

Differential gene expression analysis T _{Reg} VDZ ⁺ vs VDZ ⁻				
	gene	Pr(>Chisq)	log2fc_coef	FDR
1	ITGB1	3,44419E-81	-0,883217881	5,60921E-77
7	VIM	6,78636E-37	-0,607905444	1,57889E-33
5	S100A4	1,45131E-38	-0,570339321	4,72722E-35
22	IL32	2,82908E-25	-0,544134167	2,09429E-22
6	LGALS1	4,16662E-37	-0,506959928	1,13096E-33
25	S100A6	3,43747E-24	-0,405365872	2,2393E-21
8	HLA-DPB1	1,95076E-36	-0,400331338	3,97127E-33
10	HLA-DRB1	1,21059E-35	-0,367438698	1,97156E-32
12	HLA-DPA1	6,62329E-34	-0,363506346	8,98891E-31
34	AHNAK	6,46101E-17	-0,350386769	3,06853E-14
36	CXCR4	2,24835E-16	-0,3294199	1,01713E-13
20	ALOX5AP	1,45158E-26	-0,309097995	1,18202E-23
44	CD74	6,68181E-14	-0,300902614	2,47318E-11
15	HPGD	1,73677E-31	-0,299412017	1,88567E-28
62	TSC22D3	2,01911E-10	-0,291719654	5,30374E-08
37	ANXA2	2,45007E-16	-0,289730629	1,07843E-13
19	HLA-DQB1	4,0429E-27	-0,277630084	3,4654E-24
29	PLP2	3,59786E-20	-0,268320538	2,02051E-17
3	LMNA	1,40183E-43	-0,263579888	7,61004E-40
4	CSGALNACT1	1,06631E-40	-0,263187541	4,34147E-37
17	DUSP4	2,90674E-29	-0,259179309	2,78466E-26
21	HLA-DRB5	2,10654E-26	-0,258837852	1,63367E-23
35	FAM129A	6,59452E-17	-0,258266034	3,06853E-14
78	COTL1	4,73529E-09	-0,256039016	9,88704E-07
63	FOSB	3,18156E-10	-0,252978784	8,22458E-08
45	TTC39C	2,29866E-13	-0,248614533	8,31912E-11
40	HERPUD1	8,48821E-15	-0,248417231	3,45597E-12
53	FLNA	2,53891E-11	-0,242437787	7,80163E-09
72	GSTK1	1,06633E-09	-0,241003863	2,41199E-07
71	RTKN2	1,01257E-09	-0,238594408	2,32264E-07
101	S100A10	2,16134E-07	-0,234197687	3,48511E-05
42	HLA-C	2,73093E-14	-0,22387524	1,05895E-11
23	C15orf53	1,21036E-24	-0,223191482	8,57039E-22
50	PMAIP1	7,53376E-12	-0,221752965	2,4539E-09
108	KLF6	3,56552E-07	-0,218440536	5,37667E-05
110	MTRNR2L12	4,48513E-07	-0,20761775	6,64044E-05
59	MBP	1,61859E-10	-0,206384745	4,46787E-08
9	CCR10	4,19025E-36	-0,205655832	7,5825E-33
46	LGALS3	3,91455E-13	-0,20560529	1,38592E-10
51	SORL1	1,09889E-11	-0,205457023	3,50913E-09
56	IKZF2	1,04886E-10	-0,204497948	3,05032E-08
41	HLA-DRA	1,73013E-14	-0,203994162	6,87241E-12
32	B2M	3,61107E-18	-0,201226674	1,83781E-15
83	TTN	1,67325E-08	-0,196531678	3,28319E-06
95	CRIP1	5,10312E-08	-0,194370907	8,74836E-06
124	CYBA	1,35095E-06	-0,191608283	0,000176013
105	ATP2B1	2,83614E-07	-0,189022706	4,39898E-05
81	ITGB2	1,37343E-08	-0,189018198	2,76145E-06
122	CD99	1,14138E-06	-0,188823453	0,000152365
26	FANK1	1,52229E-21	-0,186254043	9,53537E-19
73	SH3BGR13	1,15154E-09	-0,185115489	2,56905E-07
91	EMB	3,57329E-08	-0,184165468	6,39502E-06
49	C12orf75	1,97858E-12	-0,181096184	6,57617E-10
90	CLIC1	3,47847E-08	-0,177380095	6,29449E-06
193	PPP1R15A	4,0295E-05	-0,17492336	0,003411647
153	LSP1	6,81869E-06	-0,172165071	0,000733302
13	FUT7	3,3468E-32	-0,172049584	4,19276E-29
86	ANXA5	2,45339E-08	-0,171362597	4,64604E-06
169	JUNB	1,47113E-05	-0,17042547	0,001417678
145	MALAT1	4,41845E-06	-0,168958764	0,000496268
129	PAG1	1,67874E-06	-0,168145742	0,000211937
170	ZFP36L2	1,60349E-05	-0,168064026	0,001536141
43	ANXA1	3,33538E-14	-0,167301678	1,26325E-11
147	EZR	5,71851E-06	-0,165238984	0,000633549
84	CD84	1,77447E-08	-0,162818944	3,44036E-06
65	PDE3B	4,06566E-10	-0,160699397	1,02228E-07
38	JAML	5,77142E-16	-0,160663604	2,47351E-13
74	HLA-B	1,34308E-09	-0,158845161	2,95587E-07
24	HLA-DQA1	1,75349E-24	-0,158631818	1,18989E-21
79	GLI3R1	5,37111E-09	-0,154817488	1,10726E-06
18	PI16	1,08974E-27	-0,154406056	9,85974E-25
27	HLA-DQA2	2,05671E-21	-0,154222955	1,24058E-18
164	YWHAB	1,30032E-05	-0,148053377	0,001299494
130	HLA-A	1,83444E-06	-0,145999532	0,000229813
114	MAL	7,84108E-07	-0,144936518	0,000112017
195	DOK2	4,20239E-05	-0,140729271	0,003509747
220	ACAP1	9,35763E-05	-0,140067861	0,006864793

210	LITAF	7,35415E-05	-0,13964628	0,005703322
215	IQGAP1	8,27451E-05	-0,134434267	0,006263522
199	ITK	4,74144E-05	-0,133911215	0,003880354
112	ACTN4	6,76297E-07	-0,133389704	9,82545E-05
54	PRNP	4,07698E-11	-0,127611302	1,22959E-08
218	TPM4	8,85116E-05	-0,124128159	0,006612384
165	TXN	1,3449E-05	-0,122326017	0,001327462
161	MTRNR2L8	1,11909E-05	-0,114945	0,001132015
136	ENTPD1	2,80111E-06	-0,114933652	0,000335433
88	CST7	3,134E-08	-0,11416517	5,73486E-06
174	UBL3	1,94288E-05	-0,112930796	0,001818494
167	TMX4	1,42716E-05	-0,11226061	0,001391781
120	KRTCAP2	9,92783E-07	-0,110643484	0,000134737
144	CD63	4,12162E-06	-0,109196171	0,000466144
156	LPAR6	9,40425E-06	-0,109116682	0,00098178
225	MAP4K4	9,53033E-05	-0,108831988	0,006898265
181	AKNA	2,46438E-05	-0,108105569	0,002217401
194	CCR4	4,12383E-05	-0,107968158	0,003461888
232	MYO1F	0,000113512	-0,107331943	0,007968316
163	TOB1	1,30859E-05	-0,106104923	0,001299494
39	ITM2C	3,05125E-15	-0,098588558	1,27417E-12
226	MAN1A2	9,82557E-05	-0,097160674	0,007080497
197	CTSA	4,52903E-05	-0,094602448	0,003725243
175	SH3BP5	2,04531E-05	-0,094018638	0,001903428
113	TCEAL4	6,81737E-07	-0,093568187	9,82545E-05
158	P2RY8	1,02388E-05	-0,093300671	0,001055371
47	CPNE2	8,125E-13	-0,091895304	2,8154E-10
192	ELK3	4,04303E-05	-0,09130075	0,003411647
52	A1BG	1,19348E-11	-0,090753875	3,73787E-09
203	CD82	5,30239E-05	-0,086186805	0,004253931
97	SYTL3	1,02825E-07	-0,085907347	1,72639E-05
162	PTGER4	1,30829E-05	-0,082124344	0,001299494
87	CORO2A	2,6817E-08	-0,081712714	5,02003E-06
149	ADAM8	6,2918E-06	-0,0812875	0,000687707
132	SGMS1	2,42199E-06	-0,080619131	0,000298822
208	TOX	6,59302E-05	-0,08045956	0,005172784
151	BARD1	6,88906E-06	-0,077196121	0,000733302
93	SLC25A24	4,21214E-08	-0,075445442	7,37623E-06
77	SOX4	3,96728E-09	-0,074196132	8,39105E-07
127	HLA-DMA	1,52269E-06	-0,074040856	0,000195264
168	ANTXR2	1,46079E-05	-0,07263007	0,001416093
166	BEX3	1,37779E-05	-0,069464586	0,001351731
198	SLF1	4,50638E-05	-0,069096444	0,003725243
141	GPR65	3,69636E-06	-0,068328619	0,000426943
121	JAKMIP1	1,0229E-06	-0,067553898	0,000137677
206	TIAM1	6,35753E-05	-0,066490484	0,005026153
125	FGL2	1,34701E-06	-0,060368007	0,000176013
216	TNFRSF18	8,2712E-05	-0,059171305	0,006263522
150	AC006369.1	6,5786E-06	-0,055554381	0,000714261
202	RCBTB2	5,25558E-05	-0,054165616	0,004237243
235	PKIA	0,000120332	-0,053584918	0,008339254
187	ADARB1	2,77922E-05	-0,053457404	0,002420444
106	AC100793.2	3,19192E-07	-0,05203153	4,90411E-05
182	ARHGEF12	2,50608E-05	-0,051801166	0,002242532
196	SYNE3	4,26217E-05	-0,051705592	0,003541518
160	CAPG	1,11541E-05	-0,050653475	0,001132015
94	HLA-DMB	4,58069E-08	-0,049925119	7,93628E-06
68	TNFRSF9	7,28369E-10	-0,049494189	1,74444E-07
204	RARA	5,39755E-05	-0,048985714	0,004309044
222	ZNRF1	9,33173E-05	-0,047511416	0,006864793
209	ADAM12	7,06999E-05	-0,046241333	0,005509177
224	SH3BP2	9,47493E-05	-0,044100143	0,006888783
123	TGFBR3	1,16139E-06	-0,04206033	0,000153775
135	AL365203.2	2,77584E-06	-0,041126547	0,000334869
119	ZNF365	9,26808E-07	-0,040838303	0,000127708
104	GALNT3	2,58954E-07	-0,040830153	4,05512E-05
236	SMAD7	0,000135453	-0,039827193	0,009347416
159	SEMA3G	1,09696E-05	-0,038408389	0,001123592
139	AL121748.1	3,51337E-06	-0,035000553	0,000408706
96	MILF1	8,56786E-08	-0,034198316	1,4535E-05
126	GDPD5	1,47013E-06	-0,033440848	0,00019002
233	BASP1	0,000117138	-0,030954297	0,00815258
109	SEPT10	3,88811E-07	-0,030708612	5,80933E-05
146	PPP2R2B	4,47936E-06	-0,026584683	0,000499664
200	CCR3	4,86669E-05	-0,023782401	0,003943232
179	CDC42BPB	2,16543E-05	-0,023424252	0,001970179
180	COL5A3	2,1991E-05	0,017914529	0,001989696
152	HIC1	6,85158E-06	0,022566578	0,000733302
230	CDCA7L	0,000107745	0,038105093	0,007629272
137	BACH2	2,94028E-06	0,038629684	0,000349528

99	DUSP6	1,4027E-07	0,047239301	2,30752E-05
178	GIMAP5	2,12632E-05	0,047340361	0,001945465
191	METTL7A	3,8425E-05	0,048291708	0,003276381
117	NRIP1	8,62691E-07	0,052654521	0,000120597
234	SMAD3	0,000116827	0,06142632	0,00815258
103	TMEM238	2,42872E-07	0,063413978	3,84021E-05
61	LZTFL1	1,96403E-10	0,064063135	5,24364E-08
213	LINC00402	7,8695E-05	0,065654844	0,006017027
229	PLAC8	0,000106676	0,068992821	0,007586562
116	CHRM3-AS2	8,66379E-07	0,069147426	0,000120597
237	ICA1	0,000142123	0,071741223	0,009766298
143	ACO12368.1	4,0848E-06	0,082053275	0,00046521
154	LINC00891	7,95917E-06	0,082155027	0,000836732
184	NT5C3A	2,68821E-05	0,084809416	0,002379355
85	ACTN1	1,88773E-08	0,086678576	3,61688E-06
66	LINC01934	5,80221E-10	0,092753681	1,43174E-07
177	SINHCAF	2,10616E-05	0,097015465	0,001937904
212	TNFRSF1B	7,70031E-05	0,098435411	0,005915436
157	RABGAP1L	9,85066E-06	0,115079656	0,001021834
28	CD38	1,6811E-20	0,115452228	9,77801E-18
142	KLRB1	3,93527E-06	0,116473594	0,000451336
186	SESN3	2,75867E-05	0,116824406	0,002415467
115	RPLP0	8,36788E-07	0,118437825	0,000118504
190	CACYBP	3,73609E-05	0,123236745	0,003202421
231	RPL15	0,00010825	0,123315867	0,007631861
98	GBP4	1,28811E-07	0,127389284	2,14063E-05
219	STK17A	9,09265E-05	0,129922566	0,006761776
201	TLK1	4,86524E-05	0,1314036	0,003943232
207	LAPTM5	6,60653E-05	0,132146458	0,005172784
185	APBB1IP	2,71263E-05	0,132744148	0,00238799
14	CCR9	1,12661E-31	0,137220094	1,31057E-28
140	IL6ST	3,50945E-06	0,137237902	0,000408706
217	RPS5	8,579E-05	0,13978404	0,006438599
211	HINT1	7,68361E-05	0,143954741	0,005915436
173	H3F3B	1,92135E-05	0,145680757	0,001808732
227	RPS13	0,000100523	0,14818737	0,007211972
80	CD59	9,59149E-09	0,149740111	1,95259E-06
221	RPS6	9,31234E-05	0,150086036	0,006864793
189	TPR	3,37923E-05	0,154863286	0,002911858
134	TCF7	2,56098E-06	0,156383843	0,000313492
223	RPL10A	9,41293E-05	0,159355353	0,006874394
155	RPS4X	7,96349E-06	0,161944179	0,000836732
171	LBH	1,62656E-05	0,162959103	0,001549133
148	YPEL3	5,8719E-06	0,163341391	0,000646147
188	GBP2	3,3321E-05	0,167239323	0,002886518
131	RARRES3	2,34588E-06	0,167330083	0,000291642
228	CD2	0,000105867	0,167448722	0,007562096
172	RPL13	1,8491E-05	0,178152701	0,001750841
118	RGS10	9,33147E-07	0,178778245	0,000127708
70	RACK1	8,62331E-10	0,183952102	2,00628E-07
107	TRAF3IP3	3,24905E-07	0,184678722	4,94524E-05
89	NOSIP	3,1232E-08	0,185766587	5,73486E-06
100	FYB1	1,91782E-07	0,186532756	3,12336E-05
133	CD247	2,57939E-06	0,188643602	0,000313492
128	RPS2	1,55835E-06	0,191385025	0,000198276
205	LTB	5,95586E-05	0,194798024	0,00473157
111	RPLP1	5,07022E-07	0,19485919	7,43906E-05
183	RPS12	2,55741E-05	0,198907874	0,002275953
76	RPS10	3,63176E-09	0,206138781	7,78249E-07
102	UCP2	2,33165E-07	0,207870454	3,72287E-05
69	KLF3	8,57814E-10	0,217712905	2,00628E-07
64	GIMAP1	4,08008E-10	0,222896692	1,02228E-07
75	RPL3	1,61516E-09	0,229438584	3,50727E-07
58	TBC1D4	1,49957E-10	0,230038838	4,2107E-08
60	LDHB	1,90171E-10	0,23241634	5,16187E-08
67	EEF1B2	7,22161E-10	0,243401288	1,74444E-07
57	FOXP1	1,30899E-10	0,248152731	3,74004E-08
55	LIMD2	8,61452E-11	0,258485118	2,55084E-08
48	RPS8	8,77967E-13	0,283887763	2,97887E-10
16	TXK	4,63333E-31	0,287691793	4,71615E-28
31	CCR7	4,43298E-19	0,29381441	2,32889E-16
33	LIMS1	1,47577E-17	0,352768158	7,28313E-15
30	GIMAP4	1,44687E-19	0,372427133	7,8546E-17
11	GIMAP7	4,09562E-34	0,564729966	6,06376E-31
2	ITGA4	1,21443E-72	0,70828248	9,8891E-69
82	NEDD4L	1,54502E-08		3,06855E-06
92	GPR55	4,15581E-08		7,3567E-06
138	CHDH	3,18856E-06		0,000376297
176	LOXL1	2,06819E-05		0,001913781
214	CNTNAP1	8,30726E-05		0,006263522

Count of T _{Reg} cells expressing genes VDZ ⁺ vs VDZ ⁻							
	gene	Pr(>Chisq)	log2fc_coef	FDR	Expr_Cells_Treg	Expr_Cells_Treg_VN	Expr_Cells_Treg_VP
1	ITGB1	3,44419E-81	-0,883217881	5,60921E-77	719	576	143
7	VIM	6,78636E-37	-0,607905444	1,57889E-33	1025	669	356
5	S100A4	1,45131E-38	-0,570339321	4,72722E-35	1049	665	384
22	IL32	2,82908E-25	-0,544134167	2,09429E-22	1013	659	354
6	LGALS1	4,16662E-37	-0,506959928	1,13096E-33	482	372	110
25	S100A6	3,43747E-24	-0,405365872	2,2393E-21	1008	642	366
8	HLA-DPB1	1,95076E-36	-0,400331338	3,97127E-33	451	375	76
10	HLA-DRB1	1,21059E-35	-0,367438698	1,97156E-32	365	314	51
12	HLA-DPA1	6,62329E-34	-0,363506346	8,98891E-31	401	338	63
34	AHNAK	6,46101E-17	-0,350386769	3,06853E-14	730	515	215
36	CXCR4	2,24835E-16	-0,3294199	1,01713E-13	631	455	176
20	ALOX5AP	1,45158E-26	-0,309097995	1,18202E-23	432	338	94
44	CD74	6,68181E-14	-0,300902614	2,47318E-11	710	465	245
15	HPGD	1,73677E-31	-0,299412017	1,88567E-28	276	248	28
62	TSC22D3	2,01911E-10	-0,291719654	5,30374E-08	1005	645	360
37	ANXA2	2,45007E-16	-0,289730629	1,07843E-13	607	422	185
19	HLA-DQB1	4,0429E-27	-0,277630084	3,4654E-24	352	296	56
29	PLP2	3,59786E-20	-0,268320538	2,02051E-17	476	346	130
3	LMNA	1,40183E-43	-0,263579888	7,61004E-40	221	215	6
4	CSGALNACT1	1,06631E-40	-0,263187541	4,34147E-37	247	233	14
17	DUSP4	2,90674E-29	-0,259179309	2,78466E-26	292	246	46
21	HLA-DRB5	2,10654E-26	-0,258837852	1,63367E-23	283	245	38
35	FAM129A	6,59452E-17	-0,258266034	3,06853E-14	477	348	129
78	COTL1	4,73529E-09	-0,256039016	9,88704E-07	772	501	271
63	FOSB	3,18156E-10	-0,252978784	8,22458E-08	535	384	151
45	TTC39C	2,29866E-13	-0,248614533	8,31912E-11	570	399	171
40	HERPUD1	8,48821E-15	-0,248417231	3,45597E-12	513	368	145
53	FLNA	2,53891E-11	-0,242437787	7,80163E-09	701	465	236
72	GSTK1	1,06633E-09	-0,241003863	2,41199E-07	828	539	289
71	RTKN2	1,01257E-09	-0,238594408	2,32264E-07	435	317	118
101	S100A10	2,16134E-07	-0,234197687	3,48511E-05	976	619	357
42	HLA-C	2,73093E-14	-0,22387524	1,05895E-11	1138	719	419
23	C15orf53	1,21036E-24	-0,223191482	8,57039E-22	271	234	37
50	PMAIP1	7,53376E-12	-0,221752965	2,4539E-09	434	313	121
108	KLF6	3,56552E-07	-0,218440536	5,37667E-05	840	543	297
110	MTRNR2L12	4,48513E-07	-0,20761775	6,64044E-05	1074	682	392
59	MBP	1,61859E-10	-0,206384745	4,46787E-08	663	436	227
9	CCR10	4,19025E-36	-0,205655832	7,5825E-33	166	165	1
46	LGALS3	3,91455E-13	-0,20560529	1,38592E-10	349	264	85
51	SORL1	1,09889E-11	-0,205457023	3,50913E-09	393	293	100
56	IKZF2	1,04886E-10	-0,204497948	3,05032E-08	445	322	123
41	HLA-DRA	1,73013E-14	-0,203994162	6,87241E-12	285	227	58
32	B2M	3,61107E-18	-0,201226674	1,83781E-15	1142	721	421
83	TTN	1,67325E-08	-0,196531678	3,28319E-06	434	310	124
95	CRIP1	5,10312E-08	-0,194370907	8,74836E-06	583	388	195
124	CYBA	1,35095E-06	-0,191608283	0,000176013	958	610	348
105	ATP2B1	2,83614E-07	-0,189022706	4,39898E-05	600	406	194
81	ITGB2	1,37343E-08	-0,189018198	2,76145E-06	700	452	248
122	CD99	1,14138E-06	-0,188823453	0,000152365	776	497	279
26	FANK1	1,52229E-21	-0,186254043	9,53537E-19	242	209	33
73	SH3BGL3	1,15154E-09	-0,185115489	2,56905E-07	1003	621	382
91	EMB	3,57329E-08	-0,184165468	6,39502E-06	599	400	199
49	C12orf75	1,97858E-12	-0,181096184	6,57617E-10	383	271	112
90	CLIC1	3,47847E-08	-0,177380095	6,29449E-06	888	556	332
193	PPP1R15A	4,0295E-05	-0,17492336	0,003411647	785	514	271
153	LSP1	6,81869E-06	-0,172165071	0,000733302	780	491	289
13	FUT7	3,3468E-32	-0,172049584	4,19276E-29	171	164	7
86	ANXA5	2,45339E-08	-0,171362597	4,64604E-06	526	346	180
169	JUNB	1,47113E-05	-0,17042547	0,001417678	1039	649	390
145	MALAT1	4,41845E-06	-0,168958764	0,000496268	1143	722	421
129	PAG1	1,67874E-06	-0,168145742	0,000211937	554	378	176
170	ZFP36L2	1,60349E-05	-0,168064026	0,001536141	991	628	363

43	ANXA1	3,33538E-14	-0,167301678	1,26325E-11	215	178	37
147	EZR	5,71851E-06	-0,165238984	0,000633549	735	473	262
84	CD84	1,77447E-08	-0,162818944	3,44036E-06	418	296	122
65	PDE3B	4,06566E-10	-0,160699397	1,02228E-07	351	258	93
38	JAML	5,77142E-16	-0,160663604	2,47351E-13	242	199	43
74	HLA-B	1,34308E-09	-0,158845161	2,95587E-07	1141	722	419
24	HLA-DQA1	1,75349E-24	-0,158631818	1,18989E-21	159	150	9
79	GLIPR1	5,37111E-09	-0,154817488	1,10726E-06	404	280	124
18	PI16	1,08974E-27	-0,154406056	9,85974E-25	153	148	5
27	HLA-DQA2	2,05671E-21	-0,154222955	1,24058E-18	162	149	13
164	YWHAB	1,30032E-05	-0,148053377	0,001299494	987	619	368
130	HLA-A	1,83444E-06	-0,145999532	0,000229813	1143	722	421
114	MAL	7,84108E-07	-0,144936518	0,000112017	332	241	91
195	DOK2	4,20239E-05	-0,140729271	0,003509747	656	414	242
220	ACAP1	9,35763E-05	-0,140067861	0,006864793	836	534	302
210	LITAF	7,35415E-05	-0,13964628	0,005703322	587	382	205
215	IQGAP1	8,27451E-05	-0,134434267	0,006263522	622	405	217
199	ITK	4,74144E-05	-0,133911215	0,003880354	537	362	175
112	ACTN4	6,76297E-07	-0,133389704	9,82545E-05	419	291	128
54	PRNP	4,07698E-11	-0,127611302	1,22959E-08	217	174	43
218	TPM4	8,85116E-05	-0,124128159	0,006612384	546	344	202
165	TXN	1,3449E-05	-0,122326017	0,001327462	510	328	182
161	MTRNR2L8	1,11909E-05	-0,114945	0,001132015	381	262	119
136	ENTPD1	2,80111E-06	-0,114933652	0,000335433	289	209	80
88	CST7	3,134E-08	-0,11416517	5,73486E-06	232	174	58
174	UBL3	1,94288E-05	-0,112930796	0,001818494	445	290	155
167	TMX4	1,42716E-05	-0,11226061	0,001391781	388	263	125
120	KRTCAP2	9,92783E-07	-0,110643484	0,000134737	352	240	112
144	CD63	4,12162E-06	-0,109196171	0,000466144	328	231	97
156	LPAR6	9,40425E-06	-0,109116682	0,00098178	286	210	76
225	MAP4K4	9,53033E-05	-0,108831988	0,006898265	408	273	135
181	AKNA	2,46438E-05	-0,108105569	0,002217401	420	278	142
194	CCR4	4,12383E-05	-0,107968158	0,003461888	345	246	99
232	MYO1F	0,000113512	-0,107331943	0,007968316	504	325	179
163	TOB1	1,30859E-05	-0,106104923	0,001299494	351	239	112
157	RABGAP1L	9,85066E-06	0,115079656	0,001021834	414	220	194
28	CD38	1,6811E-20	0,115452228	9,77801E-18	159	37	122
142	KLRB1	3,93527E-06	0,116473594	0,000451336	218	95	123
186	SESN3	2,75867E-05	0,116824406	0,002415467	353	178	175
115	RPLP0	8,36788E-07	0,118437825	0,000118504	1029	646	383
190	CACYBP	3,73609E-05	0,123236745	0,003202421	466	242	224
231	RPL15	0,00010825	0,123315867	0,007631861	1101	693	408
98	GBP4	1,28811E-07	0,127389284	2,14063E-05	296	136	160
219	STK17A	9,09265E-05	0,129922566	0,006761776	489	258	231
201	TLK1	4,86524E-05	0,1314036	0,003943232	559	310	249
207	LAPTM5	6,60653E-05	0,132146458	0,005172784	923	561	362
185	APBB1IP	2,71263E-05	0,132744148	0,00238799	709	409	300
14	CCR9	1,12661E-31	0,137220094	1,31057E-28	95	4	91
140	IL6ST	3,50945E-06	0,137237902	0,000408706	351	176	175
217	RPS5	8,579E-05	0,13978404	0,006438599	1045	643	402
211	HINT1	7,68361E-05	0,143954741	0,005915436	930	561	369
173	H3F3B	1,92135E-05	0,145680757	0,001808732	1119	703	416
227	RPS13	0,000100523	0,14818737	0,007211972	1080	674	406
80	CD59	9,59149E-09	0,149740111	1,95259E-06	358	174	184
221	RPS6	9,31234E-05	0,150086036	0,006864793	1108	691	417
189	TPR	3,37923E-05	0,154863286	0,002911858	800	476	324
134	TCF7	2,56098E-06	0,156383843	0,000313492	453	235	218
223	RPL10A	9,41293E-05	0,159355353	0,006874394	1079	674	405
155	RPS4X	7,96349E-06	0,161944179	0,000836732	1124	708	416
171	LBH	1,62656E-05	0,162959103	0,001549133	646	362	284
148	YPEL3	5,8719E-06	0,163341391	0,000646147	641	357	284
188	GBP2	3,3321E-05	0,167239323	0,002886518	726	418	308
131	RARRES3	2,34588E-06	0,167330083	0,000291642	579	316	263
228	CD2	0,000105867	0,167448722	0,007562096	951	575	376

172	RPL13	1,8491E-05	0,178152701	0,001750841	1133	713	420
118	RGS10	9,33147E-07	0,178778245	0,000127708	597	322	275
70	RACK1	8,62331E-10	0,183952102	2,00628E-07	1092	680	412
107	TRAF3IP3	3,24905E-07	0,184678722	4,94524E-05	932	559	373
89	NOSIP	3,1232E-08	0,185766587	5,73486E-06	515	273	242
100	FYB1	1,91782E-07	0,186532756	3,12336E-05	1033	637	396
133	CD247	2,57939E-06	0,188643602	0,000313492	831	481	350
128	RPS2	1,55835E-06	0,191385025	0,000198276	1134	714	420
205	LTB	5,95586E-05	0,194798024	0,00473157	1040	650	390
111	RPLP1	5,07022E-07	0,19485919	7,43906E-05	1132	712	420
183	RPS12	2,55741E-05	0,198907874	0,002275953	1127	708	419
76	RPS10	3,63176E-09	0,206138781	7,78249E-07	950	572	378
102	UCP2	2,33165E-07	0,207870454	3,72287E-05	863	514	349
69	KLF3	8,57814E-10	0,217712905	2,00628E-07	544	280	264
64	GIMAP1	4,08008E-10	0,222896692	1,02228E-07	604	321	283
75	RPL3	1,61516E-09	0,229438584	3,50727E-07	1126	708	418
58	TBC1D4	1,49957E-10	0,230038838	4,2107E-08	578	307	271
60	LDHB	1,90171E-10	0,23241634	5,16187E-08	973	587	386
67	EEF1B2	7,22161E-10	0,243401288	1,74444E-07	997	609	388
57	FOXP1	1,30899E-10	0,248152731	3,74004E-08	778	454	324
55	LIMD2	8,61452E-11	0,258485118	2,55084E-08	932	548	384
48	RPS8	8,77967E-13	0,283887763	2,97887E-10	1097	683	414
16	TXK	4,63333E-31	0,287691793	4,71615E-28	299	96	203
31	CCR7	4,43298E-19	0,29381441	2,32889E-16	447	199	248
33	LIMS1	1,47577E-17	0,352768158	7,28313E-15	657	343	314
30	GIMAP4	1,44687E-19	0,372427133	7,8546E-17	643	326	317
11	GIMAP7	4,09562E-34	0,564729966	6,06376E-31	803	424	379
2	ITGA4	1,21443E-72	0,70828248	9,8891E-69	483	155	328