

	PBS												DT												p-value DT vs PBS	
	con	con	con	con	AP	AP	AP	AP	AP	AP	AP	AP	con	con	con	con	con	con	con	con	con	con				
F_Coriobacteriaceae	0.3132	0.8419	0.1924	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0054	0.0061	0.0000	0.0000	0.2589	0.5097	0.3143	0.3905	0.0000	0.0547	0.0355	0.0000	0.0000	0.1495	0.5030	0.0000	0.2382	
F_Corynebacteriaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0579	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0122	0.1029	0.1398	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	1.0419	0.3751	0.0903	12.4376	0.6496	1.1931	8.2340	1.0921	0.0319	
F_Micrococcaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.7488	1.5163	11.1403	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0086	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1614	
F_Propionibacteriaceae	0.0000	0.0093	0.0000	0.0652	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0214	0.0000	0.0336	0.0095	0.0000	0.0000	0.0379	0.0144	0.0000	0.0177	0.0392	0.0932	0.0000	0.2648	0.3875	0.0393	
C_Actinobacteria div.	0.0000	0.0000	0.0000	0.1666	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0243	0.0093	0.0000	0.0000	0.0000	0.0117	0.0689	0.0000	0.0177	0.0807	0.1224	0.0000	0.2581	0.3077	0.0099	
P_Bacteroidetes_NA	13.3474	11.0012	3.6826	3.3464	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0135	0.0122	0.0000	0.0429	14.2084	16.1071	14.3020	12.8843	0.0258	0.0676	0.0097	0.0219	0.0612	0.2768	1.0557	0.1482	0.8594	
O_Flavobacteriales	0.0000	0.0000	0.0000	0.3622	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0056	0.0000	0.0000	0.0000	0.0117	0.0287	0.0000	0.0064	0.0219	0.0626	0.0000	0.1489	0.0437	0.2272	
F_Rikenellaceae	0.0000	0.0700	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0306	0.0000	0.0000	0.0333	0.1617	0.0054	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2662	0.0194	0.2813	0.0000	0.2827	
F_Prevotellaceae	0.0176	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0029	0.0000	0.0784	0.0352	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2515	0.0000	0.2764	
F_Porphyromonadaceae	8.2969	6.3017	3.4713	1.5501	0.0000	0.0000	0.2015	0.0000	1.1487	0.0520	0.0057	0.1771	10.2109	10.6127	10.4894	9.2181	0.0316	0.9756	0.0774	0.0000	0.0350	0.6007	1.3635	0.0779	0.7991	
O_Bacteroidales_NA	15.3015	21.6153	7.5048	2.7524	0.0000	0.0000	0.0000	0.0091	4.0436	0.0520	0.0043	0.0037	19.1226	15.0455	12.9498	12.3831	0.0000	0.1095	0.0467	0.0002	0.0422	0.2104	1.7342	0.0380	0.8688	
F_Mariniflavibacteriaceae	4.3227	6.0009	2.4073	1.0503	0.0000	0.0000	0.0000	0.0272	1.0163	0.0612	0.0000	0.0056	4.0521	4.1856	3.4630	5.9948	0.0000	0.0467	0.0097	0.0277	0.0189	0.2076	0.8141	0.0209	0.9915	
G_Bacteroides	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	2.7856	0.0998	15.9283	0.4068	0.1386	0.1921	0.0000	0.0211	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0262	0.0138	1.4264	0.0874	0.1897	
F_Erysipelotrichaceae	0.0618	0.1259	0.0151	0.0000	0.0000	0.0000	0.1656	1.0801	0.1000	0.6240	0.1372	0.0000	1.0071	2.4326	1.8966	0.4634	0.0431	0.1336	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	4.7615	0.7182	0.0152	0.4378
G_Anaerotruncus	0.0000	0.0396	0.0641	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0075	0.0523	0.1266	0.0108	0.0204	0.0000	0.0161	0.0000	0.0000	0.0000	0.0083	0.0000	0.0000	0.8596	
G_Butyrylicoccus	0.0485	0.0723	0.1094	0.0362	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0075	0.0499	0.0914	0.0244	0.0000	0.0000	0.0290	0.0000	0.0000	0.0000	0.0166	0.0000	0.0000	0.638	
G_Oscillibacter	0.0529	0.0117	0.4981	0.0217	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0736	0.0492	0.0081	0.1341	0.0000	0.0451	0.0000	0.0000	0.0364	0.0000	0.0165	0.0266	0.6702	
G_Pseudoflavonifractor	0.0662	0.0000	0.0604	0.0652	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0760	0.1582	0.0108	0.0204	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0165	0.0209	0.7498	
G_Clostridium_IV	0.3793	0.0140	0.0000	0.1521	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1663	0.1441	0.0217	0.0262	0.0000	0.0097	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.9676	
F_Ruminococcaceae_NA	0.1544	1.2011	0.0868	0.0579	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.8171	1.3745	0.3225	0.3643	0.0086	0.0467	0.0000	0.0000	0.0379	0.0000	0.3243	0.0532	0.6651	
G_Eisenbergiella	0.0265	0.2332	0.7207	0.0579	0.0000	0.0108	0.0144	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0029	0.2826	2.0318	0.9865	2.6229	0.0000	0.1095	0.0000	0.0115	0.0000	0.0000	0.7917	0.0827	0.0000	0.6677
G_Fusicatenibacter	0.2073	0.1959	0.8301	0.0652	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.3226	0.1259	0.2918	0.1626	0.3701	0.0000	0.3896	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0199	0.0000	0.8879	
G_Hungateella	0.0706	0.1936	0.0377	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1898	0.0786	0.0495	0.0000	0.0419	0.0000	0.0000	0.0000	0.0277	0.0000	0.0000	0.6736	
G_Marvinbryantia	0.2382	0.3009	0.0302	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.5035	0.6433	0.4850	0.1603	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0083	0.0563	0.0000	0.89	
G_Robinsoniella	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2010	0.0000	2.4788	0.0000	0.2188	
G_Roseburia	0.0000	0.1516	0.0189	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0056	0.0689	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0193	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.8947	
G_Ruminococcus2	0.1720	0.5271	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0428	0.3515	0.0732	0.0117	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0133	0.9721	
G_Clostridium_XIVa	0.0265	0.0373	0.0264	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1164	0.3550	0.0325	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	1.21
F_Lachnospiraceae div.	2.6024	10.4975	6.2219	0.8547	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0061	0.0000	0.0000	0.1790	2.9904	2.5521	0.7479	1.8856	0.0000	0.2866	0.0000	0.0000	0.0000	0.1273	0.6189	0.0285	0.8801	
O_Clostridiales_NA	1.2130	3.8086	0.6603	0.3404	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0485	1.4251	1.6944	0.4119	0.3556	0.0000	0.1578	0.0000	0.0058	0.0000	0.0055	0.2548	0.0000	0.8625	
F_Clostridiaceae_1	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.5524	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0075	3.2564	2.9634	2.8859	2.7453	0.0000	0.0547	0.0113	0.0000	0.0408	0.0000	0.0066	0.0266	0.8808	
C_Clostridia div.	0.0000	0.0000	0.0151	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0075	0.1425	0.0176	0.0000	0.0000	0.0086	0.0000	0.0032	0.0219	0.0000	0.0000	0.0331	0.0931	0.255
G_Enterococcus	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	15.1915	0.0000	0.0792	6.5302	4.4298	4.2457	1.5303	3.1774	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.3025	10.7335	2.3177	0.5592	0.2884	0.0000	4.4050	0.0399	0.5227
G_Lactobacillus	44.6473	28.1130	65.6756	78.9005	9.1243	33.4659	20.5643	17.7800	17.4095	8.9135	32.0816	17.6136	33.0151	29.0294	44.4396	32.5125	32.5727	15.0304	30.1926	9.3648	37.9561	21.5790	20.0920	59.6744	0.2149	
G_Streptococcus	0.6660	0.1936	0.5660	4.7081	0.0534	0.2473	8.3999	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	7.0259	0.0000	0.0084	0.0623	1.0025	4.3113	0.3043	10.6117	15.3801	16.8500	11.5162	13.7444	16.7050	0.1260	
O_Lactobacillales div.	0.0000	0.0233	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0186	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0138	0.0000	0.0000	0.0000	0.0988	0.2843	
G_Staphylococcus	0.0000	0.0000	0.0000	0.0145	0.0000	0.0000	5.4992	0.0318	0.0000	0.0000	0.2458	0.0205	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0172	0.0113	0.5012	2.9529	0.3205	0.0194	0.3574	0.5033	0.8333	
O_Bacillales div.	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0029	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0087	0.0086	0.0000	0.0000	0.0208	0.1092	0.0000	0.0265	0.1785	0.0395	
P_Firmicutes_NA	0.0176	0.2542	0.0075	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0808	0.0949	0.0244	0.0117	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0306	0.0000	0.0000	0.0532	0.6069	
O_Rhodospirillales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0287	0.0000	0.0000	0.0035	0.1311	0.0000	0.0496	0.1633	0.022	
O_Sphingomonadales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0290	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.00																	