUSG00 000031534	2.3839467	1.2533519
Gm5480	chr16	5007316	5008306	ENSMUSG00 000096215	2.3841581	1.25348
Naf1	chr8	66860217	66890564	ENSMUSG00 000014907	2.3845692	1.2537286
Nr1h4	chr10	89454234	89533585	ENSMUSG00 000047638	2.3858418	1.2544984
Gga2	chr7	121986722	122021222	ENSMUSG00 000030872	2.3868394	1.2551014
Tmem106c	chr15	97964229	97970286	ENSMUSG00 000052369	2.3871238	1.2552733
Kcnk3	chr5	30588170	30625270	ENSMUSG00 000049265	2.3882172	1.255934
Meis3	chr7	16175090	16186510	ENSMUSG00 000041420	2.3893623	1.2566257
Dusp28	chr1	92906989	92908620	ENSMUSG00 000047067	2.392042	1.2582426
Oxnad1	chr14	32085374	32103202	ENSMUSG00 000021906	2.3939624	1.2594005
Ndufc1	chr3	51404677	51408988	ENSMUSG00 000037152	2.395938	1.2605906
Mettl20	chr6	149139849	149151171	ENSMUSG00 000039958	2.4007626	1.2634927
Rtn4rl1	chr11	75193783	75267769	ENSMUSG00 000045287	2.4021673	1.2643366
Dnase1l2	chr17	24440081	24443105	ENSMUSG00 000024136	2.4043589	1.2656522
Tmem202	chr9	59518686	59525501	ENSMUSG00 000049526	2.4053895	1.2662705
2010300C02Rik	chr1	37611677	37720085	ENSMUSG00	2.4057717	1.2664998

				000026090		
Gstm3	chr3	107942333	107969283	ENSMUSG0000004038	2.4062102	1.2667627
Acvr2b	chr9	119402444	119433501	ENSMUSG00000061393	2.4081528	1.2679269
Trp53inp2	chr2	155381059	155389850	ENSMUSG00000038375	2.4083674	1.2680554
Zfp212	chr6	47920476	47932639	ENSMUSG00000052763	2.4110334	1.2696517
Gm10250	chr15	5120602	5121172	ENSMUSG00000068706	2.413828	1.2713228
Ngef	chr1	87476834	87573870	ENSMUSG00000026259	2.4150603	1.2720592
Casp6	chr3	129901425	129914103	ENSMUSG00000027997	2.4187872	1.2742839
Zdhhc24	chr19	4878668	4885397	ENSMUSG00000006463	2.4216402	1.2759845
Ddt	chr10	75771230	75773414	ENSMUSG0000001666	2.4216454	1.2759876
1110058L19Rik	chr1	23995939	24005656	ENSMUSG00000026154	2.4237986	1.2772698
ENSMUSG00000073564	chr1	133131180	133131782	ENSMUSG00000097341	2.4261003	1.2786392
Spef1	chr2	131170261	131187282	ENSMUSG00000027329	2.426802	1.2790563
Scml4	chr10	42860370	42960780	ENSMUSG00000044770	2.4287593	1.2802196
Iah1	chr12	21316392	21323605	ENSMUSG00000062054	2.428972	1.2803459
Rnf25	chr1	74593748	74601397	ENSMUSG00000026171	2.4326339	1.2825192
Rps13-ps2	chr7	88530405	88530925	ENSMUSG00000069972	2.434382	1.2835555
1700007G11Rik	chr5	98329354	98801910	ENSMUSG00000057816	2.4358385	1.2844185
Chchd7	chr4	3938888	3951046	ENSMUSG00000042198	2.436318	1.2847024
Galnt9	chr5	110544345	110621382	ENSMUSG00000033316	2.4407768	1.2873404
Aldh3a1	chr11	61207537	61218421	ENSMUSG00000019102	2.4449234	1.2897892
Gprin3	chr6	59352461	59426290	ENSMUSG00000045441	2.4463286	1.2906182
Siglech	chr7	55768178	55778925	ENSMUSG00000051504	2.4481554	1.2916951
Kcnj16	chr11	110968033	111027968	ENSMUSG00000051497	2.4495697	1.2925284
Jmjd5	chr7	125444676	125462265	ENSMUSG00000030752	2.4525056	1.2942564
Gm4952	chr19	12599974	12628251	ENSMUSG00000071633	2.454092	1.2951894
Ptprd	chr4	75941238	78211961	ENSMUSG00000028399	2.4564404	1.2965692
Npnt	chr3	132881745	132950291	ENSMUSG00000040998	2.456695	1.2967188
AA467197	chr2	122636986	122641191	ENSMUSG00000033213	2.4578106	1.2973738
2210404007Rik	chr10	81393051	81395392	ENSMUSG00000078439	2.4580681	1.2975249

Zdhhc23	chr16	43969078	43979093	ENSMUSG00 000036304	2.4606898	1.2990627
A2ld1	chr14	122816223	122913757	ENSMUSG00 000041625	2.465887	1.3021067
S100a1	chr3	90511034	90514392	ENSMUSG00 000044080	2.468319	1.3035288
Mgst2	chr3	51660360	51682675	ENSMUSG00 000074604	2.47683	1.3084948
Rpp25	chr9	57504102	57505447	ENSMUSG00 000062309	2.4800625	1.3103765
Pla2g4b	chr2	120027483	120043033	ENSMUSG00 000033852	2.4805672	1.31067
Cyp2c44	chr19	44005022	44029247	ENSMUSG00 000025197	2.4839277	1.3126231
Zfp11	chr5	129654593	129670099	ENSMUSG00 000051034	2.4845126	1.3129628
Cd72	chr4	43446462	43454628	ENSMUSG00 000028459	2.4845712	1.3129969
Cobl	chr11	12236608	12464960	ENSMUSG00 000020173	2.4854918	1.3135313
Clgn	chr8	83389867	83428552	ENSMUSG00 000002190	2.486864	1.3143276
Tas1r3	chr4	155859268	155863362	ENSMUSG00 000029072	2.4871066	1.3144683
Pstk	chr7	131371141	131387839	ENSMUSG00 000063179	2.4874477	1.3146663
Ugt2a3	chr5	87324972	87337195	ENSMUSG00 000035780	2.4896727	1.3159561
Tada2b	chr5	36473670	36484285	ENSMUSG00 000029196	2.4903347	1.3163397
Nid1	chr13	13437602	13512275	ENSMUSG00 000005397	2.4903843	1.3163685
Def8	chr8	123442986	123463270	ENSMUSG00 000001482	2.4944446	1.3187187
Epb4.115	chr1	119545033	119649000	ENSMUSG00 000026383	2.4958658	1.3195404
Csrp2	chr10	110920177	110939599	ENSMUSG00 000020186	2.4983668	1.3209853
Kcni4	chr5	48389502	49524904	ENSMUSG00 000029088	2.500155	1.3220176
Mllt11	chr3	95219135	95228677	ENSMUSG00 000053192	2.5008771	1.3224342
1110008J03Rik	chr5	120594305	120612589	ENSMUSG00 000029600	2.5020201	1.3230934
2410124H12Rik	chr16	92478743	92497365	ENSMUSG00 000051297	2.5022123	1.3232042
Fkbp6	chr5	135291704	135349991	ENSMUSG00 000040013	2.5031836	1.3237641
Gp1ba	chr11	70639122	70642036	ENSMUSG00 000050675	2.5040934	1.3242884
Gpa33	chr1	166130238	166166510	ENSMUSG00 000000544	2.508136	1.3266156
Laptm4b	chr15	34238026	34284295	ENSMUSG00 000022257	2.5095327	1.3274188
Bik	chr15	83526862	83544635	ENSMUSG00 000016758	2.5105424	1.3279991
Pappa	chr4	65124174	65357509	ENSMUSG00 000028370	2.512931	1.3293711
Clic3	chr2	25456838	25458776	ENSMUSG00	2.5197093	1.3332573

				000015093		
Rgnef	chr13	97898595	98206165	ENSMUSG00 000021662	2.5211604	1.3340878
Slc6a9	chr4	117834506	117875198	ENSMUSG00 000028542	2.5244102	1.3359463
Derl3	chr10	75893398	75895941	ENSMUSG00 000009092	2.5289242	1.3385239
Fam195a	chr17	25863698	25868738	ENSMUSG00 000025732	2.5290139	1.3385749
Hebp2	chr10	18540123	18546076	ENSMUSG00 000019853	2.5297399	1.338989
D730039F16Rik	chr2	34874396	34892132	ENSMUSG00 000026870	2.5323513	1.3404776
AC116875.1	chr8	57776225	57962564	ENSMUSG00 000096914	2.5386412	1.3440565
Mrgprf	chr7	145300828	145309557	ENSMUSG00 000031070	2.5435848	1.3468632
Stac2	chr11	98036623	98053462	ENSMUSG00 000017400	2.5437481	1.3469558
Map1lc3a	chr2	155276297	155278073	ENSMUSG00 000027602	2.5478826	1.3492987
Gm17384	chr5	62813823	62888308	ENSMUSG00 000090326	2.5538182	1.3526559
Tcf23	chr5	30968677	30977018	ENSMUSG00 000006642	2.5563443	1.3540821
Kcnk5	chr14	20140058	20181782	ENSMUSG00 000023243	2.5602665	1.356294
Clpp	chr17	56990264	56996371	ENSMUSG00 000002660	2.5603616	1.3563476
Glrx5	chr12	105032689	105040910	ENSMUSG00 000021102	2.5631244	1.3579035
Hsd17b10	chrX	152001845	152004442	ENSMUSG00 000025260	2.5634682	1.3580971
Sh2d7	chr9	54538984	54545020	ENSMUSG00 000046460	2.570883	1.3622639
Zfp358	chr8	3493138	3497208	ENSMUSG00 000047264	2.5756285	1.3649246
BC031353	chr9	74953053	75032468	ENSMUSG00 000034858	2.5840423	1.3696297
Ccdc129	chr6	55836895	55978735	ENSMUSG00 000037973	2.5868003	1.3711687
Golt1a	chr1	133309823	133323026	ENSMUSG00 000041717	2.5910702	1.3735482
Tmem80	chr7	141327739	141337156	ENSMUSG00 000025505	2.5925653	1.3743804
Tmprss9	chr10	80879720	80899441	ENSMUSG00 000059406	2.5931332	1.3746963
BC066135	chr2	180277646	180289879	ENSMUSG00 000038980	2.5986102	1.3777403
Sgk2	chr2	162987330	163014127	ENSMUSG00 000017868	2.5991588	1.3780447
Zfp930	chr8	69226343	69228980	ENSMUSG00 000059897	2.59961	1.3782953
Itpkc	chr7	27207172	27228628	ENSMUSG00 000003752	2.6011004	1.3791221
Ppih	chr4	119300010	119320546	ENSMUSG00 000060288	2.6031795	1.3802748
Tmem177	chr1	119907890	119913208	ENSMUSG00 000036975	2.607784	1.3828244

Polr3h	chr15	81915030	81926213	ENSMUSG00 000022476	2.6093264	1.3836774
Coq9	chr8	94838321	94854895	ENSMUSG00 000031782	2.612624	1.3854995
Sdhaf1	chr7	30321411	30322375	ENSMUSG00 000074211	2.6225872	1.3909907
Avpi1	chr19	42123273	42129059	ENSMUSG00 000018821	2.6289148	1.3944674
Paqr5	chr9	61953481	62026856	ENSMUSG00 000032278	2.6335998	1.3970361
9430016H08Rik	chr1	57406328	57417953	ENSMUSG00 000025971	2.6356819	1.3981762
Rcan2	chr17	43801851	44039516	ENSMUSG00 000039601	2.6431499	1.4022583
Rarres2	chr6	48569698	48572670	ENSMUSG00 000009281	2.6436272	1.4025187
Grp2	chr15	80623505	80650559	ENSMUSG00 000042351	2.6447544	1.4031337
Npff	chr15	102523843	102524621	ENSMUSG00 000023052	2.6479683	1.4048859
Actr3b	chr5	25759997	25850342	ENSMUSG00 000056367	2.6500618	1.406026
Mcee	chr7	64392645	64412121	ENSMUSG00 000033429	2.6511707	1.4066296
Ndufaf6	chr4	11051045	11076205	ENSMUSG00 000050323	2.6521556	1.4071654
Naprt1	chr15	75890964	75894481	ENSMUSG00 000022574	2.6566956	1.4096329
Ccdc130	chr8	84257795	84270380	ENSMUSG00 000004994	2.6580317	1.4103583
Dnajc22	chr15	99093170	99104737	ENSMUSG00 000038009	2.6610005	1.4119688
Zfp213	chr17	23556769	23564226	ENSMUSG00 000071256	2.6618347	1.412421
Gm561	chr2	144594054	144595366	ENSMUSG00 000074754	2.6623905	1.4127221
Rbm20	chr19	53677306	53867080	ENSMUSG00 000043639	2.6652222	1.4142557
Dhrs11	chr11	84820856	84828994	ENSMUSG00 000034449	2.6652884	1.4142916
Pecr	chr1	72259167	72284314	ENSMUSG00 000026189	2.6687396	1.4161586
Tlr11	chr14	50360502	50363662	ENSMUSG00 000051969	2.6687799	1.4161803
Fah	chr7	84585159	84606722	ENSMUSG00 000030630	2.671145	1.4174583
Fbxl8	chr8	105264648	105269326	ENSMUSG00 000033313	2.6746378	1.4193435
Ccbl1	chr2	30185124	30205847	ENSMUSG00 000039648	2.691532	1.4284276
Vil1	chr1	74409376	74435559	ENSMUSG00 000026175	2.6930413	1.4292364
Sst	chr16	23889581	23890844	ENSMUSG00 000004366	2.6972346	1.431481
Gpd1	chr15	99717515	99725005	ENSMUSG00 000023019	2.7022157	1.4341428
Sfxn3	chr19	45047576	45056383	ENSMUSG00 000025212	2.7045267	1.4353762
Mlycd	chr8	119394878	119411102	ENSMUSG00	2.7055311	1.4359119

				000074064		
Stradb	chr1	58973522	58995715	ENSMUSG00 000026027	2.7081857	1.4373267
Tssk4	chr14	55650182	55652539	ENSMUSG00 000007591	2.7098138	1.4381938
Taco1	chr11	106066061	106073612	ENSMUSG00 000001983	2.7117977	1.4392495
Cytl1	chr5	37735519	37739820	ENSMUSG00 000062329	2.7134593	1.4401332
Duoxa2	chr2	122298900	122302885	ENSMUSG00 000027225	2.71403	1.4404367
Atp4b	chr8	13386209	13396778	ENSMUSG00 000031449	2.7143228	1.4405923
5330417C22Rik	chr3	108455694	108536526	ENSMUSG00 000040412	2.720833	1.4440484
Ccr11	chr9	104098138	104126643	ENSMUSG00 000079355	2.7226179	1.4449946
Snx22	chr9	66065176	66069731	ENSMUSG00 000039452	2.728181	1.4479393
Sstr2	chr11	113619342	113626005	ENSMUSG00 000047904	2.7298198	1.4488057
Fabp3	chr4	130308595	130315463	ENSMUSG00 000028773	2.7301033	1.4489555
Ccdc85b	chr19	5456789	5457397	ENSMUSG00 000095098	2.7324939	1.4502182
Igsf23	chr7	19937305	19950743	ENSMUSG00 000040498	2.736508	1.4523361
Gm5294	chr5	138820080	138821619	ENSMUSG00 000094504	2.7374177	1.4528157
Lmbr11	chr15	98903921	98918231	ENSMUSG00 000022999	2.7389812	1.4536394
Pcp411	chr1	171173262	171196268	ENSMUSG00 000038370	2.739565	1.4539468
Car8	chr4	8143367	8239041	ENSMUSG00 000041261	2.7414615	1.4549452
Pcgf1	chr6	83077869	83080855	ENSMUSG00 000069678	2.7436306	1.4560863
Dpm3	chr3	89259358	89267079	ENSMUSG00 000042737	2.7505424	1.4597161
Prss23	chr7	89507785	89517586	ENSMUSG00 000039405	2.7534835	1.4612579
Ephb3	chr16	21204755	21223305	ENSMUSG00 000005958	2.7684622	1.4690849
0610009020Rik	chr18	38250249	38262629	ENSMUSG00 000024442	2.769955	1.4698625
Ckb	chr12	111669355	111672338	ENSMUSG00 000001270	2.7702496	1.470016
B230104I21RIK	chr4	154336127	154349918	ENSMUSG00 000097871	2.7706628	1.4702312
Ebpl	chr14	61339763	61360445	ENSMUSG00 000021928	2.7717288	1.4707861
BC003266	chr4	127243784	127247809	ENSMUSG00 000042380	2.7780836	1.47409
Col14a1	chr15	55307750	55520803	ENSMUSG00 000022371	2.7817338	1.4759843
Gstt1	chr10	75783813	75798584	ENSMUSG00 000001663	2.7929053	1.4817667
Cxxc5	chr18	35829818	35861687	ENSMUSG00 000046668	2.7941852	1.4824276

Agt	chr8	124556534	124569706	ENSMUSG00 000031980	2.7948458	1.4827687
Chst3	chr10	60181532	60219260	ENSMUSG00 000057337	2.7963672	1.4835538
Spats2	chr15	99126578	99213206	ENSMUSG00 000051934	2.798197	1.4844975
Pate4	chr9	35607093	35611935	ENSMUSG00 000032099	2.8033025	1.4871274
Tmem171	chr13	98686235	98694834	ENSMUSG00 000052485	2.8034134	1.4871845
Capn9	chr8	124576111	124618731	ENSMUSG00 000031981	2.8158214	1.4935558
Tnni3	chr7	4518305	4524229	ENSMUSG00 000035458	2.8186908	1.4950252
Pik3r3	chr4	116221618	116303056	ENSMUSG00 000028698	2.821643	1.4965355
Cd209a	chr8	3743395	3748984	ENSMUSG00 000031494	2.823917	1.4976976
Nt5e	chr9	88327609	88372089	ENSMUSG00 000032420	2.8267367	1.4991375
Gstk1	chr6	42245935	42250441	ENSMUSG00 000029864	2.8309786	1.5013008
Zfp78	chr7	6371364	6379491	ENSMUSG00 000055150	2.835674	1.5036917
2010107G23Rik	chr10	62107655	62143920	ENSMUSG00 000020083	2.8380163	1.5048828
4930455F23Rik	chr1	164275585	164287847	ENSMUSG00 000026578	2.8575797	1.5147938
Chsy3	chr18	59175401	59410446	ENSMUSG00 000058152	2.8617644	1.516905
Ppp1r3e	chr14	54872681	54877550	ENSMUSG00 000072494	2.8636215	1.5178409
Snrpn	chr7	59982495	60140219	ENSMUSG00 000000948	2.8798215	1.5259794
Mzt2	chr16	15848441	15863369	ENSMUSG00 000022671	2.8862288	1.5291857
Tenc1	chr15	102102988	102116401	ENSMUSG00 000037003	2.887387	1.5297645
Atp4a	chr7	30712209	30725535	ENSMUSG00 000005553	2.8922021	1.5321684
D0H4S114	chr18	33437019	33464029	ENSMUSG00 000042834	2.8927739	1.5324535
Slc6a20a	chr9	123636122	123678885	ENSMUSG00 000036814	2.8964386	1.5342801
Rbp2	chr9	98490537	98509771	ENSMUSG00 000032454	2.9089015	1.5404744
Slc16a5	chr11	115462474	115474398	ENSMUSG00 000045775	2.9163647	1.5441711
1110065P20Rik	chr4	124849485	124850730	ENSMUSG00 000078570	2.919506	1.5457243
Krt13	chr11	100117327	100121566	ENSMUSG00 000044041	2.9221976	1.5470537
Akr7a5	chr4	139310744	139318426	ENSMUSG00 000028743	2.9284666	1.5501454
Ces1g	chr8	93302369	93337308	ENSMUSG00 000057074	2.930828	1.5513084
Cideb	chr14	55754045	55758458	ENSMUSG00 000022219	2.9344273	1.5530789
Creb3l4	chr3	90237500	90243512	ENSMUSG00	2.9352207	1.553469

				000027938		
O3far1	chr19	38097079	38114263	ENSMUSG00 000054200	2.9381385	1.5549024
Hist2h3c1	chr3	96246685	96248509	ENSMUSG00 000093769	2.943119	1.5573459
Zscan2	chr7	80860920	80876516	ENSMUSG00 000038797	2.9535546	1.5624523
Ttc30b	chr2	75935863	75938462	ENSMUSG00 000075273	2.9540713	1.5627047
Acrbp	chr6	125049689	125063267	ENSMUSG00 000072770	2.9773786	1.5740427
Rhoc	chr3	104789011	104794459	ENSMUSG00 000002233	2.9774659	1.574085
Shh	chr5	28456815	28467101	ENSMUSG00 000002633	2.9864032	1.578409
Svip	chr7	51997165	52006018	ENSMUSG00 000074093	2.9865367	1.5784734
Zfp784	chr7	5034439	5038446	ENSMUSG00 000043290	2.9928577	1.5815237
Rep15	chr6	147032537	147033518	ENSMUSG00 000040121	2.994468	1.5822997
Rdh7	chr10	127884028	127888817	ENSMUSG00 000040134	2.998362	1.5841746
Slc2a10	chr2	165503787	165519917	ENSMUSG00 000027661	3.0028777	1.5863457
Tnfsf13b	chr8	10006843	10035441	ENSMUSG00 000031497	3.0123005	1.5908657
Ccdc101	chr7	126649309	126672925	ENSMUSG00 000030714	3.0128558	1.5911316
Samd12	chr15	53461621	53902537	ENSMUSG00 000058656	3.0227048	1.5958401
Tmem125	chr4	118540941	118544044	ENSMUSG00 000050854	3.0264804	1.597641
Obp2a	chr2	25700043	25703326	ENSMUSG00 000062061	3.0350718	1.6017307
Fam189b	chr3	89183143	89189295	ENSMUSG00 000032657	3.0452597	1.6065652
Hspb1	chr5	135887919	135889563	ENSMUSG00 000004951	3.0501826	1.6088957
Vcam1	chr3	116110020	116129688	ENSMUSG00 000027962	3.0546408	1.6110027
BC017612	chr9	15505487	15545260	ENSMUSG00 000058173	3.0550609	1.6112012
Gpt2	chr8	85492576	85527560	ENSMUSG00 000031700	3.0552404	1.6112859
Apoa1	chr9	46228580	46230466	ENSMUSG00 000032083	3.0571723	1.6121979
Arl16	chr11	120464866	120467607	ENSMUSG00 000057594	3.058848	1.6129884
Spryd4	chr10	128209908	128211794	ENSMUSG00 000051346	3.0598435	1.6134579
Stc2	chr11	31357307	31370074	ENSMUSG00 000020303	3.0627005	1.6148043
Ppargc1a	chr5	51454249	51567725	ENSMUSG00 000029167	3.063262	1.6150688
Hexim2	chr11	103132429	103139876	ENSMUSG00 000043372	3.067434	1.6170323
Fgf1	chr18	38838673	38929404	ENSMUSG00 000036585	3.067692	1.6171536

Tmem53	chr4	117251951	117268582	ENSMUSG00 000048772	3.0694802	1.6179943
Capn10	chr1	92934376	92947941	ENSMUSG00 000026270	3.073138	1.6197126
Gstt2	chr10	75831845	75834881	ENSMUSG00 000033318	3.073519	1.6198914
Gmpr	chr13	45507444	45546382	ENSMUSG00 000000253	3.0766742	1.6213717
Ovol1	chr19	5549137	5560575	ENSMUSG00 000024922	3.0814948	1.6236304
Kit	chr5	75574916	75656722	ENSMUSG00 000005672	3.082413	1.6240602
Rassf7	chr7	141215860	141218658	ENSMUSG00 000038618	3.0891023	1.6271876
Col6a1	chr10	76708792	76726168	ENSMUSG00 000001119	3.089706	1.6274695
Fitm2	chr2	163466379	163472629	ENSMUSG00 000048486	3.089977	1.6275961
Pradc1	chr6	85446810	85451970	ENSMUSG00 000030008	3.095669	1.6302513
Ntf3	chr6	126101413	126166744	ENSMUSG00 000049107	3.0963295	1.630559
Dlg5	chr14	24133953	24245920	ENSMUSG00 000021782	3.0991578	1.6318762
Fhit	chr14	9550092	11162035	ENSMUSG00 000060579	3.1083748	1.6361605
Cd177	chr7	24743985	24760311	ENSMUSG00 000052212	3.109967	1.6368992
Hsbp111	chr18	80229758	80247102	ENSMUSG00 000078963	3.1116407	1.6376755
Zfyve21	chr12	111814170	111828388	ENSMUSG00 000021286	3.1143181	1.6389164
Oxld1	chr11	120456606	120458068	ENSMUSG00 000039670	3.1220372	1.6424878
Olfm4	chr14	80000302	80021930	ENSMUSG00 000022026	3.139498	1.6505339
Scd1	chr19	44394451	44407709	ENSMUSG00 000037071	3.141048	1.651246
Slamf9	chr1	172475358	172478575	ENSMUSG00 000026548	3.1410763	1.651259
Wrap53	chr11	69561758	69580255	ENSMUSG00 000041346	3.1426828	1.6519966
Isoc2b	chr7	4844959	4866193	ENSMUSG00 000052605	3.1494575	1.6551033
Arhgap8	chr15	84720052	84772207	ENSMUSG00 000078954	3.1494746	1.6551112
Gif	chr19	11747554	11763447	ENSMUSG00 000024682	3.1539187	1.6571455
Dtna	chr18	23415415	23659714	ENSMUSG00 000024302	3.1547258	1.6575146
Adtrp	chr13	41763148	41847684	ENSMUSG00 000058022	3.1558812	1.6580429
Tspan6	chrX	133891068	133898429	ENSMUSG00 000067377	3.15591	1.658056
Qk	chr17	10319945	10320229	ENSMUSG00 000044407	3.1565719	1.6583586
Cx3cl1	chr8	94772009	94782423	ENSMUSG00 000031778	3.1647336	1.6620841
Gm5617	chr9	48495345	48495964	ENSMUSG00	3.171783	1.665294

				000042293		
Tmem17	chr11	22512088	22519234	ENSMUSG00 000049904	3.187908	1.6726099
Fam203a	chr15	76368898	76371403	ENSMUSG00 000022554	3.1952262	1.6759181
Leprel1	chr16	25959288	26105784	ENSMUSG00 000038168	3.1967504	1.676606
Tsen15	chr1	152370735	152386688	ENSMUSG00 000014980	3.2085881	1.6819386
3010026009Rik	chr11	50174444	50200115	ENSMUSG00 000020381	3.2098417	1.6825022
0610009L18Rik	chr11	120348678	120351190	ENSMUSG00 000043644	3.2153773	1.684988
Pigr	chr1	130826684	130852249	ENSMUSG00 000026417	3.2234526	1.6886067
Hpgd	chr8	56294552	56321046	ENSMUSG00 000031613	3.2313216	1.6921244
Cybrd1	chr2	71117923	71142926	ENSMUSG00 000027015	3.2333074	1.6930107
Cdhr2	chr13	54701461	54736662	ENSMUSG00 000034918	3.243011	1.6973339
Nme4	chr17	26091734	26095508	ENSMUSG00 000024177	3.2506838	1.7007432
Slco2b1	chr7	99657804	99711340	ENSMUSG00 000030737	3.2519855	1.7013209
Nek3	chr8	22128283	22166435	ENSMUSG00 000031478	3.281876	1.7145208
Micalcl	chr7	112368308	112413104	ENSMUSG00 000030771	3.2825818	1.714831
Gm10801	chr2	98662237	98664083	ENSMUSG00 000075015	3.2833257	1.7151579
Rnd2	chr11	101464999	101471853	ENSMUSG00 000001313	3.291238	1.7186304
Adrb1	chr19	56722372	56724862	ENSMUSG00 000035283	3.301095	1.7229446
Maob	chrX	16709282	16817366	ENSMUSG00 000040147	3.3034053	1.723954
Solh	chr17	25959556	25985680	ENSMUSG00 000037326	3.303959	1.7241957
Rph3al	chr11	75830999	75938429	ENSMUSG00 000020847	3.3145878	1.7288295
Cav1	chr6	17306335	17341452	ENSMUSG00 000007655	3.3257217	1.7336675
Pam16	chr16	4616464	4624988	ENSMUSG00 000014301	3.3276474	1.7345026
Gsta2	chr9	78331018	78355788	ENSMUSG00 000057933	3.3353586	1.7378418
Rhbdd2	chr5	135632618	135646448	ENSMUSG00 000039917	3.3356705	1.7379768
2310030G06Rik	chr9	50739691	50746521	ENSMUSG00 000032062	3.3465362	1.7426686
Aqp4	chr18	15389394	15403684	ENSMUSG00 000024411	3.3672428	1.7515677
Lilra5	chr7	4237754	4243463	ENSMUSG00 000070873	3.368185	1.7519714
Kcne2	chr16	92292389	92298129	ENSMUSG00 000039672	3.3705223	1.7529721
Igfbp7	chr5	77349240	77408045	ENSMUSG00 000036256	3.3789656	1.7565817

Gm20441	chr10	75771451	75780954	ENSMUSG00 000092360	3.3801873	1.7571032
Aldh1l1	chr6	90486427	90600203	ENSMUSG00 000030088	3.3833075	1.7584343
Sdr9c7	chr10	127898518	127911761	ENSMUSG00 000040127	3.4106793	1.7700591
Apoa4	chr9	46240696	46243459	ENSMUSG00 000032080	3.4137418	1.771354
Pde1c	chr6	56069821	56369634	ENSMUSG00 000004347	3.4301856	1.7782866
Btnl4	chr17	34469042	34475937	ENSMUSG00 000058435	3.4363086	1.7808596
Adck3	chr1	180165238	180199602	ENSMUSG00 000026489	3.4370396	1.7811664
Drd3	chr16	43762221	43822932	ENSMUSG00 000022705	3.4391694	1.7820601
Slc43a3	chr2	84936579	84958509	ENSMUSG00 000027074	3.4443493	1.7842314
Cdhr5	chr7	141269085	141276786	ENSMUSG00 000025497	3.4571576	1.7895864
Tspan9	chr6	127961396	128143594	ENSMUSG00 000030352	3.4614253	1.7913662
Ces2b	chr8	104831572	104840093	ENSMUSG00 000050097	3.4701817	1.7950112
Acbd4	chr11	103101682	103112200	ENSMUSG00 000056938	3.4714696	1.7955465
9130008F23Rik	chr17	40875482	40880558	ENSMUSG00 000054951	3.4960046	1.8057071
Cryab	chr9	50752758	50756633	ENSMUSG00 000032060	3.4972508	1.8062212
Ccdc120	chrX	7731714	7750905	ENSMUSG00 000031150	3.5014753	1.8079629
Pdlim4	chr11	54054928	54069014	ENSMUSG00 000020388	3.5050604	1.8094393
Cox7a1	chr7	30184171	30186028	ENSMUSG00 000074218	3.5381312	1.8229876
H2-M2	chr17	37480851	37483552	ENSMUSG00 000016283	3.5469878	1.8265944
Gm572	chr4	148643317	148671572	ENSMUSG00 000070577	3.561886	1.8326414
Tnfaip8l1	chr17	56162477	56173955	ENSMUSG00 000044469	3.585725	1.8422649
Hsd17b6	chr10	127990941	128000678	ENSMUSG00 000025396	3.5942397	1.8456867
Gnb5	chr9	75311395	75344964	ENSMUSG00 000032192	3.5955148	1.8461983
Glod5	chrX	8004200	8018492	ENSMUSG00 000031163	3.6083143	1.851325
Ly6d	chr15	74762056	74763567	ENSMUSG00 000034634	3.6212907	1.856504
Itih2	chr2	10094593	10131396	ENSMUSG00 000037254	3.6292732	1.8596807
Hepacam2	chr6	3457096	3494498	ENSMUSG00 000044156	3.6427877	1.8650429
Pou2f3	chr9	43122628	43210369	ENSMUSG00 000032015	3.717688	1.8944057
Slc29a2	chr19	5024006	5031971	ENSMUSG00 000024891	3.7184343	1.8946953
Trim50	chr5	135353295	135368005	ENSMUSG00	3.7195628	1.895133

				000053388		
Igdcc4	chr9	65101486	65137940	ENSMUSG00 000032816	3.7668204	1.9133472
Lag3	chr6	124904361	124911705	ENSMUSG00 000030124	3.766973	1.9134057
Gpx7	chr4	108400390	108406961	ENSMUSG00 000028597	3.7896752	1.9220742
Fam73b	chr2	30364233	30385521	ENSMUSG00 000026858	3.79093	1.9225519
Msrb2	chr2	19371440	19394976	ENSMUSG00 000023094	3.7991068	1.9256603
Sec14l4	chr11	4031462	4048024	ENSMUSG00 000019368	3.833934	1.9388255
Cdc42ep2	chr19	5917556	5924816	ENSMUSG00 000045664	3.8377218	1.9402502
Lysmd2	chr9	75625732	75637773	ENSMUSG00 000032184	3.8406963	1.9413679
Ccdc68	chr18	69925426	69969484	ENSMUSG00 000038903	3.846328	1.9434818
Lrrc26	chr2	25289915	25291180	ENSMUSG00 000026961	3.8475006	1.9439216
Ces2a	chr8	104734003	104741634	ENSMUSG00 000055730	3.8515108	1.9454244
Cd59a	chr2	104095801	104115354	ENSMUSG00 000032679	3.8647196	1.9503638
Rgs13	chr1	144138667	144177372	ENSMUSG00 000051079	3.8832393	1.9572606
Gm5113	chr7	30169875	30180209	ENSMUSG00 000066647	3.9002721	1.9635748
Ccl5	chr11	83525778	83530518	ENSMUSG00 000035042	3.9033666	1.9647189
Gstm7	chr3	107926334	107931817	ENSMUSG00 000004035	3.9148386	1.9689528
Tcea3	chr4	136247729	136274898	ENSMUSG00 000001604	3.9153244	1.9691318
St8sia6	chr2	13651020	13793808	ENSMUSG00 000003418	3.9210846	1.9712528
Ly6g6e	chr17	35076902	35078804	ENSMUSG00 000013766	3.953916	1.9832822
Fabp12	chr3	10244209	10301183	ENSMUSG00 000027530	3.9582937	1.9848787
Lum	chr10	97565501	97572703	ENSMUSG00 000036446	3.9642768	1.9870577
Hbb-b2	chr7	103812524	103813996	ENSMUSG00 000073940	3.9687467	1.9886835
Slurp1	chr15	74726644	74728026	ENSMUSG00 000022596	3.970477	1.9893124
Sectm1a	chr11	121067407	121081220	ENSMUSG00 000025165	3.9731205	1.9902725
Bpifb1	chr2	154190818	154220369	ENSMUSG00 000027485	3.97785	1.9919889
Glt28d2	chr3	85801047	85887518	ENSMUSG00 000031286	3.993803	1.9977632
Igfbp2	chr1	72824503	72852474	ENSMUSG00 000039323	3.9989915	1.9996362
Cdkn2b	chr4	89306289	89311032	ENSMUSG00 000073802	4.02523	2.009071
Nr0b2	chr4	133553376	133556536	ENSMUSG00 000037583	4.036594	2.0131385

Igfbp6	chr15	102144362	102149511	ENSMUSG00 000023046	4.039914	2.0143247
Anxa13	chr15	58341874	58364148	ENSMUSG00 000055114	4.0500684	2.0179462
Lypd8	chr11	58379043	58390728	ENSMUSG00 000013643	4.066501	2.023788
Cadm1	chr9	47530173	47857637	ENSMUSG00 000032076	4.067641	2.0241923
Mcat	chr15	83546797	83555711	ENSMUSG00 000048755	4.0760407	2.0271685
Dgcr6	chr16	18052860	18071632	ENSMUSG00 000003531	4.092374	2.032938
Rab4a	chr8	123805985	123835287	ENSMUSG00 000019478	4.1028824	2.0366378
Cyp2d37-ps	chr15	82689134	82690499	ENSMUSG00 000075517	4.105463	2.037545
Guca1a	chr17	47394560	47400584	ENSMUSG00 000023982	4.1240244	2.0440528
S100a2	chr3	90590247	90591508	ENSMUSG00 000094018	4.1273084	2.0452013
Clec4b1	chr6	123049962	123071555	ENSMUSG00 000030147	4.1554456	2.0550032
2200002J24Rik	chr7	30699783	30700380	ENSMUSG00 000013083	4.16377	2.0578904
Trib2	chr12	15791727	15816877	ENSMUSG00 000020601	4.1654134	2.0584598
Gstm6	chr3	107938847	107943749	ENSMUSG00 000068762	4.194541	2.068513
Tmem237	chr1	59100594	59120096	ENSMUSG00 000038079	4.2193127	2.077008
Ak1	chr2	32621758	32646805	ENSMUSG00 000026817	4.223053	2.0782864
Igfbp5	chr1	72857932	72874884	ENSMUSG00 000026185	4.2506337	2.087678
Sycn	chr7	28540885	28542210	ENSMUSG00 000084174	4.2516365	2.0880182
1500002C15Rik	chr4	155732548	155734627	ENSMUSG00 000096221	4.279227	2.0973501
Plac8l1	chr18	42178675	42196709	ENSMUSG00 000059455	4.2914343	2.10146
Dmbx1	chr4	115914544	115939926	ENSMUSG00 000028707	4.3050933	2.1060445
Ybx2	chr11	69935796	69941605	ENSMUSG00 000018554	4.3521194	2.1217182
D830050J10Rik	chr6	115675995	115677136	ENSMUSG00 000055396	4.4067593	2.139718
Npb	chr11	120608477	120609093	ENSMUSG00 000044034	4.444853	2.1521356
Cckar	chr5	53698485	53707704	ENSMUSG00 000029193	4.4545784	2.155289
Npw	chr17	24657330	24658425	ENSMUSG00 000071230	4.4980216	2.1692905
Serinc4	chr2	121439059	121456781	ENSMUSG00 000046110	4.579005	2.195034
Bex2	chrX	136066564	136068236	ENSMUSG00 000042750	4.5815825	2.195846
S1pr1	chr3	115710433	115715055	ENSMUSG00 000045092	4.598907	2.201291
Ctsf	chr19	4855129	4860912	ENSMUSG00	4.639814	2.214067

				000083282		
Psap11	chr5	36204021	36206568	ENSMUSG00 000043430	4.736054	2.2436855
Spink4	chr4	40920052	40931395	ENSMUSG00 000028415	4.7444687	2.2462466
Dclk1	chr3	55242526	55539064	ENSMUSG00 000027797	4.7887535	2.2596502
Cyp11a1	chr9	58015013	58027020	ENSMUSG00 000032323	4.7912874	2.2604134
Hamp2	chr7	30922372	30924181	ENSMUSG00 000056978	4.81746	2.2682726
Ccl12	chr11	82101845	82103400	ENSMUSG00 000035352	4.894734	2.2912304
Adh1	chr3	138260991	138290698	ENSMUSG00 000074207	4.9052105	2.294315
9130204L05Rik	chr3	91088137	91090805	ENSMUSG00 000091175	4.98883	2.3187015
Ces2c	chr8	104847068	104854483	ENSMUSG00 000061825	4.9949765	2.320478
Nphs2	chr1	156310727	156328035	ENSMUSG00 000026602	5.000123	2.3219635
Krt20	chr11	99428403	99438150	ENSMUSG00 000035775	5.0167727	2.3267596
Gm10800	chr2	98666547	98667301	ENSMUSG00 000075014	5.182784	2.3737273
Slco2a1	chr9	103008489	103087849	ENSMUSG00 000032548	5.1876683	2.3750863
AI427809	chr4	53261893	53262547	ENSMUSG00 000073854	5.209899	2.3812554
Trpm5	chr7	143069153	143094642	ENSMUSG00 000009246	5.2257876	2.3856485
Ppcs	chr4	119418530	119422420	ENSMUSG00 000028636	5.248922	2.3920212
Rnase1	chr14	51145002	51146767	ENSMUSG00 000035896	5.3173976	2.4107203
Ifi2712b	chr12	103450898	103457223	ENSMUSG00 000021208	5.381625	2.428042
Mcpt4	chr14	56059744	56062310	ENSMUSG00 000061068	5.4142556	2.436763
Tnfrsf9	chr4	150914562	150946102	ENSMUSG00 000028965	5.743245	2.521866
Mylpf	chr7	127211608	127214298	ENSMUSG00 000030672	5.783741	2.532003
Fhl1	chrX	56731787	56793346	ENSMUSG00 000023092	5.830895	2.5437174
Cyp2b10	chr7	25897620	25926624	ENSMUSG00 000030483	5.9346585	2.569165
Ttc9	chr12	81631369	81664941	ENSMUSG00 000042734	5.954223	2.5739133
Cst11	chr2	148768609	148771497	ENSMUSG00 000036958	6.2189255	2.6366653
Ly6c1	chr15	75045017	75048837	ENSMUSG00 000079018	6.2448854	2.6426752
Cd5l	chr3	87357881	87371074	ENSMUSG00 000015854	6.264172	2.6471238
Ces1f	chr8	93256236	93279747	ENSMUSG00 000031725	6.267247	2.647832
Hbb-b1	chr7	103826534	103828096	ENSMUSG00 000052305	6.4512215	2.6895723

Cst8	chr2	148798785	148805595	ENSMUSG00 000027442	6.5387793	2.7090213
Gnat3	chr5	17962621	18019834	ENSMUSG00 000028777	6.705918	2.7454348
Mcpt1	chr14	56017964	56020391	ENSMUSG00 000022227	6.748711	2.754612
Spib	chr7	44525995	44532071	ENSMUSG00 000008193	7.072227	2.8221645
Ctla2b	chr13	60895351	60897447	ENSMUSG00 000074874	7.276787	2.8633015
Dcn	chr10	97479500	97518162	ENSMUSG00 000019929	7.502781	2.9074254
Shisa4	chr1	135371057	135375237	ENSMUSG00 000041889	7.6962957	2.9441643
Cd4	chr6	124864692	124888221	ENSMUSG00 000023274	7.8063455	2.9646473
Ch25h	chr19	34473786	34475135	ENSMUSG00 000050370	8.165212	3.0294902
Fcer1a	chr1	173221271	173227229	ENSMUSG00 000005339	9.201936	3.2019374
Hsd17b2	chr8	117701946	117759029	ENSMUSG00 000031844	9.335035	3.2226555
Sectm1b	chr11	121053458	121063569	ENSMUSG00 000039364	9.699	3.277836
S100g	chrX	162961992	162964599	ENSMUSG00 000040808	9.733576	3.28297
Cma1	chr14	55941453	55944661	ENSMUSG00 000022225	10.748507	3.4260643
Tpsab1	chr17	25343245	25345562	ENSMUSG00 000024173	10.916861	3.448486
Sh2d6	chr6	72513644	72521634	ENSMUSG00 000052631	11.700481	3.548496
Mcpt2	chr14	56042123	56044634	ENSMUSG00 000022226	12.481363	3.6417036
Tpsb2	chr17	25366550	25368094	ENSMUSG00 000033825	13.688779	3.774922
Cpa3	chr3	20215617	20242181	ENSMUSG00 000001865	15.242483	3.930026
Cym	chr3	107211293	107221732	ENSMUSG00 000046213	35.08152	5.1326394