

Gene	Protein Position	Amino Acid Change	TH313			TH316			TH347			TH630			TH691			TH730			TH752			TH1000			
			Sup	Deep	LN	Sup	Deep	LN	Sup	Deep	LN	Sup	Deep	LN	Sup	Deep	LN	Sup	Deep	LN	Sup	Deep	LN	Sup	Deep	LN	
ABL1	1050	V/M				0.137	0.295	0.255																			
ABL1	337	M/V				0.15	0.164	0.275																			
ABL1	989	K/X																			0.147	0.105	0.233				
ACVR2A	435	K/X				0.278	0.36	0.564																			
AKT3	238	S/L																			0.12						
APC	571	A/V																							0.392	0.375	0.418
AR	457-458	GG/-					0.254																				
ARID1A	454	Y/*													0.121												
ARID1B	1441	Q/E				0.115	0.138	0.177																			
ATM	1399	T/N															0.651	0.56	0.654								
ATM	1884	T/K				0.151	0.181	0.21																			
ATRX	979	E/*															0.173										
BCL6	425	L/I				0.214	0.233	0.261																			
BRCA2	3129	P/S				0.163	0.18	0.211																			
BRCA2	3278	P/S				0.111	0.135																				
BRCA2	583-584	-/X						0.188																			
BRD4	157-158	FL/L				0.122		0.118																			
CREBBP	1879	Q/*															0.41	0.181									
DPYD	748	G/C										0.243	0.122	0.192													
EGFR	975	P/S										0.223	0.157	0.222													
EPHA5	505	K/T							0.229	0.217	0.143																
EPHB6	1008	Q/L										0.638	0.64	0.551													
ERBB4	785	G/D					0.142	0.152																			
FGFR1	310	V/G				0.14	0.121	0.224																			
FGFR2	172	A/T				0.19	0.234	0.404																			
FGFR2	3	S/N				0.178	0.218	0.36																			
FGFR3	402	S/SX					0.119	0.124																			
FGFR3	779	T/TX				0.178	0.241	0.284																			
FLT4	446	T/M					0.122	0.289																			
GATA3	234	F/X				0.146	0.217																				
GNAS	453	P/S				0.269	0.229																				
JAK1	860-861	-/X				0.131	0.164	0.284																			
JAK3	474	C/G				0.215	0.359	0.529																			
KMT2C	1557	S/X					0.139	0.158																			
KMT2C	864	E/G										0.109															
KMT2D	2400	P/X				0.216	0.22	0.327																			
KMT2D	3117	E/D						0.133																			
KMT2D	3420-3421	I/I				0.142	0.239	0.224																			
MED12	433	Q/R	0.338	0.361	0.399																						
MLH3	328-329	IE/X						0.104																			
MRE11	511	N/X				0.376	0.46	0.523																			
MSH2	362	L/V						0.126																			
MSH2	824	Q/E												0.109													
MTOR	1118	I/N				0.245	0.303	0.376																			
MTOR	1756	E/D					0.137	0.151																			
NOTCH1	450	E/K					0.103																				
NOTCH4	16	L/LLL												0.239	0.237	0.248					0.262	0.257	0.262				
NTRK3	190	I/V						0.131																			
PALB2	1122	D/V	0.102																								
PBRM1	258	N/X				0.248	0.292	0.459																			
PBRM1	298	R/*				0.165	0.29	0.401																			
PDCD1LG2	185	P/X				0.148	0.142	0.316																			
PIK3CA	545	E/K										0.965	0.713	0.927													
PMS2	14	A/T						0.129																			
PMS2	451	R/G					0.106	0.127																			
PPP2R1A	221	R/W				0.266	0.287	0.46																			
PTEN	321	T/X				0.236	0.324	0.389																			
RAF1	452	H/Q				0.158	0.321	0.397																			
RNF43	132	R/*					0.116	0.173																			
RNF43	659	G/X				0.209	0.266	0.298																			
ROS1	750	A/X					0.139	0.134																			
SETD2	1955	E/Q							0.417	0.4	0.402																
SETD2	2285	Q/-												0.385	0.379	0.406											
SRSF2	95	P/T																					0.133				
TERT	112	P/X				0.249	0.218	0.183																			
TERT	537	R/C				0.175	0.219	0.144																			
TERT	614	P/S				0.176	0.202	0.155																			
TP53	175	R/H	0.279		0.14																						
TP53	195	I/T										0.51	0.362	0.342													
TP53	213	R/*																									
TP53	266	G/R															0.828	0.466	0.255		0.174	0.108	0.282				
TSC2	1424	D/Y				0.207	0.24	0.3																			
XPO1	1012-1014	KEH/X															0.207										
ZNRF3	188	A/V				0.228	0.322	0.436																			